

**Table S25. Disease continuum.** To assess the potential role of RXFP3 in controlling aging-associated diseases, we employed an entirely unbiased analysis. We created a database of proteins, extracted from the entire human genome, explicitly and implicitly associated (via PubMed Central text mining using GeneIndexer (<https://geneindexer.com/>)) with input interrogator terms covering the majority of age-associated disease conditions. We termed this dataset of disease-associated proteins the ‘Disease Continuum’. Abbreviations are as follows: Alzheimer’s disease (AD); Amyotrophic Lateral Sclerosis (ALS); Liver disease (LD); Diabetes mellitus (DM); Dementia (D); Chronic obstructive pulmonary disease (COPD); Stroke (S); Chronic Kidney Disease (CKD); Frontotemporal dementia (FTD); Frontotemporal lobar degeneration (FTLD); Huntington’s disease (HD); Chronic Heart Failure (CHF); Mild cognitive impairment (MCI); Neurodegeneration (N); Parkinson’s disease (PD); Cancer (C).

Gene Symbol	Alz	ALS	LD	DM	D	COPD	S	CKD	FTD	FTLD	HD	CHF	MCI	N	PD	C
<i>BDNF</i>	0.214	0.105	0.403	0.125	0.389	0.0174	0.24	0.44	0.319	0.293	0.362	0.246	0.472	0.311	0.361	0.293
<i>SNCAIP</i>	0.113	0.144	0.293	0.425	0.164	0.119	0.176	0.226	0.15	0.247	0.354	0.597	0.358	0.267	0.304	0.113
<i>TTBK2</i>	0.386	0.115	0.188	0.214	0.201	0.105	0.138	0.261	0.236	0.17	0.401	0.219	0.232	0.303	0.315	0.214
<i>GFAP</i>	0.135	0.135	0.289	0.199	0.11	0.208	0.248	0.225	0.214	0.1677	0.221	0.433	0.369	0.33	0.193	0.214
<i>SNAX1</i>	0	0.17	0.236	0	0.21	0.153	0.19	0.276	0.19	0.134	0.496	0.199	0.259	0.477	0.394	0.2214
<i>SAX2</i>	0	0.249	0.28	0.221	0.23	0.219	0.115	0.292	0.226	0.418	0.165	0.165	0.105	0.295	0	0.35
<i>CLN8</i>	0	0.146	0.221	0.184	0.106	0.182	0.205	0.222	0.114	0.1778	0.39	0.351	0.29	0.267	0.358	0
<i>ALS2</i>	0.232	0.154	0.272	0.146	0.115	0.183	0.217	0.232	0.115	0.167	0.294	0.33	0.36	0.222	0	0
<i>TOR1A</i>	0	0.115	0.114	0.12	0.539	0.145	0	0.134	0.307	0.224	0.194	0.19	0.313	0.123	0.141	0.251
<i>PSNP2</i>	0.208	0.236	0.174	0.175	0.123	0	0.214	0.272	0.245	0.3144	0.162	0.17	0.154	0.262	0	0.135
<i>MTOR</i>	0.144	0	0.22	0.333	0.182	0.139	0.185	0.212	0.122	0.138	0.137	0.121	0.175	0.163	0.144	0.34
<i>DARS2</i>	0	0.152	0.267	0.224	0.139	0.154	0.144	0.25	0.111	0.1445	0.19	0.183	0.287	0.243	0	0.241
<i>VPS13A</i>	0	0	0.119	0.313	0.173	0.122	0.129	0.159	0.328	0.227	0.168	0.184	0.12	0.148	0.143	0.196
<i>SPG11</i>	0	0.125	0.324	0.245	0.168	0.161	0.128	0.149	0.222	0.17	0	0.142	0.11	0.175	0	0.373
<i>FAAH</i>	0.231	0.123	0.102	0	0.355	0.188	0.204	0.172	0.155	0.181	0.177	0	0.141	0.114	0	0.327
<i>SCA9</i>	0	0	0.107	0.111	0.102	0.186	0.129	0.103	0.277	0.323	0.123	0.259	0.154	0.11	0.143	0.339
<i>CLN4</i>	0	0.121	0.218	0	0.205	0.286	0.121	0.132	0.268	0.146	0	0.137	0.31	0.124	0.134	0.261
<i>SAX1</i>	0	0.11	0.106	0.248	0	0.332	0.16	0.125	0.121	0.236	0.146	0.145	0.191	0.127	0	0.337
<i>ARF6</i>	0	0	0.193	0.324	0.187	0.163	0.184	0.163	0.12	0.119	0.147	0.149	0.131	0.103	0.142	0.232
<i>ATXN8OS</i>	0	0	0.132	0.296	0.164	0.139	0.131	0.129	0.144	0.204	0.123	0.109	0.201	0.154	0.119	0.304
<i>NHLRC1</i>	0.222	0.164	0.108 4	0.18	0.106	0.194	0.11	0.165	0.116	0.206	0.247	0	0.141	0.208	0	0.18
<i>FPEVF</i>	0	0.13	0.123	0.269	0.266	0.204	0.13	0.166	0.144	0.213	0	0.147	0.392	0	0	0.156
<i>POLG</i>	0	0	0.145	0.308	0.212	0.139	0.314	0.183	0.129	0.14	0.111	0.197	0.11	0.111	0	0.238
<i>MAP1B</i>	0.126	0.401	0.109	0.12	0.388	0	0	0.113	0.158	0.134	0	0.145	0.46	0.179	0	0
<i>EPM2A</i>	0.114	0.159	0.138	0	0.559	0.186	0.122	0.124	0.129	0.136	0.132	0	0.122	0.188	0	0.222

<i>SCA21</i>	0	0	0.138	0.111	0.196	0.173	0.182	0.147	0.18	0.187	0.15	0.137	0.183	0.117	0.142	0.282
<i>ATXN2</i>	0	0.121	0.118	0.243	0.211	0	0	0.113	0.208	0.176	0.103	0.305	0.112	0.248	0.119	0.248
<i>SCA22</i>	0	0	0.133	0.115	0.21	0.11	0.13	0.106	0.123	0.117	0.163	0.317	0.14	0.103	0.142	0.407
<i>SERPINI1</i>	0.106	0.249	0.134	0	0.541	0.286	0.121	0.106	0.172	0.168	0.105	0	0.187	0.104	0	0
<i>SPAST</i>	0	0.108	0.11	0.253	0.189	0.169	0.182	0.115	0.144	0.44	0	0.142	0.322	0.102	0	0
<i>ATXN10</i>	0	0	0.168	0.312	0.164	0.149	0.184	0.159	0.192	0	0.178	0.122	0.101	0.24	0.119	0.171
<i>SCAX2</i>	0	0	0.142	0.275	0	0.156	0.141	0.188	0	0.166	0.13	0.228	0.322	0.104	0.141	0.245
<i>C10ORF2</i>	0	0	0.121	0.307	0.185	0.105	0.183	0.105	0.161	0.143	0.109	0.109	0.13	0.312	0	0.263
<i>PARK4</i>	0	0.137	0.128	0	0.198	0	0	0.106	0.325	0.247	0.185	0.123	0.231	0.177	0.119	0.23
<i>SCA26</i>	0	0	0.103	0.115	0.128	0.187	0.129	0.108	0.158	0.161	0.101	0.128	0.151	0.294	0.141	0.298
<i>SCA19</i>	0	0	0.15	0.115	0.253	0.187	0.181	0.131	0.202	0.183	0.13	0.121	0.104	0.135	0.118	0.191
<i>PLEKHG4</i>	0	0	0.164	0.278	0.293	0	0.106	0.115	0.225	0.153	0.122	0.108	0.14	0.119	0.142	0.196
<i>TRNK</i>	0	0	0.125	0.111	0.268	0.22	0.129	0.141	0.121	0	0.173	0.157	0.113	0.112	0.134	0.343
<i>ATXN7</i>	0	0	0.138	0.274	0.217	0	0	0.104	0.239	0.198	0.114	0.122	0.291	0.15	0.119	0.181
<i>ANE1</i>	0	0.117	0.116	0.144	0.143	0.218	0.128	0.114	0.209	0.227	0	0.147	0.111	0.123	0	0.339
<i>ATXN3</i>	0	0.147	0.126	0.111	0.19	0	0	0.104	0.179	0.173	0.162	0.197	0.215	0.129	0.124	0.255
<i>SPG7</i>	0	0.13	0.159	0.266	0.307	0	0.156	0.11	0.11	0.182	0.183	0.197	0.13	0.177	0	0
<i>SCA20</i>	0	0	0.108	0.111	0.187	0.306	0.126	0.159	0	0.112	0.11	0.127	0.145	0.18	0.14	0.281
<i>NDNF</i>	0	0.108	0.35	0	0.182	0.286	0.121	0.208	0.124	0.115	0.165	0.197	0.112	0.122	0	0
<i>SCA29</i>	0	0	0.1	0.32	0.188	0.136	0.129	0.1	0.208	0.11	0.143	0.108	0.103	0.106	0.142	0.196
<i>SCASI</i>	0	0	0.1	0.288	0	0.154	0.141	0.135	0	0.143	0.188	0.157	0.253	0.155	0	0.372
<i>SPG32</i>	0	0.145	0.188	0.12	0.242	0.157	0.127	0.112	0.143	0.13	0.133	0.116	0.141	0.151	0	0.181
<i>SLC1A2</i>	0.134	0.175	0.124	0	0.228	0.286	0.1	0.107	0.219	0.111	0.157	0	0.275	0.15	0	0
<i>CPAT1</i>	0	0.121	0.174	0.24	0.208	0.218	0.129	0.166	0.102	0.324	0.106	0.131	0.134	0	0	0
<i>CCAL1</i>	0	0.417	0.121	0.23	0.123	0	0	0.11	0.184	0.202	0	0.11	0.162	0.101	0	0.288
<i>SCA25</i>	0	0	0.121	0.115	0.15	0.141	0.13	0.135	0.199	0.135	0.164	0.107	0.118	0.12	0.141	0.27
<i>FRDA2</i>	0	0	0.132	0.28	0.293	0.163	0.193	0.108	0	0	0.227	0.12	0.101	0.186	0.111	0.129
<i>SPG30</i>	0	0.121	0.103	0.248	0.157	0.128	0.127	0.199	0.198	0.13	0	0.155	0.106	0.16	0	0.201
<i>SCAR7</i>	0	0	0.13	0.282	0	0.18	0.167	0	0	0.159	0.169	0.113	0.305	0.136	0.124	0.264
<i>ZNF828</i>	0.1	0.16	0.401	0.108	0.22	0	0.117	0.105	0.106	0.129	0	0.337	0.123	0.119	0	0
<i>MFSD8</i>	0	0.125	0.125	0	0.349	0.171	0.121	0.168	0.182	0.127	0	0.138	0.117	0.401	0	0
<i>SCAX1</i>	0	0	0.16	0.296	0	0.205	0.145	0.187	0	0.139	0.215	0.113	0.137	0.144	0	0.278
<i>CLAM</i>	0	0.131	0.109	0.172	0.143	0.171	0.109	0.122	0.116	0.303	0	0.107	0.14	0.249	0	0.145
<i>CLA3</i>	0	0	0.124	0.278	0	0.323	0.145	0.117	0	0.141	0.107	0.181	0.126	0.106	0.108	0.245
<i>LGI3</i>	0.134	0.138	0.207	0	0.504	0.19	0.121	0.151	0.229	0.108	0	0	0.102	0.11	0	0
<i>FCMTE2</i>	0.128	0.167	0.138	0.119	0.345	0.109	0.127	0.107	0.131	0.14	0	0.101	0.163	0	0	0.218
<i>TBCE</i>	0.322	0.207	0.179	0.12	0.276	0	0	0	0.101	0.243	0.138	0.138	0.155	0.11	0	0
<i>OPA3</i>	0	0	0.116	0.281	0.168	0	0.133	0.182	0.149	0.16	0	0.221	0.288	0.109	0	0.175
<i>TOR1B</i>	0	0	0.22	0	0.177	0.169	0.125	0.112	0.201	0.189	0	0.144	0.17	0.207	0	0.232
<i>PANK2</i>	0	0	0.111	0.279	0.166	0	0.103	0.107	0.162	0.132	0.128	0.13	0.111	0.106	0	0.41
<i>SEPT5</i>	0	0.185	0.121	0	0.205	0	0	0.106	0.241	0.262	0.119	0	0.279	0.125	0	0.301

<i>ERDA1</i>	0	0	0.113	0.288	0.177	0	0	0.108	0.232	0	0.111	0.127	0.246	0.109	0.109	0.307
<i>SMAN1</i>	0	0.203	0.111	0.115	0.151	0	0	0.104	0.199	0.196	0.123	0.197	0.298	0.228	0	0
<i>SPG19</i>	0	0.191	0.109	0.266	0.201	0.146	0.13	0.22	0.103	0.136	0	0.17	0.115	0.134	0	0
<i>KLHL8</i>	0	0	0	0.158	0.26	0.162	0.198	0.177	0	0.218	0.127	0.148	0.114	0.114	0	0.233
<i>SERF2</i>	0	0.123	0.123	0.234	0.182	0	0	0.104	0.221	0.143	0.148	0	0.138	0.35	0.134	0
<i>GABRD</i>	0	0.355	0.189	0	0	0.508	0.107	0.112	0	0.116	0	0	0.181	0	0	0.325
<i>ATN1</i>	0	0.119	0.119	0.115	0.165	0	0	0.107	0.204	0.132	0.155	0.101	0.238	0.173	0.141	0.124
<i>REEP1</i>	0	0.129	0.161	0.259	0.273	0.14	0.13	0.198	0.144	0.145	0	0.168	0.138	0	0	0
<i>SETX</i>	0	0.115	0.15	0.108	0.143	0.149	0.126	0.102	0.124	0.163	0.115	0.115	0.123	0.347	0	0
<i>NIPA1</i>	0	0.12	0.108	0.251	0.183	0.141	0.13	0.196	0.144	0.145	0	0.132	0.175	0.138	0	0
<i>AADAT</i>	0	0.111	0.144	0	0.148	0.136	0.206	0.143	0.314	0.176	0.124	0	0.111	0.114	0.135	0
<i>KLC1</i>	0.172	0.108	0.127	0.135	0.52	0	0	0.154	0.219	0.108	0.114	0	0	0.193	0	0
<i>CDK5R1</i>	0	0.158	0.101	0	0.155	0.138	0.125	0.127	0.242	0.142	0.151	0	0	0.154	0	0.356
<i>CHMP2B</i>	0.253	0.119	0.101	0	0.245	0	0	0.109	0.185	0.222	0.183	0.191	0.114	0.116	0	0
<i>DYT4</i>	0	0	0	0.16	0.182	0.244	0.198	0.114	0.174	0	0.154	0.169	0	0.126	0	0.31
<i>YWHAQ2</i>	0.171	0.179	0	0.104	0.178	0	0	0.108	0.241	0.305	0.126	0.152	0	0.266	0	0
<i>CLN5</i>	0	0.152	0.203	0	0.222	0.286	0.125	0.182	0.268	0.119	0	0	0.114	0.147	0	0
<i>CMT2H</i>	0	0.122	0.132	0.242	0.183	0.152	0.129	0.157	0.129	0.182	0	0.124	0.117	0.138	0	0
<i>FIMG1</i>	0	0	0.406	0.203	0	0.181	0.148	0.111	0	0.172	0	0.219	0.101	0	0	0.265
<i>KLHL1</i>	0.137	0	0	0.107	0	0.196	0.166	0.132	0	0.204	0.155	0.165	0	0.119	0.108	0.315
<i>ETL2</i>	0	0.12	0.113	0	0.222	0.286	0.125	0.142	0.101	0.168	0	0	0.125	0.121	0	0.281
<i>ALDH16A1</i>	0	0.115	0.169	0.261	0.319	0	0.101	0.11	0.133	0.177	0	0.143	0.158	0.108	0	0
<i>DYT13</i>	0	0.125	0.114	0.119	0.143	0.134	0.127	0.114	0.131	0.154	0.161	0.152	0.125	0	0	0.19
<i>SEPT4</i>	0	0.335	0	0	0.231	0	0	0.115	0.296	0.247	0.183	0	0	0.132	0.248	0
<i>ATXN8</i>	0	0	0.194	0.115	0.168	0	0	0.126	0.245	0	0.136	0.11	0.111	0.105	0.121	0.351
<i>HFM</i>	0	0.127	0.11	0.263	0.199	0.207	0.13	0.21	0.144	0.11	0	0.14	0.141	0	0	0
<i>CUEDC1</i>	0	0.133	0.114	0	0.204	0.159	0.121	0.169	0.144	0.211	0.162	0	0.133	0.109	0.121	0
<i>C14ORF23</i>	0	0.122	0.185	0	0.192	0.208	0.121	0.12	0.105	0.11	0.103	0	0.242	0.132	0.135	0
<i>ALS5</i>	0.305	0.142	0	0.104	0.203	0	0	0.125	0.115	0.119	0.141	0.19	0	0.319	0	0
<i>ATXN1</i>	0	0	0.114	0.105	0.34	0	0	0.104	0.249	0.114	0.18	0	0.105	0.144	0.122	0.184
<i>SCAR3</i>	0	0	0.21	0.115	0	0.223	0.145	0	0	0.119	0.163	0.114	0.106	0.16	0.14	0.264
<i>PTPN5</i>	0	0	0.128	0	0.133	0.172	0.194	0.112	0.124	0.265	0.103	0	0.187	0.218	0.121	0
<i>RLS2</i>	0	0.208	0.132	0.11	0.143	0.105	0.127	0.106	0.116	0.153	0.186	0.112	0.1	0	0	0.156
<i>SPG21</i>	0	0.138	0.162	0.24	0.201	0	0.102	0.158	0.128	0.247	0	0.127	0.104	0.142	0	0
<i>AFG3L2</i>	0	0.102	0	0.102	0.189	0	0.123	0.117	0.112	0.182	0.131	0.133	0.129	0.115	0	0.297
<i>SPG27</i>	0	0.243	0.112	0.231	0	0.113	0.16	0.117	0.165	0.101	0	0.144	0.109	0	0	0.234
<i>SIL1</i>	0	0.106	0.116	0.234	0	0	0.121	0.139	0.155	0.152	0.148	0.197	0.124	0.235	0	0
<i>SLC1A3</i>	0	0.215	0.109	0	0.143	0.145	0.121	0.155	0.141	0.107	0.136	0	0.125	0.324	0	0
<i>COL25A1</i>	0.221	0	0.319	0	0.218	0	0	0.101	0.165	0.166	0.155	0	0.128	0.121	0.121	0
<i>GIGYF2</i>	0	0.102	0.11	0	0.167	0	0	0.109	0.14	0.15	0	0.136	0.331	0.13	0	0.337
<i>SPG38</i>	0	0.111	0.133	0.26	0.319	0.138	0.131	0.11	0.114	0.145	0	0.142	0.104	0	0	0

<i>ATP13A2</i>	0	0.109	0.225	0	0.156	0	0	0.11	0.13	0.177	0.203	0.144	0.106	0.139	0	0.208
<i>HLN2</i>	0.103	0	0.117	0	0.221	0	0	0.13	0.157	0.205	0.155	0	0.124	0.113	0.133	0.246
<i>FGF14</i>	0	0	0.109	0	0	0.203	0.157	0.116	0	0.15	0.171	0.132	0.172	0.137	0.14	0.208
<i>DCTN1</i>	0	0.358	0	0.113	0.269	0	0	0	0.144	0.197	0.17	0	0	0.19	0.253	0
<i>SACS</i>	0	0	0.132	0.275	0	0.156	0.145	0.125	0.104	0.229	0.141	0.105	0.113	0.162	0	0
<i>MRST</i>	0	0.108	0.104	0.11	0.143	0.182	0.127	0.11	0.142	0.161	0.161	0.103	0.104	0.127	0	0
<i>LRRK2</i>	0	0.163	0.119	0	0.206	0	0	0.111	0.259	0.124	0	0	0.1	0.203	0.137	0.259
<i>C4ORF19</i>	0	0.117	0.115	0	0.257	0.141	0.121	0.106	0.138	0.17	0.102	0	0.154	0.116	0.135	0
<i>TUBA3D</i>	0	0.105	0.113	0	0.216	0	0	0.14	0.435	0.229	0.155	0	0.144	0.112	0	0
<i>ALSFTD</i>	0.155	0.138	0.119	0.12	0.189	0	0	0.113	0.151	0.239	0.114	0	0.142	0.159	0	0
<i>ATXN1L</i>	0	0	0	0.186	0.267	0	0	0.112	0.364	0	0.127	0	0	0.172	0.23	0.177
<i>JPH3</i>	0	0	0.144	0	0.179	0	0	0.119	0.274	0.174	0.123	0	0.172	0.128	0.134	0.183
<i>PPT1</i>	0	0.227	0.131	0	0.182	0.172	0.125	0.12	0.167	0.128	0	0	0.122	0.119	0.136	0
<i>PARK2</i>	0	0.108	0.125	0	0.205	0	0	0.103	0.157	0.202	0.167	0	0.163	0.169	0	0.223
<i>MT1XP1</i>	0	0.155	0	0.104	0.202	0	0.115	0.134	0.245	0.108	0.158	0.176	0.101	0.122	0	0
<i>PARK12</i>	0	0.116	0.114	0	0.206	0	0	0.103	0.105	0.222	0.104	0.116	0.134	0.119	0	0.279
<i>PNMA1</i>	0	0.138	0	0	0.266	0.177	0.125	0.226	0	0.178	0.134	0	0	0.105	0.269	0
<i>PARK7</i>	0	0.113	0	0	0.24	0	0	0.108	0.287	0.215	0.128	0	0	0.142	0.245	0.139
<i>ACAP3</i>	0	0	0	0	0.37	0.133	0	0.116	0.201	0	0.14	0	0	0.156	0.231	0.269
<i>HAAO</i>	0.117	0	0	0	0.302	0.231	0.147	0.13	0.243	0	0.101	0	0	0.106	0.234	0
<i>HYLS1</i>	0	0	0.154	0	0.147	0.321	0.124	0.146	0.206	0.192	0	0.135	0.184	0	0	0
<i>WDR41</i>	0	0	0.105	0	0.181	0	0	0.136	0.105	0.213	0.159	0	0.104	0.203	0.121	0.281
<i>GRIK3</i>	0	0.37	0.174	0	0	0.532	0.141	0.104	0	0.172	0.114	0	0	0	0	0
<i>RCHTS</i>	0	0	0.105	0.281	0.153	0.142	0.122	0.108	0	0.179	0	0.125	0.138	0.141	0	0.107
<i>XK</i>	0	0	0.109	0.105	0.406	0	0.105	0.107	0.107	0	0.121	0.11	0.213	0	0	0.218
<i>DYT7</i>	0	0	0.16	0.275	0.165	0.146	0.122	0.113	0.124	0.138	0	0.102	0.106	0	0	0.15
<i>MLC1</i>	0	0	0.125	0.226	0.163	0.13	0.201	0.118	0.271	0.12	0	0.111	0.121	0	0	0
<i>LOC643534</i>	0	0.13	0.121	0	0.167	0	0	0.109	0.147	0.245	0.16	0	0	0.121	0.119	0.265
<i>EVR3</i>	0	0.104	0	0.102	0.173	0.162	0.122	0.256	0.101	0.173	0	0.126	0	0	0	0.265
<i>AD6</i>	0.46	0	0.16	0	0.22	0	0	0.109	0.221	0.147	0	0	0.136	0.123	0	0
<i>METRN</i>	0	0.33	0	0	0.339	0	0	0.167	0.107	0.113	0.128	0	0	0.138	0.248	0
<i>LOC646506</i>	0.145	0.134	0.103	0	0.201	0	0.118	0.107	0.239	0.155	0.141	0	0.108	0.118	0	0
<i>PRNP</i>	0	0.159	0	0	0.163	0	0.134	0.102	0.375	0.156	0.118	0	0	0.15	0	0.209
<i>TARDBP</i>	0.246	0.116	0.11	0	0.211	0	0	0.156	0.243	0.139	0.126	0	0.109	0.107	0	0
<i>SLC1A1</i>	0	0.109	0.125	0	0.164	0.216	0.105	0.144	0.206	0.125	0.134	0	0	0.115	0.12	0
<i>CDH12P3</i>	0	0.181	0	0.112	0.204	0	0	0	0.272	0.288	0.134	0	0	0.124	0.242	0
<i>CYP46A1</i>	0.322	0.116	0.125	0	0.314	0	0	0.112	0.126	0.169	0	0	0.143	0.129	0	0
<i>EIG3</i>	0	0	0.101	0.204	0	0.152	0.153	0.163	0	0.202	0	0.202	0.133	0	0	0.242
<i>ASAH2B</i>	0	0.124	0.139	0	0.205	0	0.201	0.102	0.177	0.11	0.172	0	0.145	0.174	0	0
<i>TTBK1</i>	0.114	0.124	0.142	0	0.156	0	0.198	0.114	0.242	0.105	0.103	0	0.124	0.126	0	0
<i>PINK1</i>	0	0.126	0.142	0	0.16	0	0	0.11	0.238	0.12	0	0	0.197	0.106	0	0.348

<i>MBS3</i>	0	0.113	0.107	0.105	0.219	0.104	0.13	0.107	0.117	0.11	0	0.102	0.107	0	0	0.224
<i>S100B</i>	0.109	0.101	0.13	0	0.29	0	0.139	0.142	0.225	0.133	0	0	0.143	0.13	0	0
<i>DYNC1H1</i>	0	0.144	0	0.113	0.174	0	0	0	0.121	0.448	0.118	0.143	0	0.144	0.137	0
<i>BACE1</i>	0.11	0.365	0.206	0	0.255	0	0	0.112	0.172	0.104	0	0	0.103	0.113	0	0
<i>MAPT</i>	0.392	0.125	0.167	0	0.14	0	0	0.109	0.168	0.11	0	0	0.113	0.215	0	0
<i>SNCB</i>	0	0.133	0.115	0	0.211	0	0	0.108	0.157	0.275	0.168	0	0.128	0.109	0.134	0
<i>NDUFB3</i>	0	0.13	0	0.113	0.174	0	0	0.128	0.203	0.269	0.131	0.217	0	0.172	0	0
<i>AMLCR2</i>	0	0	0.115	0.201	0.252	0	0	0.105	0.167	0	0.108	0.105	0.107	0	0.105	0.271
<i>ALS7</i>	0.163	0.14	0	0.101	0.167	0	0	0.104	0.289	0.232	0.12	0	0	0.22	0	0
<i>RTN4</i>	0	0.123	0.115	0.23	0.241	0	0	0.106	0.184	0.183	0	0.116	0.108	0.127	0	0
<i>DOCK3</i>	0.113	0.13	0.219	0	0.227	0	0	0.167	0.13	0.149	0.151	0	0.131	0.115	0	0
<i>VPS54</i>	0.16	0.109	0	0.114	0.359	0	0	0.106	0.194	0.132	0.13	0.117	0	0.109	0	0
<i>CPLX2</i>	0	0	0.19	0	0.176	0.154	0.125	0.12	0	0.292	0.11	0	0.104	0.122	0.134	0
<i>APOD</i>	0.14	0.116	0.365	0	0.148	0	0	0.149	0.23	0.131	0	0	0.116	0.13	0	0
<i>GLUL</i>	0	0.123	0	0	0.24	0.414	0.181	0.117	0.166	0.179	0	0	0	0.103	0	0
<i>SLC30A3</i>	0	0.118	0.107	0	0.222	0.188	0.125	0.226	0.155	0.151	0	0	0.106	0.121	0	0
<i>NPTX2</i>	0	0.143	0.417	0	0.214	0.173	0	0.123	0	0.215	0	0	0.129	0.101	0	0
<i>STH</i>	0.111	0.219	0.13	0	0.163	0	0	0.108	0.222	0.176	0.158	0	0.104	0.123	0	0
<i>CALHM3</i>	0.175	0.13	0.116	0	0.314	0	0	0.112	0.233	0.197	0	0	0.108	0.127	0	0
<i>RAI1</i>	0	0	0.11	0.19	0	0.159	0.15	0.114	0	0	0.142	0	0.105	0	0.214	0.328
<i>PDYN</i>	0	0.105	0.131	0	0.152	0.151	0	0.134	0.185	0.126	0	0	0.123	0.111	0	0.292
<i>ZFAND2B</i>	0.145	0.116	0.172	0	0.184	0	0	0.113	0.186	0	0.166	0	0.1	0.108	0	0.215
<i>UBQLN1</i>	0.249	0.11	0.116	0	0.14	0	0	0.167	0.179	0.123	0.146	0	0.165	0.11	0	0
<i>AD7</i>	0	0.12	0.191	0	0.227	0	0	0.104	0.206	0.24	0.15	0	0.104	0.162	0	0
<i>ZFYVE26</i>	0	0	0.124	0.224	0.139	0.184	0.122	0.116	0.122	0.164	0	0.12	0.189	0	0	0
<i>FEB5</i>	0	0	0.131	0	0.18	0.139	0.124	0.111	0.234	0.266	0	0	0.113	0	0	0.205
<i>EMWX</i>	0	0	0.147	0.202	0	0.152	0.14	0.101	0.133	0.229	0	0.115	0.102	0	0	0.178
<i>CLN3</i>	0	0.109	0.106	0	0.196	0.172	0.105	0.174	0.101	0.152	0	0	0.141	0.121	0.119	0
<i>FUS</i>	0.178	0.15	0	0	0.29	0	0	0.109	0.165	0.235	0.258	0	0	0.111	0	0
<i>TRNW</i>	0	0	0	0.18	0	0.16	0.144	0.12	0	0	0.111	0.126	0.221	0.167	0	0.266
<i>SPG3B</i>	0	0.144	0	0.112	0.225	0	0.115	0.108	0.144	0.137	0.127	0.197	0.184	0	0	0
<i>COCH</i>	0	0.104	0.155	0.235	0.189	0	0	0	0.145	0.311	0	0.227	0.127	0	0	0
<i>ABCD1</i>	0	0	0.118	0.202	0.23	0	0.1	0.127	0.201	0	0	0.233	0.152	0.13	0	0
<i>CDK5</i>	0.184	0.124	0	0	0.303	0	0	0.108	0.183	0.119	0.111	0	0	0.164	0	0.196
<i>PVALB</i>	0	0.117	0.12	0	0	0.507	0.151	0	0	0.195	0.127	0.113	0	0.159	0	0
<i>ITM2B</i>	0.116	0.102	0.108	0	0.25	0	0.135	0.118	0.188	0.119	0.116	0	0.117	0.119	0	0
<i>ATL1</i>	0	0.142	0.125	0.105	0.201	0	0.114	0.129	0.181	0.107	0	0.103	0.178	0.103	0	0
<i>KBTBD11</i>	0	0.11	0.208	0.234	0	0.182	0.147	0.117	0	0.129	0	0.103	0.131	0	0	0.126
<i>TLCD1</i>	0	0.189	0.122	0	0.205	0.154	0.125	0.163	0.144	0.154	0	0	0.108	0.122	0	0
<i>ADNP</i>	0.101	0.127	0.111	0	0.177	0	0	0.107	0.1	0.166	0.249	0	0.162	0.185	0	0
<i>MGR4</i>	0	0.115	0	0.114	0.232	0.174	0.123	0.161	0.216	0.1	0	0.108	0	0	0	0.141

<i>SPG14</i>	0	0.129	0.137	0.115	0	0	0.144	0	0.171	0.126	0	0.112	0.328	0.219	0	0
<i>ZC3H14</i>	0.101	0.141	0.14	0	0.149	0	0	0.11	0.191	0.132	0.233	0	0.123	0.161	0	0
<i>TAAR8</i>	0	0	0.101	0	0.199	0	0	0.101	0.311	0	0.166	0	0	0.135	0.23	0.238
<i>GRIN1</i>	0	0	0.124	0	0.181	0.142	0.124	0.241	0.173	0.264	0.116	0	0	0	0	0.113
<i>CDKL1</i>	0	0	0.192	0	0.158	0.175	0.124	0.16	0.238	0.177	0	0	0.129	0.12	0	0
<i>SRR</i>	0	0.101	0.147	0	0.155	0	0.192	0.131	0.168	0.214	0.125	0	0.124	0.108	0	0
<i>MAP6</i>	0	0.174	0.126	0	0.222	0.113	0	0.137	0.216	0.132	0.106	0	0.13	0.109	0	0
<i>ALS3</i>	0.106	0.103	0	0.104	0.23	0	0	0.13	0.251	0.124	0.143	0.151	0	0.117	0	0
<i>JOSD2</i>	0.139	0	0	0.168	0	0	0	0	0.149	0	0.278	0	0	0.107	0.312	0.305
<i>L2HGDH</i>	0.31	0	0	0	0.174	0.207	0.153	0.111	0.151	0	0	0.103	0.122	0.125	0	0
<i>DYRK1A</i>	0.189	0	0.115	0	0.219	0	0	0.127	0.156	0.285	0.142	0	0.106	0.114	0	0
<i>GRIN3B</i>	0	0.121	0.147	0	0.225	0	0.182	0.135	0.194	0.186	0.149	0	0	0.112	0	0
<i>CSTB</i>	0	0	0.105	0	0.134	0.136	0.126	0.102	0.184	0.139	0.125	0	0.175	0.103	0.121	0
<i>DISC1</i>	0	0.143	0.203	0	0.21	0.143	0	0.122	0.321	0.183	0	0	0.119	0	0	0
<i>TSEN34</i>	0	0.101	0	0	0	0.204	0.129	0.146	0	0.174	0.161	0	0.113	0.105	0	0.309
<i>PHYHIP</i>	0	0	0.151	0	0	0.176	0.15	0.102	0	0	0.113	0	0.183	0.117	0.108	0.34
<i>MYP5</i>	0	0	0.147	0	0.175	0	0	0.117	0.446	0.161	0.153	0.106	0.134	0	0	0
<i>TMEM106B</i>	0.107	0.13	0.141	0	0.146	0	0	0.105	0.198	0.203	0.157	0	0.121	0.128	0	0
<i>NPTX1</i>	0.129	0.116	0.102	0	0.514	0	0	0.127	0	0.219	0	0	0.103	0.123	0	0
<i>ARL5B</i>	0.162	0	0.129	0	0.167	0	0	0.115	0.295	0.219	0	0	0.102	0.243	0	0
<i>FEB7</i>	0	0	0.108	0	0.178	0.173	0.124	0.177	0.139	0.176	0	0.104	0.1	0	0	0.15
<i>MYMY1</i>	0	0.116	0.121	0.24	0.222	0	0.114	0.132	0.146	0	0	0.119	0.217	0	0	0
<i>PARK3</i>	0	0.134	0.128	0	0.152	0	0	0.105	0.115	0.113	0.113	0.112	0.1	0.157	0	0.197
<i>SCA18</i>	0	0.136	0.129	0	0.166	0	0	0.129	0.226	0.209	0.173	0	0	0.145	0.11	0
<i>ASPA</i>	0	0.1	0.155	0.226	0	0.163	0.153	0.117	0	0.101	0	0.125	0.142	0.14	0	0
<i>GRIK2</i>	0	0.108	0	0	0	0.205	0.126	0.112	0	0.448	0.126	0	0	0.192	0.105	0
<i>SPOAN</i>	0	0.123	0.145	0.105	0.167	0	0.116	0	0.242	0.107	0	0.176	0.13	0.111	0	0
<i>SDIM1</i>	0	0.266	0.133	0	0.209	0	0	0.113	0.158	0.144	0.165	0	0.102	0.131	0	0
<i>TPPP3</i>	0	0.227	0	0	0.232	0	0	0.107	0.217	0.178	0.111	0	0	0.105	0.243	0
<i>HECTD2</i>	0	0.101	0.105	0	0.226	0	0.141	0.131	0.144	0.107	0.17	0	0.16	0.132	0	0
<i>BFIC2</i>	0	0	0.108	0.205	0	0.18	0.167	0.147	0	0.199	0	0.11	0.139	0	0	0.161
<i>GRIN2D</i>	0	0	0	0	0.18	0.176	0.146	0.144	0.105	0.152	0.128	0	0	0.383	0	0
<i>FAM178A</i>	0	0	0	0.117	0	0.155	0.155	0.129	0	0	0.212	0.136	0	0.145	0.119	0.246
<i>MBNL1</i>	0	0	0	0	0.289	0	0	0.164	0.344	0	0.102	0	0	0.164	0.115	0.233
<i>SPG9</i>	0	0	0.131	0.199	0	0.179	0.152	0.106	0.146	0.173	0	0.199	0.125	0	0	0
<i>RPSAP52</i>	0.198	0	0.138	0	0.157	0	0	0.123	0.137	0.13	0	0	0.11	0.417	0	0
<i>PQBP1</i>	0	0	0.105	0	0.177	0.189	0.126	0.103	0.144	0.1	0.118	0	0.102	0.106	0.135	0
<i>ATXN3L</i>	0	0	0	0.156	0.141	0	0	0.127	0.188	0	0.108	0	0	0.109	0.226	0.35
<i>NPTXR</i>	0	0.105	0.122	0	0.155	0.26	0	0.123	0.259	0.131	0	0	0.124	0.122	0	0
<i>SGSH</i>	0	0	0.172	0	0.128	0	0	0.114	0.468	0.128	0.155	0	0.128	0.107	0	0
<i>ICCA</i>	0	0	0.201	0.204	0	0.131	0.158	0.104	0	0.192	0	0.122	0.106	0	0	0.181

<i>SPG28</i>	0	0.119	0	0.112	0	0.169	0.145	0	0.223	0.152	0	0.114	0.198	0	0	0.165
<i>CDCP2</i>	0	0.11	0	0	0.153	0	0	0.112	0.235	0	0.234	0	0	0.118	0.234	0.197
<i>NPEPPS</i>	0.288	0.132	0	0	0.293	0	0	0.113	0.106	0.171	0.166	0	0	0.124	0	0
<i>QSER1</i>	0	0.193	0	0	0.266	0	0	0.133	0.264	0.318	0.118	0	0	0.1	0	0
<i>SLC30A6</i>	0	0.185	0.144	0	0.155	0	0	0.17	0.256	0.119	0	0	0.136	0.227	0	0
<i>GRINA</i>	0	0	0	0	0.195	0.178	0.154	0.101	0.19	0.22	0.118	0	0	0.125	0.11	0
<i>ATP8B4</i>	0	0.101	0.109	0	0.21	0	0	0.184	0.268	0.263	0	0	0.101	0.155	0	0
<i>KCTD7</i>	0	0	0.129	0.106	0	0.224	0.148	0.195	0	0.134	0	0.122	0.214	0	0	0.118
<i>MIR103A1</i>	0	0.319	0.122	0	0.21	0	0	0.105	0.189	0.105	0.109	0	0.106	0.125	0	0
<i>SPG41</i>	0	0.23	0	0.112	0.162	0	0.108	0.174	0.186	0.136	0	0.151	0.129	0	0	0
<i>SLC17A5</i>	0	0	0.138	0.106	0.154	0.115	0.122	0.15	0	0.19	0	0.113	0.182	0.116	0	0
<i>FAM72B</i>	0	0.117	0.111	0	0.222	0	0	0.111	0.156	0.286	0.161	0	0.104	0.116	0	0
<i>HTX2</i>	0	0	0.123	0.205	0	0.142	0.145	0.149	0.175	0	0	0.12	0.155	0	0	0.169
<i>FOXP2</i>	0	0	0.102	0	0	0.165	0.157	0.129	0.125	0.229	0.141	0	0.121	0	0.214	0
<i>FEB1</i>	0	0.319	0	0.102	0	0.141	0.155	0.106	0	0.155	0	0.137	0	0	0	0.265
<i>PNMA2</i>	0	0.188	0	0	0.231	0.23	0.128	0.202	0.128	0	0	0	0.142	0.13	0	0
<i>BMS1</i>	0.136	0.324	0	0	0.274	0	0	0.116	0.147	0.221	0	0	0	0.159	0	0
<i>ZNF746</i>	0	0.123	0	0	0.347	0	0	0.115	0.168	0.21	0.111	0	0	0.105	0	0.196
<i>HSD17B10</i>	0.103	0	0.105	0	0.166	0	0.392	0.103	0.23	0	0	0	0.14	0.133	0	0
<i>KCNC3</i>	0	0	0.125	0.106	0	0.158	0.146	0.13	0	0.184	0.134	0.18	0.103	0	0	0.104
<i>CLSTN2</i>	0.108	0	0.172	0	0.222	0	0	0.129	0.154	0.32	0	0	0.102	0.158	0	0
<i>ARC</i>	0	0	0.121	0	0	0.209	0.157	0.128	0	0.472	0.175	0	0.103	0	0	0
<i>MDD2</i>	0.328	0	0.15	0	0.184	0	0	0.105	0.152	0.165	0	0	0.117	0	0	0.162
<i>NPC1</i>	0.141	0.12	0.182	0	0.172	0	0	0.105	0.148	0.197	0	0	0.153	0.142	0	0
<i>RLS4</i>	0	0	0	0	0.159	0	0	0.121	0.359	0.131	0	0	0.105	0.189	0	0.292
<i>ATCAY</i>	0	0	0.103	0.202	0	0.155	0.14	0.122	0	0.201	0	0	0.158	0.101	0.172	0
<i>MROS</i>	0	0	0.122	0.198	0.153	0.185	0.107	0.142	0.225	0	0	0.108	0.113	0	0	0
<i>BACE1-AS</i>	0.121	0	0.266	0	0.213	0	0	0.101	0.111	0.1	0.106	0	0.106	0.225	0	0
<i>LGI1</i>	0	0.141	0.117	0.105	0	0.139	0.167	0.143	0	0.121	0	0.169	0.101	0	0	0.146
<i>EPRPDC</i>	0	0	0.107	0.202	0	0.232	0.148	0.125	0	0.173	0	0.107	0.119	0	0	0.135
<i>SREK1IP1</i>	0	0.115	0.13	0	0.216	0	0	0.179	0.228	0.116	0.137	0	0.103	0.123	0	0
<i>LOC644462</i>	0	0.143	0	0.113	0.166	0	0	0.127	0.161	0.193	0.111	0.173	0	0.16	0	0
<i>TPPP</i>	0.1	0.111	0	0	0.234	0	0	0.122	0.126	0.193	0.18	0	0	0.108	0.172	0
<i>KLHL14</i>	0	0	0	0.186	0.169	0.184	0.11	0.121	0	0	0	0.117	0	0.101	0.12	0.236
<i>CALHM1</i>	0.106	0.206	0.125	0	0.154	0	0	0.11	0.226	0.196	0	0	0.118	0.102	0	0
<i>EIM</i>	0	0	0.109	0.117	0	0.164	0.139	0.103	0	0.209	0	0.132	0.125	0	0	0.245
<i>UCHL1</i>	0	0.198	0	0	0.145	0	0	0.169	0.187	0.113	0.174	0.207	0	0.15	0	0
<i>WTRS</i>	0	0	0.115	0.19	0	0.155	0.139	0.101	0	0.195	0	0	0.12	0	0	0.325
<i>HAP1</i>	0	0.13	0.108	0	0.167	0	0	0.11	0.154	0.163	0.147	0	0.116	0.133	0.109	0
<i>ERVK-16</i>	0	0.383	0	0	0.198	0	0.11	0.1	0.258	0	0.168	0	0	0.116	0	0
<i>CLN6</i>	0	0	0.118	0	0.181	0.114	0.105	0.206	0.202	0.194	0	0	0.104	0.108	0	0

<i>FCMTE1</i>	0	0.13	0.125	0.234	0	0.145	0.14	0.143	0	0.101	0	0.103	0.109	0	0	0.1
<i>TBC1D24</i>	0	0	0.106	0.19	0	0.182	0.148	0.111	0	0.131	0	0.127	0.172	0	0	0.163
<i>HMP19</i>	0	0.139	0	0.103	0.235	0	0	0.106	0.15	0.182	0.167	0.13	0	0.115	0	0
<i>CDH12P1</i>	0	0.124	0	0.102	0.162	0	0	0	0.191	0.192	0.187	0	0	0.125	0.24	0
<i>TRNG</i>	0	0	0.109	0	0.188	0	0	0.103	0.296	0	0.113	0.106	0.249	0.158	0	0
<i>TPPP2</i>	0	0.127	0	0	0.153	0	0	0.107	0.168	0.417	0.129	0	0	0.105	0.115	0
<i>DNAJB2</i>	0	0	0	0.165	0.187	0	0	0	0.191	0	0.112	0	0	0.113	0.298	0.253
<i>PSEN1</i>	0.331	0	0.117	0	0.196	0	0	0.101	0.15	0.197	0	0	0.102	0.12	0	0
<i>LGMD1G</i>	0	0.172	0	0.102	0.158	0	0	0	0.121	0.236	0.168	0.112	0.116	0.128	0	0
<i>CDH12P4</i>	0	0.126	0	0.102	0.291	0	0	0	0.154	0.122	0.129	0	0	0.138	0.251	0
<i>ATG5</i>	0	0.129	0	0	0.269	0	0	0	0.171	0	0.17	0	0	0.267	0.305	0
<i>UTP11L</i>	0	0.16	0.102	0	0.217	0	0	0.115	0.217	0.118	0.162	0	0.117	0.101	0	0
<i>TPP1</i>	0	0	0	0	0.153	0.155	0.146	0.157	0.132	0.253	0	0	0.12	0.191	0	0
<i>DRP2</i>	0	0	0.111	0	0.139	0	0	0.103	0.372	0.215	0	0	0.111	0	0	0.255
<i>GRIN2B</i>	0	0	0.132	0	0.199	0	0.125	0.103	0.167	0.247	0.191	0	0	0	0	0.142
<i>PRND</i>	0	0.149	0	0	0.164	0	0.124	0.102	0.205	0.263	0.166	0	0	0.133	0	0
<i>SLC18A2</i>	0	0	0.135	0	0.202	0	0	0	0.223	0.26	0.111	0	0	0.108	0.266	0
<i>GPR37</i>	0	0.12	0	0	0.145	0	0	0.108	0.236	0.224	0.187	0	0	0.128	0	0.156
<i>MBS2</i>	0	0.107	0.215	0.105	0	0.154	0.16	0.137	0	0	0	0.156	0.161	0	0	0.109
<i>AD9</i>	0	0.2	0.13	0	0.155	0	0	0.111	0.142	0.114	0.182	0	0.144	0.125	0	0
<i>MARK1</i>	0.134	0	0	0	0.184	0	0	0.106	0.16	0.315	0.194	0	0	0.21	0	0
<i>GDAP1</i>	0	0.156	0	0.113	0	0	0.12	0	0.156	0.275	0	0.119	0.244	0.116	0	0
<i>NCSTN</i>	0.131	0	0.198	0	0.186	0	0	0.132	0.197	0	0	0	0	0.455	0	0
<i>MCKD1</i>	0	0.112	0	0.113	0.163	0	0	0	0.303	0.146	0	0.116	0.125	0	0	0.22
<i>GRM4</i>	0	0.106	0.123	0	0	0.267	0.161	0.185	0	0.198	0.127	0	0	0.131	0	0
<i>CPLX1</i>	0	0	0.102	0	0	0.101	0.17	0.102	0	0.291	0.142	0	0.114	0.139	0.134	0
<i>PSNP3</i>	0.17	0.1	0	0	0.162	0	0	0.14	0.128	0.133	0.193	0	0	0.125	0.144	0
<i>RTN4R</i>	0	0.126	0.152	0.105	0.187	0	0	0	0	0.119	0	0.137	0.103	0.365	0	0
<i>GRM5</i>	0	0.165	0.243	0	0	0.105	0.151	0.129	0	0.114	0.233	0	0	0.154	0	0
<i>LRRK1</i>	0	0.11	0	0	0.145	0	0	0.174	0.154	0.251	0.102	0	0	0.16	0	0.196
<i>RNF19A</i>	0	0.22	0	0	0.138	0	0	0.106	0.135	0.368	0.163	0	0	0.16	0	0
<i>GRIN2A</i>	0	0	0.135	0	0.15	0	0.109	0.103	0.409	0.109	0.103	0	0	0	0	0.171
<i>DPP6</i>	0	0.167	0	0	0.316	0.148	0	0.123	0.188	0.132	0.115	0	0	0.1	0	0
<i>PAND2</i>	0	0	0.153	0	0.191	0	0	0	0.172	0.178	0	0.277	0.171	0	0	0.146
<i>GNE</i>	0	0.164	0	0.103	0.21	0	0	0	0.23	0.14	0	0.164	0.147	0.13	0	0
<i>GAN</i>	0	0.106	0	0.114	0.166	0	0	0.11	0.181	0.153	0.111	0.108	0.128	0.108	0	0
<i>MRXSL</i>	0	0	0.168	0.194	0	0.213	0.159	0.12	0	0	0	0	0.137	0	0	0.294
<i>LOC643387</i>	0.213	0.111	0.116	0	0.157	0	0	0.104	0.118	0.102	0.13	0	0.118	0.114	0	0
<i>KIFAP3</i>	0	0.154	0	0.434	0.147	0	0	0	0.208	0.179	0	0	0	0.16	0	0
<i>SORL1</i>	0.138	0.182	0.1	0	0.162	0	0	0.113	0.143	0.203	0	0	0.102	0.138	0	0
<i>ENO2</i>	0.109	0.164	0	0	0.292	0.132	0.125	0.13	0.177	0.152	0	0	0	0	0	0

<i>SCN8A</i>	0	0.117	0	0.113	0	0.194	0.144	0.104	0	0.265	0	0.126	0	0	0	0.213
<i>DPYSL2</i>	0.123	0.114	0.164	0	0.117	0	0	0	0.244	0.214	0.153	0	0	0.147	0	0
<i>GRIK5</i>	0	0.133	0	0	0	0.202	0.112	0.104	0	0.463	0.126	0	0	0.131	0	0
<i>CLSTN3</i>	0.119	0	0.151	0	0.186	0	0	0.113	0.399	0	0	0	0	0.302	0	0
<i>GRIN3A</i>	0	0	0.131	0	0.182	0	0.138	0.103	0.167	0.179	0.106	0	0.152	0.11	0	0
<i>SGCE</i>	0	0	0.139	0.117	0	0.18	0.148	0.105	0	0.127	0	0.145	0.119	0	0	0.187
<i>LGI2</i>	0	0.14	0.115	0	0	0.176	0.162	0.138	0	0.114	0	0.164	0.108	0	0	0.15
<i>NEFH</i>	0	0.123	0	0.102	0.204	0	0	0	0.17	0.265	0.127	0.135	0	0.14	0	0
<i>OTSC5</i>	0.191	0	0.107	0.306	0	0	0	0	0.153	0.114	0	0.169	0.224	0	0	0
<i>PAND1</i>	0	0	0.122	0	0.196	0	0	0.107	0.347	0.179	0	0	0.107	0	0	0.204
<i>RBFOX3</i>	0	0.12	0.121	0	0	0.137	0.155	0.115	0.116	0.186	0.171	0	0	0.139	0	0
<i>GPRASP2</i>	0	0	0.116	0	0	0.121	0.149	0.101	0	0	0.15	0	0.141	0.208	0.136	0.137
<i>NEFL</i>	0	0.129	0	0.102	0.174	0	0	0.104	0.188	0.161	0.151	0.132	0	0.117	0	0
<i>CALHM2</i>	0.117	0.125	0.13	0	0.135	0	0	0.106	0.191	0.111	0	0	0.202	0.137	0	0
<i>SLC17A7</i>	0	0.103	0.125	0	0.215	0.164	0.125	0.244	0	0.138	0	0	0.139	0	0	0
<i>MARCH5</i>	0	0.124	0	0.416	0.154	0	0	0	0.247	0	0.134	0	0	0.177	0	0
<i>CAPN7</i>	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0.123	0	0.542	0	0	0.103	0.324	0
<i>GRIA1</i>	0	0.105	0.133	0	0	0.372	0.144	0	0	0.15	0.146	0	0	0	0	0.201
<i>BHLHB9</i>	0	0.106	0.108	0	0.224	0	0	0.13	0.198	0.167	0.105	0	0.102	0.111	0	0
<i>GRM2</i>	0	0.144	0.108	0	0	0.117	0.107	0.117	0	0.279	0.11	0	0.143	0.126	0	0
<i>KMO</i>	0	0	0.134	0	0.204	0	0	0.103	0.329	0	0.114	0	0	0.132	0.234	0
<i>ZFP64</i>	0.106	0.35	0	0	0.257	0	0	0.102	0.19	0.244	0	0	0	0	0	0
<i>SERF1A</i>	0	0.15	0	0.113	0.174	0	0	0.106	0.161	0.2	0.129	0	0	0.107	0.108	0
<i>DCAF17</i>	0	0	0.118	0.19	0	0.196	0.154	0.151	0	0	0	0.123	0.172	0	0	0.144
<i>AIF1</i>	0.127	0.109	0	0	0.296	0	0	0.14	0.305	0.15	0	0	0	0.119	0	0
<i>SEZ6</i>	0	0	0.123	0	0	0.221	0.157	0.1	0	0.129	0	0	0.101	0.174	0	0.237
<i>PSEN2</i>	0.142	0	0.113	0	0.174	0	0	0.153	0.342	0	0	0	0.129	0.185	0	0
<i>DNMBP</i>	0	0	0.101	0	0.157	0	0	0.102	0.503	0	0	0	0.143	0.23	0	0
<i>IBM3</i>	0	0.16	0	0.1	0.187	0	0	0	0.1	0.292	0	0.13	0	0	0	0.265
<i>DYX5</i>	0	0	0.107	0	0.168	0	0	0.153	0.267	0.114	0	0	0.138	0	0	0.286
<i>GRM1</i>	0	0.123	0.227	0	0	0.149	0.145	0.102	0	0.166	0.209	0	0	0.111	0	0
<i>GRN</i>	0.115	0.125	0.125	0	0.171	0	0	0.104	0.169	0.168	0	0	0.142	0.111	0	0
<i>INA</i>	0	0.103	0	0.113	0.181	0	0	0.112	0.158	0.114	0.221	0.122	0	0.105	0	0
<i>GRIA3</i>	0	0.181	0	0	0	0.204	0.132	0.114	0	0.17	0.114	0	0	0.118	0	0.196
<i>CNTF</i>	0	0.137	0	0.112	0.153	0	0	0	0.149	0.236	0.118	0.21	0	0.113	0	0
<i>OPTN</i>	0	0.132	0	0.403	0.158	0	0	0	0.1	0	0.231	0.101	0	0	0.101	0
<i>SNCA</i>	0	0	0	0	0.189	0	0	0.101	0.231	0.231	0.232	0	0	0.13	0.111	0
<i>AD5</i>	0.111	0.172	0.116	0	0.175	0	0	0.109	0.129	0.176	0	0	0.103	0.133	0	0
<i>MIR659</i>	0.107	0.167	0.12	0	0.137	0	0	0.104	0.168	0.111	0	0	0.195	0.115	0	0
<i>CHRNA4</i>	0	0	0.103	0	0.169	0.178	0	0.123	0.193	0.115	0	0	0.118	0	0	0.223
<i>HMSNO</i>	0	0.144	0	0.424	0	0	0	0	0.149	0.23	0	0.141	0.134	0	0	0

<i>CNTN5</i>	0	0.145	0.138	0.239	0.185	0.113	0	0.137	0	0.158	0	0	0.107	0	0	0
<i>MIR29B2</i>	0.151	0.218	0	0	0.26	0	0	0.114	0.147	0.204	0	0	0	0.126	0	0
<i>SQSTM1</i>	0	0.119	0	0	0.134	0	0	0.121	0.217	0.251	0.184	0	0	0.194	0	0
<i>DBN1</i>	0	0.366	0.101	0	0.217	0	0	0.113	0.135	0.158	0	0	0.13	0	0	0
<i>LGI4</i>	0	0.156	0	0.103	0	0.194	0.144	0.133	0	0.127	0	0.132	0	0	0	0.23
<i>PCDH19</i>	0	0	0.148	0	0	0.136	0.153	0.116	0	0.155	0	0.22	0.134	0	0	0.152
<i>LTN1</i>	0	0.121	0	0.102	0.138	0	0	0.107	0.196	0.144	0.126	0.15	0	0.129	0	0
<i>MRT10</i>	0	0	0.267	0	0	0.129	0.125	0.104	0	0.353	0	0.11	0.124	0	0	0
<i>EFHC1</i>	0	0.113	0.111	0	0	0.129	0.145	0.118	0.116	0.138	0	0	0.151	0	0	0.189
<i>MAPK10</i>	0	0	0.135	0	0.175	0	0.146	0.103	0.199	0.182	0.138	0	0	0.132	0	0
<i>RTN3</i>	0	0.109	0.117	0	0.215	0	0	0.113	0.146	0.136	0.12	0	0.146	0.106	0	0
<i>MAPK8IP1</i>	0.127	0	0	0	0.341	0	0	0.104	0.359	0	0.129	0	0	0.148	0	0
<i>PNPLA6</i>	0	0.147	0	0.102	0.151	0	0	0.104	0.2	0.132	0.115	0.119	0	0.138	0	0
<i>HMNJ</i>	0	0.105	0.109	0.238	0.215	0	0	0	0.121	0.165	0	0.116	0.136	0	0	0
<i>GABBR1</i>	0	0.103	0.124	0	0	0.396	0.162	0.123	0	0.129	0	0	0.167	0	0	0
<i>TRBV5-2</i>	0	0.145	0	0	0.145	0	0.101	0.107	0.208	0	0.153	0	0	0.11	0.234	0
<i>MAB21L1</i>	0	0	0.112	0	0.199	0	0	0.124	0	0	0.129	0	0.105	0.131	0.135	0.266
<i>SLITRK1</i>	0	0.105	0.104	0.273	0	0	0	0.241	0	0	0	0.116	0.138	0	0	0.223
<i>GALC</i>	0	0.164	0	0.114	0.215	0	0	0	0	0.149	0	0.183	0.169	0.206	0	0
<i>C21ORF2</i>	0.106	0	0.109	0	0.209	0	0.133	0.103	0.116	0.211	0	0	0.105	0.108	0	0
<i>BAG5</i>	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0.162	0	0.256	0	0	0.106	0.296	0.204
<i>SLC7A11</i>	0	0.107	0	0	0.198	0	0	0.122	0.102	0.257	0.295	0	0	0.114	0	0
<i>NS2</i>	0	0	0.139	0.193	0	0.281	0.15	0	0	0	0	0.145	0.159	0	0	0.128
<i>TFAM</i>	0	0	0	0	0.29	0	0	0.109	0.144	0	0.111	0	0	0.109	0.105	0.326
<i>GCDH</i>	0	0	0.156	0	0.175	0	0.197	0.114	0.174	0	0.114	0	0.148	0.115	0	0
<i>SPG12</i>	0	0.2	0	0.102	0	0	0.127	0	0.258	0.209	0	0.103	0.191	0	0	0
<i>RNF182</i>	0	0.101	0.134	0	0.214	0	0	0.101	0.209	0.22	0	0	0.1	0.109	0	0
<i>CPLX4</i>	0	0	0.113	0	0	0.204	0	0	0	0.176	0.168	0.103	0.171	0.133	0.119	0
<i>HECW1</i>	0.158	0.104	0	0.101	0.151	0	0	0	0.236	0.202	0.126	0	0	0.109	0	0
<i>USPL1</i>	0	0.118	0	0.421	0.146	0	0	0	0.153	0.192	0	0	0	0.154	0	0
<i>SYP</i>	0	0	0.134	0	0.147	0.381	0	0.122	0	0.129	0	0	0.17	0.1	0	0
<i>SIGMAR1</i>	0	0.125	0.158	0	0.21	0	0	0.106	0.138	0.163	0.114	0	0	0.168	0	0
<i>APBB3</i>	0.164	0	0.167	0	0.187	0	0	0.102	0.284	0	0	0	0	0.276	0	0
<i>AIC</i>	0	0	0.168	0	0	0.177	0.234	0	0	0	0	0	0.487	0	0	0.113
<i>HSPB8</i>	0	0.14	0	0.113	0.168	0	0	0	0.165	0.195	0.14	0.15	0	0.107	0	0
<i>FHDC1</i>	0.133	0.108	0	0	0.258	0	0	0.111	0.442	0.126	0	0	0	0	0	0
<i>BPPV</i>	0	0	0	0.185	0	0.281	0.107	0	0	0.15	0	0.117	0.113	0	0	0.224
<i>CTXN1</i>	0	0.113	0	0	0.231	0.134	0	0.119	0.186	0.102	0	0	0	0.106	0	0.184
<i>THAP1</i>	0	0	0.103	0.204	0.122	0	0.104	0.106	0.159	0	0	0.115	0.112	0	0	0.148
<i>UBAP2</i>	0.125	0.188	0.124	0	0.183	0	0	0.104	0.203	0.114	0	0	0	0.131	0	0
<i>TRIM65</i>	0	0.125	0.118	0	0.118	0	0	0.124	0.367	0.113	0	0	0.101	0	0.103	0

<i>BCYRN1</i>	0	0	0.106	0	0.197	0	0	0.128	0.378	0.147	0	0	0.104	0.109	0	0
<i>KRIT1</i>	0	0.113	0	0	0	0.205	0.145	0.103	0.115	0	0	0.12	0.17	0	0	0.197
<i>KCNQ2</i>	0	0	0	0	0	0.191	0.112	0.125	0	0.199	0	0.2	0.164	0	0	0.176
<i>MRT8</i>	0	0	0.122	0	0	0.155	0.127	0.147	0	0.39	0	0.113	0.113	0	0	0
<i>USP14</i>	0	0	0.108	0	0.179	0.178	0	0.122	0.166	0.122	0.187	0	0	0.103	0	0
<i>HMN7A</i>	0	0.124	0	0.403	0	0	0	0	0.154	0.147	0.152	0.185	0	0	0	0
<i>SCZD1</i>	0.101	0	0.139	0	0.183	0	0	0	0.132	0.241	0	0	0.116	0	0	0.252
<i>KCNIP3</i>	0	0	0.116	0	0.175	0.114	0	0.138	0.181	0.145	0.174	0	0	0.121	0	0
<i>UBQLN2</i>	0.166	0.174	0	0	0.146	0	0	0.117	0.196	0	0.26	0	0	0.104	0	0
<i>KIAA0196</i>	0	0.151	0	0.112	0.16	0	0	0.104	0.303	0	0.128	0.103	0	0.101	0	0
<i>SCAX3</i>	0	0	0	0	0.143	0	0	0.106	0	0.528	0.144	0	0	0	0	0.241
<i>CNTNAP2</i>	0	0	0.104	0.117	0	0.194	0.139	0.126	0	0	0	0.109	0.17	0	0	0.202
<i>CKB</i>	0	0	0	0	0.162	0	0.16	0.12	0	0.237	0.115	0	0	0.103	0.263	0
<i>VSNL1</i>	0	0.105	0.12	0	0.165	0.174	0	0.134	0.101	0.132	0	0	0.112	0.117	0	0
<i>AAAS</i>	0	0	0.111	0.117	0.225	0	0.104	0.107	0.123	0.158	0	0.112	0.103	0	0	0
<i>PTX4</i>	0	0	0.185	0	0.193	0.178	0	0.123	0	0	0	0	0.48	0	0	0
<i>GTSCR1</i>	0	0	0.178	0.198	0	0.278	0.159	0.114	0	0	0	0	0.129	0	0	0.102
<i>TAGLN3</i>	0	0	0.155	0	0.197	0.134	0	0.138	0.202	0.187	0	0	0.145	0	0	0
<i>MYP12</i>	0	0	0.42	0	0.207	0	0	0	0.175	0.249	0	0	0.107	0	0	0
<i>FGF20</i>	0	0	0	0	0.285	0	0	0.127	0.148	0.233	0	0	0	0.148	0.217	0
<i>RLS</i>	0	0	0.164	0.117	0	0.15	0	0	0	0.127	0.151	0.113	0.16	0	0	0.175
<i>CHAT</i>	0	0.124	0.116	0	0.214	0	0	0.107	0.194	0.164	0	0	0.129	0.109	0	0
<i>EMX1</i>	0	0.117	0.127	0	0	0.117	0.166	0.118	0	0.137	0.13	0	0.127	0	0.116	0
<i>SLC6A3</i>	0	0	0.145	0	0.278	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0.603
<i>PSMA2L</i>	0	0.119	0	0.113	0.174	0	0	0.106	0.116	0.164	0.1	0.125	0	0.136	0	0
<i>PARK10</i>	0	0.116	0	0	0.198	0	0	0.114	0.248	0.184	0	0	0	0.106	0	0.186
<i>MANF</i>	0	0.125	0	0	0.103	0	0.106	0.113	0.296	0.13	0.141	0	0	0.138	0	0
<i>IGHMBP2</i>	0	0.125	0	0.112	0.189	0	0	0.125	0.166	0.157	0	0.108	0	0.165	0	0
<i>KCNN3</i>	0	0	0.121	0	0	0.12	0	0.102	0	0	0.11	0	0.119	0	0.214	0.361
<i>GBA</i>	0	0	0.118	0	0.169	0	0	0.136	0.256	0.225	0	0	0.107	0.134	0	0
<i>C10ORF112</i>	0	0	0.455	0	0.235	0	0	0.103	0.189	0	0	0	0	0.163	0	0
<i>TAAR7P</i>	0	0	0.105	0	0.169	0	0	0.116	0.201	0	0.106	0	0	0.113	0.105	0.229
<i>EPPS</i>	0	0	0.129	0	0	0.176	0.152	0.131	0	0.216	0	0.105	0.102	0	0	0.133
<i>SCN1A</i>	0	0	0.106	0	0	0.17	0.169	0.117	0	0.212	0	0.112	0.147	0	0	0.11
<i>ENUR1</i>	0	0	0.119	0.193	0	0.279	0.152	0	0	0	0	0.11	0.155	0	0	0.134
<i>RNF146</i>	0	0.122	0.116	0	0.21	0	0	0.134	0.213	0	0	0	0	0.345	0	0
<i>GAPDH</i>	0	0.139	0	0	0.17	0	0	0	0.113	0	0.3	0	0	0.111	0.306	0
<i>ADNP2</i>	0	0	0.128	0	0.204	0	0	0.135	0.235	0	0.218	0	0.104	0.115	0	0
<i>AUTS3</i>	0.244	0	0.144	0	0.184	0.167	0.126	0.165	0	0	0	0	0.109	0	0	0
<i>TIMM8AP1</i>	0	0	0.184	0.117	0	0.125	0.169	0.114	0	0	0	0.122	0.104	0	0	0.203
<i>NOVA1</i>	0	0.151	0.103	0	0	0.364	0	0.142	0.13	0	0	0	0	0	0	0.247

<i>LGMD1H</i>	0	0.152	0	0.102	0.256	0	0	0	0.174	0.198	0	0.101	0.151	0	0	0
<i>CST3</i>	0	0.115	0	0	0.144	0.168	0.124	0.127	0.14	0.203	0	0	0	0.111	0	0
<i>CELF3</i>	0	0	0	0	0.11	0	0	0.12	0.21	0	0.113	0	0	0.106	0.24	0.232
<i>MGR2</i>	0	0	0.124	0	0	0.218	0.102	0.202	0.178	0	0	0	0.112	0	0	0.195
<i>LIX1</i>	0	0.129	0	0.113	0.209	0	0	0.106	0.13	0.195	0	0.124	0	0.125	0	0
<i>HPCA</i>	0	0.138	0	0	0	0.201	0	0.117	0	0.205	0.107	0	0	0.102	0.26	0
<i>NDS</i>	0	0	0	0.165	0.3	0	0.145	0	0.165	0	0	0.106	0.131	0.116	0	0
<i>ATOD3</i>	0	0	0.246	0	0.285	0	0	0.107	0.36	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>TRAK2</i>	0	0.102	0	0.407	0	0.157	0.163	0	0	0	0.163	0	0	0.134	0	0
<i>MIR107</i>	0.104	0	0.123	0	0.186	0	0	0.128	0.339	0	0	0	0	0.246	0	0
<i>TM2D3</i>	0	0.108	0.13	0	0.208	0	0	0.14	0.108	0.32	0	0	0	0.111	0	0
<i>SPG37</i>	0	0.105	0	0.429	0	0	0	0	0.139	0.139	0	0.158	0.152	0	0	0
<i>ASPG1</i>	0.172	0	0.115	0	0	0.364	0.169	0.158	0	0	0	0	0.144	0	0	0
<i>ALDH18A1</i>	0	0	0.109	0	0.169	0	0.109	0.103	0.218	0	0	0	0.121	0.104	0	0.188
<i>DNAI1</i>	0	0.172	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0.161	0	0.209	0.319
<i>FAM155A</i>	0.13	0	0.136	0	0.183	0	0	0.113	0.113	0	0.127	0	0.1	0	0.215	0
<i>CTSD</i>	0	0	0	0	0.166	0	0	0.138	0.187	0.466	0	0	0	0.16	0	0
<i>NYS2</i>	0	0	0.12	0.19	0	0.104	0.156	0	0	0.14	0	0.125	0.11	0	0	0.17
<i>VAPB</i>	0	0.138	0	0.102	0.172	0	0	0.127	0.184	0.157	0.115	0	0	0.119	0	0
<i>GABRB3</i>	0	0	0.129	0	0	0.136	0.127	0.202	0	0.161	0	0	0.114	0	0	0.243
<i>NAGLU</i>	0	0	0.176	0	0.203	0	0	0.128	0.157	0.177	0	0	0.117	0.152	0	0
<i>DAOA</i>	0	0	0.139	0	0.195	0	0	0	0.166	0.107	0	0	0.177	0	0	0.325
<i>PABPN1</i>	0	0.124	0	0.1	0.194	0	0	0	0.1	0	0.217	0	0	0.101	0.273	0
<i>IMPS</i>	0.102	0.102	0.111	0	0.161	0	0	0.11	0.216	0.11	0	0	0	0.194	0	0
<i>MT3</i>	0	0.131	0.23	0	0.222	0	0	0	0.174	0.243	0	0	0	0.106	0	0
<i>LINGO1</i>	0	0.168	0	0.103	0.255	0	0	0	0.165	0.13	0	0.117	0	0.167	0	0
<i>GLRA1</i>	0	0.147	0	0	0	0.202	0.136	0.172	0	0.218	0	0	0	0	0	0.227
<i>MPPED2</i>	0	0	0.136	0	0	0.118	0.145	0	0	0	0.109	0	0.251	0	0.342	0
<i>CHRNA7</i>	0	0	0.137	0	0.197	0.134	0	0.133	0.187	0.197	0	0	0.115	0	0	0
<i>C7ORF25</i>	0	0.145	0	0.113	0.188	0	0	0	0.15	0.211	0	0.153	0	0.138	0	0
<i>GRID2</i>	0	0	0.109	0	0	0.171	0.135	0	0	0.178	0	0	0.149	0.123	0	0.232
<i>COX3</i>	0	0	0	0.165	0.268	0	0.115	0	0.117	0	0	0.124	0	0.188	0.12	0
<i>MAOB</i>	0	0	0.133	0	0.171	0	0	0.135	0.194	0.111	0	0	0	0.134	0	0.218
<i>TIMM8A</i>	0	0	0.103	0.197	0	0	0.259	0.122	0	0	0	0	0.165	0.125	0.125	0
<i>SYNDIG1L</i>	0	0	0	0	0.172	0	0	0.109	0.119	0	0.312	0	0	0.112	0.27	0
<i>RPS23</i>	0.135	0	0.101	0	0.176	0	0	0.103	0.393	0	0	0	0	0.185	0	0
<i>LOC653080</i>	0	0.148	0	0.354	0.327	0	0	0	0.106	0.158	0	0	0	0	0	0
<i>MRT9</i>	0	0	0.114	0	0	0.259	0.125	0.118	0	0.159	0	0.146	0.168	0	0	0
<i>GRIA2</i>	0	0.22	0	0	0	0.156	0.112	0	0	0.179	0.133	0	0	0.131	0	0.156
<i>BPTF</i>	0	0.267	0	0	0.264	0	0	0.167	0.221	0	0	0	0	0.168	0	0
<i>SCN2A</i>	0	0	0	0.187	0	0.164	0.152	0.122	0	0	0	0	0.263	0	0	0.198

<i>TMEM216</i>	0	0	0.416	0	0	0.131	0.119	0	0	0.159	0	0.145	0.116	0	0	0
<i>HTT</i>	0	0	0.218	0	0.201	0	0	0	0.153	0	0.167	0	0.1	0.125	0.12	0
<i>MAP1LC3A</i>	0	0	0	0	0.243	0	0	0	0.118	0	0.213	0	0	0.177	0.333	0
<i>SCZD13</i>	0	0	0.102	0	0.23	0	0	0.114	0.173	0.218	0	0	0.109	0	0	0.137
<i>KIAA1191</i>	0	0	0	0	0.283	0	0	0.127	0.167	0	0.143	0	0	0.123	0.239	0
<i>SLC25A15</i>	0	0	0.177	0.192	0	0.147	0.154	0.106	0	0	0	0.172	0.134	0	0	0
<i>FAM189A2</i>	0	0	0	0.164	0	0.15	0.152	0	0	0	0.112	0.1	0	0.103	0.108	0.192
<i>TACO1</i>	0	0	0.112	0	0.122	0	0.115	0.103	0	0	0	0.173	0.138	0.125	0	0.193
<i>MGR3</i>	0	0.105	0	0	0	0.2	0.124	0.152	0.107	0.2	0	0	0	0	0	0.191
<i>SAMHD1</i>	0	0	0	0	0.172	0.148	0.16	0.226	0	0	0	0	0.141	0	0	0.231
<i>MS4A6E</i>	0	0	0.165	0	0.168	0	0	0.114	0.183	0	0	0	0.147	0.163	0.137	0
<i>CDH19</i>	0	0	0	0.503	0	0	0	0	0	0	0	0.574	0	0	0	0
<i>TMEM132D</i>	0	0.308	0.123	0	0.121	0	0	0.127	0.132	0.152	0	0	0.112	0	0	0
<i>RAB39B</i>	0	0	0.125	0	0	0.243	0.124	0.13	0	0	0	0	0.24	0	0	0.211
<i>DURS1</i>	0	0	0.284	0	0	0.17	0.142	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0.325
<i>DLST</i>	0	0	0.119	0	0.179	0	0.102	0.103	0.184	0	0.125	0	0.115	0.145	0	0
<i>PADI2</i>	0	0.1	0	0	0.123	0	0	0.172	0.165	0.162	0.13	0	0	0.22	0	0
<i>OTSC1</i>	0	0	0.302	0.333	0	0	0	0	0	0.165	0	0.147	0.125	0	0	0
<i>NTNG2</i>	0	0	0.152	0	0	0.238	0.122	0.192	0	0.176	0	0	0.191	0	0	0
<i>SPTBN4</i>	0	0	0	0.156	0	0.15	0.144	0.106	0	0.103	0	0.164	0	0	0	0.246
<i>PACRG</i>	0	0.119	0	0	0.197	0	0	0	0.133	0.264	0	0	0	0.107	0	0.247
<i>SRPX2</i>	0	0	0.194	0	0	0.139	0.273	0.139	0	0	0	0	0.118	0	0	0.203
<i>DHCR24</i>	0.138	0	0.126	0	0.183	0	0	0.14	0.269	0	0	0	0.105	0.105	0	0
<i>SPG45</i>	0	0.134	0.106	0.27	0	0	0.105	0	0	0.214	0	0.118	0.119	0	0	0
<i>GSM1</i>	0	0	0.153	0.206	0	0	0	0	0.156	0.165	0	0.103	0.166	0	0	0.116
<i>PRNT</i>	0	0.132	0	0	0.198	0	0.124	0.101	0.244	0	0.149	0	0	0.116	0	0
<i>ASD1</i>	0	0	0.19	0	0	0.171	0	0	0.29	0	0	0.132	0.126	0	0	0.153
<i>NGB</i>	0	0.115	0	0	0.164	0	0.128	0.102	0.234	0.197	0	0	0	0.121	0	0
<i>C9ORF72</i>	0.125	0.106	0	0	0.26	0	0	0.118	0.147	0.15	0	0	0	0.155	0	0
<i>SORT1</i>	0.116	0.123	0	0	0.265	0	0	0	0.153	0.279	0	0	0	0.125	0	0
<i>STUB1</i>	0	0.118	0	0	0.203	0	0	0	0.177	0	0.435	0	0	0.125	0	0
<i>MRT5</i>	0	0	0.134	0	0	0.169	0.115	0.137	0	0.224	0	0.155	0.124	0	0	0
<i>BDMR</i>	0	0	0.189	0.194	0	0.124	0.14	0	0	0	0	0.101	0.165	0	0	0.143
<i>EGI</i>	0	0	0.126	0	0	0.129	0.11	0.202	0	0.196	0	0	0.129	0	0	0.164
<i>GPM6A</i>	0	0	0.105	0.207	0	0.216	0	0.141	0	0.278	0	0	0.108	0	0	0
<i>PPR1</i>	0	0	0	0	0	0.15	0.142	0.161	0	0.287	0	0	0	0	0	0.314
<i>TRNF</i>	0	0	0	0.155	0	0.198	0.164	0	0	0	0	0.108	0	0.185	0	0.243
<i>ASTN1</i>	0	0	0.107	0	0	0.211	0.145	0.101	0	0.26	0	0	0.128	0.101	0	0
<i>FIG4</i>	0	0.132	0	0.112	0.174	0	0	0.104	0.141	0.166	0	0.117	0	0.106	0	0
<i>NECAB3</i>	0.137	0	0.188	0	0.182	0	0	0.113	0.292	0	0	0	0	0.14	0	0
<i>HSP90AB2P</i>	0	0.142	0	0	0.198	0	0	0.109	0.102	0	0.21	0	0	0.184	0.105	0

<i>ANKK1</i>	0	0	0.101	0	0.15	0	0	0	0.239	0.215	0	0	0.146	0	0	0.197
<i>SGCZ</i>	0	0	0	0.186	0	0.193	0.143	0.119	0	0.191	0	0	0	0	0	0.216
<i>MPDMRS</i>	0	0	0.11	0.194	0	0.213	0.158	0	0	0.135	0	0.117	0.12	0	0	0
<i>IDE</i>	0.222	0	0.117	0	0.185	0	0	0.127	0.227	0	0	0	0	0.169	0	0
<i>SLC9A9</i>	0	0	0.146	0	0.189	0	0	0.113	0.197	0	0.242	0	0.157	0	0	0
<i>PQBP4</i>	0	0	0	0	0.27	0	0	0	0.161	0	0.198	0	0	0.118	0.111	0.185
<i>TRNA</i>	0	0.108	0	0.113	0	0	0.127	0	0.279	0	0.106	0.194	0	0.113	0	0
<i>SCZD6</i>	0.112	0	0.164	0	0	0	0	0	0.157	0.165	0	0	0.116	0	0	0.325
<i>DPH5</i>	0	0.134	0	0.392	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0.173	0.202	0	0
<i>CACNG2</i>	0	0	0.131	0	0	0.156	0.119	0.152	0	0.199	0	0	0	0	0	0.281
<i>TBP</i>	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0.279	0	0.151	0	0	0.115	0.115	0.214
<i>CNSN</i>	0	0	0.123	0	0.17	0	0.15	0.131	0.192	0	0	0	0.156	0.115	0	0
<i>NRN1</i>	0	0.125	0.163	0.298	0	0	0	0	0	0.196	0	0.139	0.116	0	0	0
<i>TTPA</i>	0	0	0.104	0	0.204	0	0	0.118	0.192	0.19	0	0	0.111	0.118	0	0
<i>PCP4</i>	0	0	0.117	0	0	0.129	0	0.124	0	0.197	0.108	0	0	0.102	0.259	0
<i>GRIK1</i>	0	0.123	0.109	0	0	0.197	0.145	0.108	0	0.131	0.101	0	0	0.122	0	0
<i>DCLK1</i>	0	0	0.111	0	0	0.132	0.125	0.131	0	0.182	0.123	0	0.232	0	0	0
<i>ACO2</i>	0	0.218	0	0	0	0	0	0	0	0.212	0	0	0.12	0.106	0.379	0
<i>COMT</i>	0	0	0.176	0	0.138	0	0	0	0.234	0.194	0	0	0.158	0	0	0.135
<i>GLRA3</i>	0	0.116	0	0	0	0.202	0.136	0.124	0	0.13	0	0	0	0	0	0.327
<i>TM2D2</i>	0.104	0.1	0.1	0	0.116	0	0	0.104	0.16	0.108	0	0	0.114	0.125	0	0
<i>CMTX3</i>	0	0.115	0	0.405	0	0	0.12	0	0	0.155	0	0.104	0.131	0	0	0
<i>CC2D2A</i>	0	0	0.118	0	0	0.129	0.105	0	0	0.105	0	0.147	0.113	0	0	0.312
<i>CSE</i>	0	0	0	0.117	0	0.171	0.142	0.101	0	0	0.199	0.123	0	0	0	0.176
<i>TNR</i>	0	0.109	0.13	0	0	0.358	0.141	0	0	0.184	0	0	0.107	0	0	0
<i>HTR6</i>	0	0	0.107	0	0.168	0	0	0.141	0.225	0.114	0	0	0.109	0	0	0.164
<i>MRX28</i>	0	0	0.482	0	0	0.136	0.216	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0
<i>MOB3B</i>	0.119	0.109	0	0	0.252	0	0	0.103	0.328	0.117	0	0	0	0	0	0
<i>CLU</i>	0	0	0	0	0.159	0	0	0.109	0.272	0.238	0	0	0	0.137	0.111	0
<i>BACE2</i>	0.117	0	0.159	0	0.183	0	0	0.102	0.21	0	0	0	0.114	0.141	0	0
<i>SMA4</i>	0	0.13	0	0.399	0.183	0	0	0	0.1	0.112	0.102	0	0	0	0	0
<i>ZNF699</i>	0	0	0.173	0	0.19	0	0	0.11	0.166	0.262	0	0	0.123	0	0	0
<i>SPRNP1</i>	0	0.138	0	0	0.138	0	0.109	0.121	0.224	0	0.158	0	0	0.135	0	0
<i>LY6E</i>	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0.215	0	0.246	0	0	0.106	0.115	0.183
<i>APBA2</i>	0.152	0	0.14	0	0.184	0	0	0.149	0.152	0	0	0	0.114	0.13	0	0
<i>MGR</i>	0	0.132	0	0	0	0.2	0.102	0.138	0.115	0.166	0	0	0	0	0	0.167
<i>ATD</i>	0	0	0.135	0.217	0	0	0.11	0	0	0.197	0	0.139	0.222	0	0	0
<i>CCL2</i>	0	0	0	0.277	0.467	0	0	0	0.276	0	0	0	0	0	0	0
<i>DCX</i>	0	0.139	0.106	0	0	0.176	0.145	0.104	0	0.124	0.12	0	0.105	0	0	0
<i>FMR1</i>	0.214	0	0.104	0	0.183	0	0.229	0.107	0	0	0	0	0.182	0	0	0
<i>BSCL2</i>	0	0.194	0	0.103	0	0	0.147	0	0.124	0.166	0	0.137	0.145	0	0	0

<i>COHEN1</i>	0.101	0	0.143	0.115	0	0.141	0.141	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0.236
<i>NRGN</i>	0	0	0.149	0	0	0.22	0.112	0.149	0	0.266	0	0	0.116	0	0	0
<i>DDU</i>	0	0	0	0.507	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0.34
<i>TUBB2A</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0	0	0.416	0.199	0	
<i>RSRC1</i>	0	0.406	0.139	0	0	0	0	0	0.145	0.114	0	0	0.105	0	0.102	0
<i>DFNA43</i>	0	0	0.205	0.209	0	0	0	0	0	0.196	0	0.144	0.257	0	0	0
<i>ECA1</i>	0	0	0	0	0	0.339	0.222	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0.316
<i>COX10</i>	0	0	0	0.156	0.187	0	0.257	0	0	0	0	0.139	0.151	0.12	0	0
<i>HTRA2</i>	0.104	0.114	0	0	0.154	0	0	0.113	0.126	0.132	0.135	0	0	0.132	0	0
<i>RAB7L1</i>	0	0.201	0	0	0.161	0	0	0.126	0.161	0	0	0	0	0.144	0.216	0
<i>NUB1</i>	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0.139	0.192	0.112	0	0	0.125	0.266	0
<i>ARX</i>	0	0	0.101	0	0	0.171	0.132	0.107	0	0.239	0	0	0.149	0	0	0.108
<i>HPE6</i>	0.145	0	0.113	0	0	0.12	0.162	0.129	0.216	0	0	0	0.121	0	0	0
<i>VCP</i>	0	0.121	0	0	0.156	0	0	0.123	0.166	0.197	0.128	0	0	0.113	0	0
<i>VPS41</i>	0	0	0	0	0.242	0	0	0	0.186	0	0.156	0	0	0.112	0.308	0
<i>GRIN2C</i>	0	0	0.14	0	0.197	0	0.107	0.114	0.173	0.139	0.134	0	0	0	0	0
<i>SEZ6L2</i>	0	0	0.125	0	0	0.172	0.151	0.195	0	0	0	0	0.135	0	0	0.225
<i>VMD1</i>	0	0	0	0.55	0	0	0	0	0	0.17	0.181	0	0	0	0.102	0
<i>C7ORF57</i>	0	0.103	0	0	0.138	0	0	0.131	0.17	0.165	0.18	0	0	0.116	0	0
<i>CACNG3</i>	0	0	0	0	0	0.123	0.149	0.125	0	0.314	0	0	0	0	0	0.291
<i>TRIM2</i>	0	0.112	0	0.112	0	0.194	0.165	0.103	0	0.203	0	0	0	0.113	0	0
<i>ATG4B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0.429	0	0	0.153	0.28	0
<i>UBE4B</i>	0	0.134	0	0.395	0	0	0	0	0.14	0	0.221	0	0	0.111	0	0
<i>MA</i>	0	0	0	0	0	0.191	0.131	0.125	0	0.181	0	0.134	0	0	0	0.238
<i>NOS1</i>	0	0.135	0	0	0.161	0	0.222	0	0.139	0	0.122	0	0	0	0	0.221
<i>FGGY</i>	0	0.103	0	0	0.175	0	0	0.121	0.107	0.348	0	0	0	0.144	0	0
<i>TTR</i>	0	0	0.113	0.192	0.176	0	0	0.112	0.127	0	0	0.134	0.144	0	0	0
<i>NRSN1</i>	0	0.101	0	0	0.196	0	0	0	0.171	0.216	0	0.164	0	0.149	0	0
<i>CHRFAM7A</i>	0	0	0.122	0	0.192	0	0	0.118	0.253	0.201	0	0	0.111	0	0	0
<i>GRM7</i>	0	0	0.134	0	0	0.158	0.111	0.137	0	0.247	0	0	0.21	0	0	0
<i>AFF2</i>	0.119	0	0.105	0	0	0.358	0.166	0.123	0	0	0	0	0.126	0	0	0
<i>GRINL1A</i>	0	0.112	0	0	0.198	0	0.112	0.138	0.126	0	0.163	0	0	0.147	0	0
<i>BECN1</i>	0	0	0	0	0.211	0	0	0	0.151	0	0.186	0	0	0.128	0.32	0
<i>MRX31</i>	0	0	0.45	0	0	0.169	0.127	0	0	0	0	0	0.25	0	0	0
<i>MEHMO</i>	0	0	0.104	0	0	0.231	0.118	0.118	0	0	0	0	0.154	0	0	0.269
<i>NEUROD6</i>	0	0	0.122	0	0	0.152	0.119	0.123	0	0.17	0.12	0	0.188	0	0	0
<i>MRPL32</i>	0	0.125	0	0.113	0.214	0	0	0	0.11	0.168	0	0.138	0	0.125	0	0
<i>UBXN4</i>	0	0.131	0	0	0.268	0	0	0.15	0.211	0	0.113	0	0	0.12	0	0
<i>MAP2</i>	0	0.125	0	0	0	0.202	0.143	0.114	0.18	0.123	0	0	0	0.106	0	0
<i>MRX17</i>	0	0	0.104	0.22	0	0.192	0.154	0	0	0	0	0	0.322	0	0	0
<i>LOH19CR1</i>	0	0	0	0.189	0	0.16	0.152	0	0	0	0	0.14	0.132	0	0	0.218

<i>HCN1</i>	0	0	0	0	0	0.192	0.125	0.183	0	0.166	0.137	0	0	0	0	0.184
<i>SLC33A1</i>	0	0	0	0.156	0.294	0	0	0.125	0.11	0	0	0.104	0	0.198	0	0
<i>SCN9A</i>	0	0	0	0.189	0	0.197	0.152	0.109	0	0	0	0.14	0	0	0	0.198
<i>SLC6A9</i>	0	0	0.101	0	0	0.167	0.102	0.127	0	0.182	0.117	0	0.189	0	0	0
<i>CMDR</i>	0	0	0	0.187	0.267	0	0	0	0.273	0	0	0.124	0.133	0	0	0
<i>UBE2K</i>	0	0	0	0	0.237	0	0	0	0.142	0	0.163	0	0	0.135	0.307	0
<i>ERVW-4</i>	0	0.139	0	0	0.138	0	0.113	0.101	0.166	0	0.175	0	0	0.151	0	0
<i>MDD1</i>	0	0.128	0.123	0	0.146	0	0	0.124	0.107	0.145	0	0	0.21	0	0	0
<i>LOC728519</i>	0	0.106	0	0.105	0.247	0	0	0	0.112	0.413	0	0	0	0	0	0
<i>KIF24</i>	0.125	0.11	0	0	0.258	0	0	0.119	0.102	0.268	0	0	0	0	0	0
<i>SLC44A5</i>	0	0.132	0	0.396	0.181	0	0	0.104	0.168	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCKL2</i>	0	0	0.101	0	0	0.211	0.107	0	0	0	0	0.179	0.167	0	0	0.215
<i>NPAS3</i>	0	0	0.136	0	0	0.344	0	0.118	0	0.224	0	0	0.157	0	0	0
<i>NEFM</i>	0	0.103	0	0.395	0	0	0	0	0	0.197	0	0.132	0	0.151	0	0
<i>CHRNA6</i>	0	0	0.134	0	0.192	0.179	0	0.123	0	0.227	0	0	0.121	0	0	0
<i>SCAX4</i>	0	0.12	0	0	0.145	0	0.109	0.125	0.204	0.13	0	0	0	0.141	0	0
<i>HAR1A</i>	0	0	0.13	0	0	0.233	0.12	0.134	0.128	0.229	0	0	0	0	0	0
<i>AIMP2</i>	0	0.156	0	0	0.198	0	0	0	0.153	0	0.176	0	0	0.134	0	0.156
<i>TM4SF20</i>	0	0	0.111	0	0	0.191	0.215	0.133	0	0	0	0	0.121	0	0	0.202
<i>SPRN</i>	0	0.15	0	0	0.198	0	0.148	0.1	0.162	0	0.107	0	0	0.108	0	0
<i>FRAXE</i>	0	0	0.39	0	0	0.206	0.139	0.111	0	0	0	0	0.126	0	0	0
<i>SCGN</i>	0.113	0	0	0	0.306	0	0	0.104	0.141	0.308	0	0	0	0	0	0
<i>GABRB1</i>	0	0	0	0	0	0.25	0.132	0.1	0	0.49	0	0	0	0	0	0
<i>PTLAH</i>	0	0	0.119	0.218	0	0	0	0	0	0.153	0	0.1	0.128	0	0	0.253
<i>QPCT</i>	0	0	0.11	0	0.195	0	0	0.14	0.277	0	0	0	0.106	0.139	0	0
<i>FEB2</i>	0	0	0	0	0	0.127	0.16	0.126	0	0.175	0	0.113	0	0	0	0.265
<i>GRIA4</i>	0	0.165	0	0	0	0.21	0.128	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0.301
<i>APBB1</i>	0.159	0	0.119	0	0.184	0	0	0.128	0.141	0	0	0	0.123	0.11	0	0
<i>CCS</i>	0.169	0.114	0	0	0.264	0	0	0	0.138	0.115	0	0	0	0.162	0	0
<i>PSMC2</i>	0	0	0	0	0.171	0	0	0.106	0.242	0	0.1	0	0	0.105	0.238	0
<i>FMR3</i>	0.105	0	0.358	0	0	0.136	0.15	0	0	0	0	0	0.213	0	0	0
<i>TGM6</i>	0	0	0	0	0.18	0	0.124	0.12	0	0	0.157	0	0	0.105	0.275	0
<i>ARHGAP18</i>	0	0.107	0.12	0	0	0	0	0	0.107	0.392	0	0	0.132	0	0.103	0
<i>PSMC5</i>	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0.103	0	0.31	0	0	0.117	0.313	0
<i>SUSD1</i>	0.171	0.119	0	0	0.143	0	0	0.102	0.147	0.13	0	0	0	0.148	0	0
<i>MYP13</i>	0	0	0	0.561	0	0	0	0	0	0.112	0	0.158	0.129	0	0	0
<i>KIAA1267</i>	0.224	0.126	0	0	0.143	0	0	0.141	0.102	0	0.119	0	0	0.103	0	0
<i>GLRB</i>	0	0.108	0	0	0	0.205	0.141	0.131	0	0.169	0	0	0	0	0	0.203
<i>DOPEY2</i>	0	0	0.135	0	0	0.173	0.147	0.11	0	0.25	0	0	0.141	0	0	0
<i>MRX1</i>	0	0	0.202	0	0	0.167	0.167	0	0	0	0	0	0.419	0	0	0
<i>ZLS</i>	0	0	0.137	0	0	0.141	0.296	0	0	0	0	0	0.207	0	0	0.173

<i>ECE2</i>	0	0	0.106	0	0.169	0	0	0.102	0.111	0.15	0	0	0.199	0.116	0	0
<i>ADCK3</i>	0	0	0	0.184	0	0	0.201	0	0	0	0	0.128	0	0.145	0	0.292
<i>MCS</i>	0	0	0.13	0.223	0	0.141	0.148	0	0	0	0	0	0.307	0	0	0
<i>FLAD1</i>	0.13	0.118	0	0	0.261	0	0	0.114	0.102	0	0.109	0	0	0.115	0	0
<i>UQCRRQ</i>	0	0	0	0	0.221	0.179	0.14	0.264	0	0	0	0	0	0.144	0	0
<i>ZNF592</i>	0	0	0	0.155	0	0.14	0.143	0	0	0	0	0	0.223	0	0.103	0.183
<i>DFNA4I</i>	0	0	0.115	0.105	0	0	0	0	0	0.342	0	0.273	0.112	0	0	0
<i>TSPEAR</i>	0	0.128	0	0.1	0	0.194	0.163	0.117	0	0	0	0.112	0	0	0	0.132
<i>PITX3</i>	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0.127	0.129	0	0.147	0.155	0.121	0.151
<i>PCMT1</i>	0.182	0	0.101	0	0.174	0	0	0.104	0.165	0	0	0	0.111	0.108	0	0
<i>PIN1</i>	0.113	0.185	0	0	0.258	0	0	0.101	0.147	0	0	0	0	0.141	0	0
<i>ABAT</i>	0	0	0.105	0	0	0.233	0.116	0.136	0	0.254	0	0	0.101	0	0	0
<i>SPG26</i>	0	0.14	0	0.347	0	0	0	0	0.123	0.18	0	0.155	0	0	0	0
<i>BEND2</i>	0	0	0.171	0	0	0.175	0.111	0.144	0	0	0	0	0.134	0	0	0.21
<i>SCN2B</i>	0	0	0	0	0	0.197	0.202	0.11	0	0	0	0.298	0	0	0	0.138
<i>SNCG</i>	0	0	0	0	0.19	0	0	0.107	0.203	0.214	0	0	0	0.12	0.111	0
<i>SOD1</i>	0.128	0.107	0	0	0.238	0	0	0	0.219	0	0.143	0	0	0.11	0	0
<i>SCRG1</i>	0	0.154	0	0	0.161	0	0.108	0.139	0.17	0.107	0	0	0	0.105	0	0
<i>L15</i>	0	0	0	0.206	0	0	0	0	0	0	0	0.4	0.131	0	0.207	0
<i>LINGO2</i>	0	0.134	0	0	0.255	0	0	0.115	0.244	0	0	0	0	0.196	0	0
<i>GOLGA8F</i>	0.123	0	0.33	0	0	0.142	0.169	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0
<i>SURF1</i>	0	0	0	0.305	0	0	0.135	0	0	0	0	0.145	0	0.358	0	0
<i>GPR88</i>	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0.125	0.106	0	0.122	0.147	0.134	0.196
<i>DRDSP1</i>	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0.136	0.137	0	0	0.101	0.24	0.191
<i>APH1B</i>	0.11	0	0.125	0	0.188	0	0	0.111	0.275	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>SHISA9</i>	0	0.147	0.185	0	0	0.23	0.141	0.127	0	0	0	0	0.111	0	0	0
<i>CHGB</i>	0	0.131	0	0	0.197	0	0	0.126	0.244	0.122	0	0	0	0.12	0	0
<i>UBE2D4</i>	0	0	0	0	0.197	0	0	0.135	0.126	0	0	0	0	0.482	0	0
<i>JRK</i>	0	0	0.125	0	0	0.135	0.136	0.104	0	0.163	0	0	0	0	0	0.275
<i>SPG29</i>	0	0.177	0	0.351	0	0	0.163	0	0	0	0	0.135	0.112	0	0	0
<i>CTPL1</i>	0	0	0	0.106	0.16	0	0	0	0.191	0.288	0	0.192	0	0	0	0
<i>LARS2</i>	0	0.176	0	0	0	0	0.178	0	0.349	0	0.108	0	0	0.122	0	0
<i>ASPG3</i>	0.108	0	0.123	0	0	0.335	0.146	0.104	0	0	0	0	0.116	0	0	0
<i>GJD2</i>	0	0.21	0	0.1	0	0.153	0.165	0.139	0	0.165	0	0	0	0	0	0
<i>MS4A4A</i>	0	0	0.112	0	0.139	0	0	0.128	0.158	0	0	0	0.127	0.13	0.137	0
<i>SERF1B</i>	0	0.192	0	0.101	0.159	0	0	0	0.106	0.144	0	0	0	0.229	0	0
<i>C9ORF4</i>	0	0.1	0	0	0.198	0.247	0.147	0.122	0.117	0	0	0	0	0	0	0
<i>GABRA5</i>	0	0	0.114	0	0	0.198	0.125	0.148	0	0.235	0	0	0.111	0	0	0
<i>CACNA1A</i>	0	0	0	0	0	0.195	0.125	0.13	0	0.116	0	0	0	0.146	0	0.218
<i>PSMC1</i>	0	0	0	0	0.171	0	0	0.163	0.141	0	0.108	0	0	0.112	0.235	0
<i>PABPC1P2</i>	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0.119	0	0.439	0	0	0	0.103	0

<i>SYN2</i>	0	0	0.129	0	0	0.152	0.141	0.171	0	0.22	0	0	0.116	0	0	0
<i>ZBTB11</i>	0.138	0.125	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0.428	0	0	0	0.113	0
<i>MRX50</i>	0	0	0.107	0	0	0.166	0.164	0	0	0	0	0	0.49	0	0	0
<i>AUTS5</i>	0.113	0	0.124	0	0	0.178	0.152	0	0	0	0	0	0.36	0	0	0
<i>KCNMB3P1</i>	0	0	0	0	0	0.195	0.116	0.123	0	0	0.192	0	0	0	0	0.3
<i>IMMP2L</i>	0	0	0.196	0	0	0.174	0.133	0	0	0	0	0	0.196	0	0	0.226
<i>IL6</i>	0	0	0	0	0.13	0	0.125	0	0.448	0	0	0	0	0	0	0.222
<i>METTL2A</i>	0.103	0	0.137	0	0.185	0	0	0.127	0.202	0	0	0	0	0.17	0	0
<i>PCBP3</i>	0.124	0.144	0	0	0.257	0	0	0.137	0.147	0	0	0	0	0.115	0	0
<i>WWC1</i>	0	0	0.125	0	0.161	0	0	0.109	0.247	0.173	0	0	0.109	0	0	0
<i>PTOS1</i>	0	0	0.169	0.342	0	0	0	0	0	0.16	0	0.147	0.105	0	0	0
<i>GUST</i>	0	0	0.188	0	0	0.188	0.119	0.121	0	0.152	0	0	0.155	0	0	0
<i>CH25H</i>	0.113	0	0.125	0	0.188	0	0	0.112	0.269	0	0	0	0	0.115	0	0
<i>MRT12</i>	0	0	0.122	0	0	0.129	0.133	0.121	0	0.174	0	0.117	0.125	0	0	0
<i>APH1A</i>	0.428	0	0	0	0.174	0	0	0.102	0.113	0	0	0	0	0.103	0	0
<i>FRAXA</i>	0	0	0.177	0	0.121	0	0.102	0.131	0	0	0.141	0	0.131	0	0.116	0
<i>SPTBN2</i>	0	0.116	0	0	0	0.202	0	0	0	0.109	0.127	0	0	0.103	0.261	0
<i>HPCAL1</i>	0	0	0.115	0	0.168	0	0	0.106	0.106	0.172	0	0	0.107	0.144	0	0
<i>SLC1A6</i>	0	0.121	0	0	0	0.201	0.128	0.112	0	0.132	0.106	0	0	0.118	0	0
<i>TUBA1C</i>	0	0	0	0.129	0.345	0	0	0	0.444	0	0	0	0	0	0	0
<i>C9ORF11</i>	0.147	0.103	0	0	0.153	0	0	0.116	0.102	0.15	0	0	0	0.145	0	0
<i>FSHMD1B</i>	0	0.125	0	0.104	0.248	0	0	0	0.174	0.15	0	0.115	0	0	0	0
<i>UBE2L1</i>	0	0	0	0	0.14	0	0	0.197	0.128	0	0	0	0	0.45	0	0
<i>GABRA6</i>	0	0	0	0	0	0.198	0.14	0.108	0	0.222	0	0	0	0	0	0.244
<i>ANIB3</i>	0	0	0	0.107	0.535	0	0	0	0.165	0	0	0.105	0	0	0	0
<i>SEPT1</i>	0	0	0	0	0.532	0	0	0.127	0.251	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCZD7</i>	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0.207	0.222	0	0	0.161	0	0	0.184
<i>ABCA2</i>	0	0	0	0.118	0.201	0	0	0.105	0.166	0.176	0	0	0	0.142	0	0
<i>MME</i>	0	0	0.105	0	0.194	0	0	0.111	0.382	0.116	0	0	0	0	0	0
<i>TOMM40</i>	0.109	0	0.145	0	0.174	0	0	0.101	0.175	0	0	0	0.102	0.102	0	0
<i>MRX65</i>	0	0	0.111	0.218	0	0.215	0.161	0	0	0	0	0	0.201	0	0	0
<i>VGF</i>	0	0.102	0	0	0.156	0	0	0.109	0.102	0.289	0	0	0	0.148	0	0
<i>LPPR4</i>	0	0	0.208	0	0	0.196	0.154	0.123	0	0.109	0	0	0.116	0	0	0
<i>EEF1A2</i>	0	0.118	0	0	0.269	0	0	0.121	0.107	0.187	0	0	0	0.103	0	0
<i>GABRA2</i>	0	0.114	0.13	0	0	0.121	0.144	0.123	0	0.273	0	0	0	0	0	0
<i>ALDOC</i>	0	0.111	0	0	0	0.122	0.142	0.172	0	0.222	0	0	0	0.135	0	0
<i>FRMD7</i>	0	0	0	0.189	0	0.119	0.153	0	0	0	0	0.143	0.111	0	0	0.188
<i>HCA1</i>	0.129	0	0.335	0	0	0.136	0.169	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0
<i>CRBN</i>	0	0	0.105	0	0	0.197	0.138	0.151	0	0	0	0	0.109	0	0	0.202
<i>GTS</i>	0	0	0.112	0.116	0	0.16	0	0	0	0	0	0.243	0.125	0	0	0.145
<i>ZC3H15</i>	0	0	0	0	0.128	0	0	0.381	0.278	0	0	0	0	0.114	0	0

<i>APBA3</i>	0.297	0	0	0	0.184	0	0	0.104	0.172	0	0	0	0	0.143	0	0
<i>SCZD10</i>	0.103	0	0.355	0	0	0	0	0	0.206	0.122	0	0	0.114	0	0	0
<i>DGCR</i>	0	0	0.209	0	0.191	0.132	0.125	0.129	0	0	0	0	0.113	0	0	0
<i>USP31</i>	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0.149	0	0.263	0	0	0.178	0	0.156
<i>RAB3GAP2</i>	0	0	0.138	0.216	0	0.17	0.147	0	0	0	0	0	0.124	0	0.102	0
<i>ALDH5A1</i>	0	0	0.125	0	0	0.129	0.134	0.134	0	0.126	0	0	0.125	0.124	0	0
<i>SYNPR</i>	0	0	0.156	0	0.189	0.132	0	0.133	0	0	0	0	0.184	0.103	0	0
<i>MRT11</i>	0	0	0.111	0	0	0.129	0.15	0.137	0	0.142	0	0.103	0.125	0	0	0
<i>MSD</i>	0.134	0	0.123	0	0	0.189	0.157	0.143	0	0	0	0	0.151	0	0	0
<i>MHAC</i>	0.105	0	0.156	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0.119	0.167	0	0	0.207
<i>LCS1</i>	0	0	0.101	0.216	0	0.198	0.152	0	0	0	0	0.102	0.127	0	0	0
<i>ANKS1B</i>	0.257	0.11	0	0	0.272	0	0	0.123	0.134	0	0	0	0	0	0	0
<i>BEAN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.241	0	0	0.136	0.205	0.314
<i>SCN3A</i>	0	0	0	0	0	0.197	0.244	0.123	0	0	0	0.146	0	0	0	0.184
<i>PPR3</i>	0	0	0	0	0	0.198	0.112	0.16	0	0.2	0	0	0	0	0	0.223
<i>KLK6</i>	0	0.122	0	0	0.204	0	0	0.106	0.175	0	0	0	0	0.284	0	0
<i>CHMP4B</i>	0	0	0	0	0.224	0	0	0.221	0.333	0	0	0	0	0.112	0	0
<i>GAL</i>	0	0.112	0.1	0	0.166	0	0	0.108	0.14	0.126	0	0	0.138	0	0	0
<i>ANKRD11</i>	0	0	0.203	0	0	0.152	0.208	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0.129
<i>APL2</i>	0.113	0	0.132	0	0.128	0	0	0.103	0.304	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>ZNF804A</i>	0	0	0.121	0	0.189	0	0	0.101	0.245	0.127	0	0	0.105	0	0	0
<i>CACNG4</i>	0	0	0	0	0	0.323	0.131	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0.326
<i>LDHD</i>	0	0	0	0	0.188	0	0.163	0.12	0.142	0	0.155	0	0	0.119	0	0
<i>CLSTN1</i>	0.116	0	0.129	0	0.173	0	0	0.155	0.202	0	0	0	0	0.112	0	0
<i>GRM8</i>	0	0	0.151	0	0	0.188	0.142	0.117	0	0.175	0	0	0.114	0	0	0
<i>SFXN5</i>	0	0	0	0	0.215	0	0	0	0.139	0	0.132	0	0	0.218	0	0.181
<i>SULT4A1</i>	0	0	0.105	0	0.125	0	0	0.141	0.244	0	0	0	0.142	0	0	0.127
<i>MARK4</i>	0	0	0	0	0.229	0	0	0.263	0.163	0	0	0	0	0	0	0.229
<i>MCOLN1</i>	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0.162	0.146	0	0.185	0.13	0.11	0	0
<i>MFN2</i>	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0	0.128	0	0.292
<i>GRID1</i>	0	0	0.185	0	0	0.18	0.212	0	0	0.202	0	0	0	0.101	0	0
<i>GRM3</i>	0	0.124	0.101	0	0	0.14	0.162	0.116	0	0.135	0	0	0.101	0	0	0
<i>DCTN5</i>	0	0.416	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0.223	0	0	0	0.113	0
<i>DYX8</i>	0.129	0	0.117	0	0	0	0	0	0.203	0.285	0	0	0.144	0	0	0
<i>SPG24</i>	0	0.113	0	0.362	0	0	0	0	0	0.122	0	0.157	0.123	0	0	0
<i>PANK3</i>	0	0	0	0	0.236	0	0	0	0.184	0	0.136	0	0	0.165	0	0.155
<i>ANMA</i>	0	0	0.101	0.221	0	0.215	0.152	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0
<i>TUKLS</i>	0	0	0.145	0.116	0	0	0	0	0	0.199	0	0.201	0.101	0	0	0.114
<i>TBCB</i>	0	0.112	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0.37	0.12	0
<i>DFNA7</i>	0	0	0.345	0.116	0	0	0	0	0	0.15	0	0.134	0.131	0	0	0
<i>WBSCR2</i>	0	0	0.229	0	0	0.149	0.175	0.103	0	0	0	0	0.22	0	0	0

<i>DDO</i>	0	0	0.221	0	0.247	0	0	0	0.184	0	0.114	0	0.109	0	0	0
<i>LSAMP</i>	0.125	0	0.125	0	0	0.155	0	0.131	0	0.144	0	0	0.194	0	0	0
<i>APL1</i>	0.12	0	0.149	0	0.188	0	0	0.109	0.194	0	0	0	0	0.111	0	0
<i>ADAM22</i>	0	0.105	0	0.358	0	0.138	0.163	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0
<i>CDKL4</i>	0	0	0.146	0	0	0.127	0.136	0.14	0	0	0	0	0.119	0	0	0.202
<i>RCAN1</i>	0.131	0	0.103	0	0.183	0	0	0	0	0	0.107	0	0.113	0.125	0.108	0
<i>LRTOMT</i>	0	0	0.112	0.214	0	0	0	0	0	0.291	0	0.121	0.132	0	0	0
<i>OPA6</i>	0	0.111	0	0.101	0	0	0.147	0	0	0.184	0	0.107	0.104	0.116	0	0
<i>CHRN2</i>	0	0	0.114	0	0.192	0.134	0	0.135	0	0.186	0	0	0.109	0	0	0
<i>ZDHHC17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248	0	0	0.146	0.202	0.273
<i>GABRA1</i>	0	0.184	0	0	0	0.205	0.2	0.108	0	0.172	0	0	0	0	0	0
<i>EJM2</i>	0	0	0.106	0	0	0.147	0.116	0.107	0	0.107	0	0	0.146	0	0	0.138
<i>ASPM</i>	0	0	0.143	0	0	0.114	0.114	0.203	0	0.191	0	0	0.101	0	0	0
<i>LRRTM3</i>	0	0	0.125	0	0.171	0	0	0.103	0.214	0	0	0	0.132	0.121	0	0
<i>CCDC134</i>	0.132	0	0.101	0	0.134	0	0	0.101	0.241	0	0	0	0	0	0.156	0
<i>DFNA18</i>	0	0	0.26	0.111	0	0	0	0	0	0.174	0	0.188	0.132	0	0	0
<i>GABRA4</i>	0	0	0.216	0	0	0.148	0.185	0.144	0	0.171	0	0	0	0	0	0
<i>OTSC7</i>	0	0	0.114	0.215	0	0	0	0	0.13	0.144	0	0.141	0.119	0	0	0
<i>NAPSB</i>	0	0	0	0	0.227	0	0	0.185	0.266	0	0	0	0	0.184	0	0
<i>RELN</i>	0	0	0.127	0	0	0.193	0.118	0.191	0	0.104	0	0	0.129	0	0	0
<i>ERVK-23</i>	0	0.118	0	0	0.138	0	0.122	0.107	0.377	0	0	0	0	0	0	0
<i>JOSD1</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0.405	0.132
<i>DFNA31</i>	0	0	0.229	0.21	0	0	0	0	0	0.181	0	0.14	0.101	0	0	0
<i>ATG3</i>	0	0	0	0	0.221	0	0	0	0.105	0	0.243	0	0	0.176	0.115	0
<i>JRKL</i>	0	0	0	0	0	0.268	0.141	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0.34
<i>LRRTM1</i>	0	0	0.101	0	0	0.175	0	0.115	0	0.218	0	0	0.145	0	0.103	0
<i>TSPAN7</i>	0	0	0.103	0	0	0.163	0.107	0.182	0	0	0.189	0	0.113	0	0	0
<i>DFNB15</i>	0	0	0.276	0.116	0	0	0	0	0	0.176	0	0.146	0.14	0	0	0
<i>WDM</i>	0	0.138	0	0.1	0	0	0	0	0.131	0.201	0.157	0.127	0	0	0	0
<i>SORCS1</i>	0.103	0	0.124	0	0.134	0	0	0.126	0.242	0	0	0	0	0.125	0	0
<i>GBA2</i>	0	0	0	0	0.208	0	0	0.253	0.187	0	0	0	0	0.206	0	0
<i>DRD3</i>	0	0	0.109	0	0.28	0	0	0	0	0.133	0	0	0.108	0	0	0.223
<i>CHODL</i>	0	0.107	0	0.364	0	0	0	0	0.107	0.275	0	0	0	0	0	0
<i>ANIB4</i>	0	0	0	0	0.212	0	0	0.13	0.159	0	0	0.161	0	0	0	0.19
<i>KCNQ3</i>	0	0	0	0	0	0.197	0.144	0.158	0	0	0	0.163	0	0	0	0.19
<i>SNPH</i>	0.119	0.132	0	0.101	0	0	0	0	0.141	0.103	0.141	0	0	0.115	0	0
<i>C14ORF28</i>	0	0	0.219	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0.107	0	0.102	0.279
<i>SCZD2</i>	0	0	0.101	0	0	0	0	0	0.112	0.206	0	0	0.107	0	0	0.325
<i>CADPS2</i>	0	0	0.163	0	0	0.161	0.234	0	0	0	0	0	0.189	0	0.103	0
<i>THAS</i>	0	0	0.143	0	0	0.147	0.133	0	0	0	0	0	0.282	0	0	0.145
<i>MRSS</i>	0	0	0.142	0	0	0.164	0.179	0.118	0	0	0	0	0.246	0	0	0

<i>KCNAB1</i>	0	0	0	0	0	0.269	0.147	0.166	0	0	0	0	0	0	0	0.266
<i>BLMH</i>	0.101	0	0	0	0.184	0	0	0.111	0.209	0	0.114	0	0	0.129	0	0
<i>GRIK4</i>	0	0.113	0.141	0	0	0.179	0.166	0.125	0	0.122	0	0	0	0	0	0
<i>YWHAQP4</i>	0.168	0.115	0	0	0.163	0	0	0.138	0.147	0	0	0	0	0.114	0	0
<i>FAM134B</i>	0	0	0	0.187	0.223	0	0	0.128	0.155	0	0	0.152	0	0	0	0
<i>CDKL5</i>	0	0	0.182	0	0	0.148	0.116	0.101	0	0	0	0	0.128	0	0	0.17
<i>MRX18</i>	0	0	0.185	0.116	0	0.193	0.154	0	0	0	0	0	0.196	0	0	0
<i>GAD1</i>	0	0.194	0.11	0	0	0.127	0.162	0.112	0	0.139	0	0	0	0	0	0
<i>ND1</i>	0	0	0	0	0.222	0	0.162	0	0.14	0	0	0.176	0	0.143	0	0
<i>CLN9</i>	0	0	0	0	0.211	0	0	0.283	0.167	0	0	0	0	0.182	0	0
<i>DFNB55</i>	0	0	0.109	0.214	0	0	0	0	0	0.297	0	0.101	0.122	0	0	0
<i>DFNB47</i>	0	0	0	0.256	0	0	0	0	0	0.236	0	0.204	0.147	0	0	0
<i>KCNMB4</i>	0	0	0	0	0	0.284	0.231	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0.219
<i>C20ORF203</i>	0	0	0.113	0	0.172	0	0	0.16	0.158	0	0	0	0.122	0.116	0	0
<i>METTL2B</i>	0.125	0	0.14	0	0.186	0	0	0.101	0.167	0	0	0	0	0.121	0	0
<i>GIGYF1</i>	0	0.109	0	0	0.138	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0.115	0.116	0.235
<i>KCNS1</i>	0	0	0	0	0	0.197	0.275	0.109	0	0	0	0.13	0	0	0	0.128
<i>NDUFAF2</i>	0	0	0.119	0	0	0	0.155	0.122	0	0	0	0.128	0.148	0.167	0	0
<i>DFN6</i>	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0.129	0.428	0	0	0
<i>ERVW-2</i>	0	0.164	0	0	0.267	0	0	0.133	0.161	0	0.113	0	0	0	0	0
<i>CACNA1H</i>	0	0	0	0	0	0.154	0.165	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0.356
<i>LRRC1</i>	0	0	0	0.184	0	0.162	0.142	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0.24
<i>SPPL3</i>	0.113	0	0	0	0.297	0	0	0.145	0.165	0	0	0	0	0.115	0	0
<i>SNAP25</i>	0	0	0.136	0	0	0.166	0	0	0	0.163	0.102	0	0.151	0	0.116	0
<i>GMFB</i>	0.119	0.169	0	0	0.272	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0.127	0	0
<i>HCN2</i>	0	0	0	0	0	0.268	0.139	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0.304
<i>MOPCB2</i>	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0.218	0	0	0.287
<i>IP6K3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.347	0	0	0	0.484	0
<i>GLRA4</i>	0	0.12	0	0	0	0.155	0.112	0.132	0	0.311	0	0	0	0	0	0
<i>WDFY3</i>	0	0.106	0	0	0.156	0	0	0	0.165	0	0.165	0	0	0.122	0.115	0
<i>COQ2</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0.144	0	0.227	0	0.341
<i>DTNBP1</i>	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0.148	0.134	0	0	0.109	0	0	0.325
<i>WHAMMP3</i>	0.206	0	0.227	0	0	0.134	0.15	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0
<i>GSK3A</i>	0.278	0.125	0	0	0.163	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0.101	0	0
<i>EFHC2</i>	0	0	0.116	0	0	0.153	0.136	0.112	0	0	0	0	0.128	0	0	0.182
<i>OTOP1</i>	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0.129	0.13	0.113	0.109	0	0.21	0
<i>TMEM185A</i>	0.277	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0.197	0	0.126	0	0.114	0
<i>UFL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.297	0	0.146	0	0	0.109	0.274	0
<i>LGMD1D</i>	0	0.112	0	0.352	0	0	0	0	0.123	0.13	0	0.109	0	0	0	0
<i>UPP2</i>	0.124	0	0.165	0	0.174	0	0	0.103	0.146	0	0	0	0.113	0	0	0
<i>SH3TC1</i>	0	0	0	0.236	0	0	0	0	0	0	0	0.221	0	0	0	0.368

<i>NR4A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0.42	0.105	0.173	
<i>MRX72</i>	0	0	0.159	0	0	0.209	0.145	0.152	0	0	0	0.159	0	0	0	
<i>GSK3B</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0.173	0	0	0.122	0	0.281
<i>CLIP2</i>	0	0.101	0.105	0.305	0	0	0	0	0	0	0.103	0.21	0	0	0	
<i>ELAVL4</i>	0	0.122	0	0	0.247	0	0	0	0.274	0.18	0	0	0	0	0	
<i>CCT8L2</i>	0	0	0	0	0	0.125	0.193	0.122	0	0	0.161	0	0	0	0.221	
<i>SCN4A</i>	0	0	0	0.111	0	0.162	0.143	0.1	0	0	0.107	0	0	0	0.198	
<i>GDNF</i>	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0.135	0	0	0.406	0	0
<i>UBAP1</i>	0.101	0.159	0	0	0.163	0	0	0.102	0.103	0.193	0	0	0	0	0	
<i>CHRN84</i>	0	0	0.22	0	0	0.19	0	0.101	0	0.181	0	0	0.128	0	0	
<i>FAM72A</i>	0	0	0	0	0.229	0	0	0.321	0.168	0	0	0	0	0.101	0	0
<i>DBH</i>	0	0	0.103	0	0.283	0	0	0	0	0.118	0	0	0.107	0	0	0.208
<i>TEX261</i>	0	0.117	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0.107	0	0	0.188	0.296	0
<i>PARK16</i>	0	0	0	0	0.222	0	0	0.12	0.142	0	0	0	0	0.219	0.116	0
<i>SMS</i>	0	0	0.151	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0.422	0	0.113	0
<i>PAFAH1B1</i>	0	0.19	0.108	0	0	0.14	0.162	0.114	0	0	0	0	0.105	0	0	0
<i>OPA5</i>	0	0.123	0	0.1	0	0	0.119	0	0	0.168	0	0.183	0	0.125	0	0
<i>RMD1</i>	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0.178	0	0.17	0.206	0	0	0.157
<i>KLHL4</i>	0	0	0	0	0	0.123	0	0.124	0	0	0.107	0	0.129	0	0.333	0
<i>GABRA3</i>	0	0	0.172	0	0	0.171	0.13	0.13	0	0.213	0	0	0	0	0	0
<i>KLC2</i>	0.139	0.128	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0.138	0.17	0	0.139	0	0
<i>PPP1R1B</i>	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0.145	0.142	0	0.139	0	0	0.286
<i>TRIM9</i>	0	0	0.136	0	0.159	0	0	0.101	0.195	0	0	0	0	0.107	0.116	0
<i>NXPH1</i>	0.147	0	0.106	0	0.184	0	0	0.111	0.15	0	0	0	0.115	0	0	0
<i>CELSR2</i>	0.155	0.111	0	0	0.237	0	0	0	0.31	0	0	0	0	0	0	0
<i>C16orf57</i>	0	0	0	0.155	0	0.245	0.143	0	0	0	0	0.106	0.163	0	0	0
<i>PRPF40B</i>	0	0	0.12	0	0	0.168	0.205	0.145	0	0	0	0	0.174	0	0	0
<i>CAPS2</i>	0.116	0	0.185	0	0	0.116	0.154	0	0	0	0	0	0.138	0	0.103	0
<i>ZNF778</i>	0	0	0.107	0	0	0.215	0.111	0.104	0	0	0	0	0.274	0	0	0
<i>NLGN4X</i>	0	0	0.106	0	0	0.125	0.228	0.101	0	0	0	0	0.251	0	0	0
<i>MIR134</i>	0.147	0	0.319	0	0	0.12	0	0.102	0	0	0	0	0.123	0	0	0
<i>GABRG2</i>	0	0	0	0	0	0.122	0.112	0.188	0	0.227	0	0	0	0	0	0.161
<i>PRPH</i>	0	0.108	0	0.1	0	0	0	0	0.165	0.201	0	0.103	0	0.132	0	0
<i>LDLRAD3</i>	0	0.109	0.121	0	0	0.161	0.145	0.116	0	0	0	0	0	0	0.155	0
<i>CP</i>	0	0.127	0	0	0.2	0	0	0	0	0.344	0	0	0	0.136	0	0
<i>GUSBP1</i>	0	0.185	0	0.496	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0
<i>CDKL3</i>	0	0	0.119	0	0	0.152	0.142	0.208	0	0	0	0	0.186	0	0	0
<i>PNMA6D</i>	0	0	0	0	0	0.244	0.288	0.13	0	0	0	0	0	0.144	0	0
<i>CGF1</i>	0.125	0	0.126	0	0	0.142	0.157	0	0	0	0	0	0.256	0	0	0
<i>CACNA2D1</i>	0	0	0	0	0	0.196	0.1	0.109	0	0	0.18	0	0	0	0	0.221
<i>MED12</i>	0.125	0	0.138	0	0.187	0	0	0.111	0	0	0.124	0	0.12	0	0	0

<i>PAWR</i>	0	0.152	0	0	0.2	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0.295	0	0
<i>ATXN2L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0.134	0	0	0.189	0.111	0.27
<i>GABBR2</i>	0	0.16	0.115	0	0	0.121	0.144	0.1	0	0.164	0	0	0	0	0	0
<i>ERVK-12</i>	0	0.115	0	0	0.17	0	0.164	0.1	0.255	0	0	0	0	0	0	0
<i>HOMER1</i>	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0.188	0.145	0	0.125	0	0	0.231
<i>GTF2IRD2P1</i>	0	0	0.216	0.215	0	0	0.123	0	0	0	0	0.128	0.121	0	0	0
<i>CDK18</i>	0	0.111	0	0	0.204	0	0	0.128	0.157	0	0	0	0	0.203	0	0
<i>PLS3</i>	0	0.22	0	0	0	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0.403	0
<i>TTC19</i>	0	0	0.106	0.116	0	0	0.103	0	0	0	0	0.135	0.16	0.182	0	0
<i>CMD1B</i>	0	0	0.11	0.111	0	0	0.189	0	0	0.155	0	0.134	0.103	0	0	0
<i>CNBP</i>	0	0	0	0.184	0.366	0	0	0	0.126	0	0.126	0	0	0	0	0
<i>ACRC</i>	0	0	0	0.183	0.135	0	0	0	0.149	0	0.114	0	0	0	0	0.221
<i>GLRA2</i>	0	0	0	0	0	0.288	0.131	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0.263
<i>ST13</i>	0	0	0	0	0.189	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0.235	0.223	0
<i>CNTN4</i>	0	0	0.125	0	0	0.206	0.137	0.209	0	0	0	0	0.125	0	0	0
<i>PARL</i>	0	0	0	0.107	0.267	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0.113	0	0.207
<i>CHRNA2</i>	0	0	0.12	0	0	0.233	0	0.102	0	0.245	0	0	0.101	0	0	0
<i>OHDS</i>	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0.104	0	0	0.187	0.139	0	0	0.187
<i>MRX51</i>	0	0	0.111	0	0	0.16	0.178	0.12	0	0	0	0	0.231	0	0	0
<i>PCSK1N</i>	0	0.122	0	0	0.255	0	0	0.145	0.174	0	0	0	0	0.102	0	0
<i>HDAC6</i>	0	0.107	0	0	0.255	0	0	0	0.201	0	0.119	0	0	0.114	0	0
<i>TMEM126A</i>	0	0	0.109	0.105	0	0	0.199	0	0	0.155	0	0.102	0.125	0	0	0
<i>CORT</i>	0	0	0	0	0.152	0	0	0.101	0.126	0	0.275	0	0	0.14	0	0
<i>SCZD3</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0.104	0.123	0	0	0.172	0	0	0.261
<i>LRP8</i>	0.13	0	0.145	0	0.178	0	0	0.132	0.209	0	0	0	0	0	0	0
<i>ILVBL</i>	0	0	0	0	0.173	0	0	0.324	0.17	0	0	0	0	0	0	0.125
<i>SPG16</i>	0	0	0.12	0.111	0	0.137	0.147	0	0	0	0	0.176	0.101	0	0	0
<i>TSC2</i>	0	0.178	0.105	0	0	0.394	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNMB2</i>	0	0	0	0	0	0.288	0.154	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0.25
<i>PION</i>	0.152	0	0.143	0	0.159	0	0	0.119	0.114	0	0	0	0	0.104	0	0
<i>GMPPB</i>	0	0	0	0	0.213	0	0	0.165	0	0	0.167	0	0	0.114	0	0.131
<i>CHMP4C</i>	0.116	0	0	0	0.181	0	0	0.102	0.244	0	0	0	0	0.147	0	0
<i>SYN3</i>	0	0	0.114	0	0	0.156	0.122	0.103	0	0.176	0	0	0.119	0	0	0
<i>TSC1</i>	0	0.121	0.129	0	0	0.16	0	0.132	0	0	0	0	0.248	0	0	0
<i>LPPR2</i>	0	0	0.103	0	0	0.132	0.113	0.137	0	0.197	0	0	0.108	0	0	0
<i>PDR</i>	0	0	0.147	0.219	0	0	0.113	0	0	0	0.182	0	0.128	0	0	0
<i>TELAB1</i>	0	0	0	0.362	0	0	0	0	0	0	0	0.324	0	0	0	0.102
<i>GPR155</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0.226	0	0	0.135	0.281	0
<i>MAP3K15</i>	0	0	0	0	0.235	0	0	0.116	0.142	0	0.157	0	0	0.137	0	0
<i>VSTM2L</i>	0	0	0.104	0	0.145	0	0	0.111	0.309	0	0	0	0	0.118	0	0
<i>SLC6A1</i>	0	0	0.103	0	0	0.165	0.115	0.103	0	0.195	0	0	0.106	0	0	0

<i>NXF5</i>	0	0	0.148	0	0	0.244	0.124	0.116	0	0	0	0	0.155	0	0	0
<i>ATXN7L3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0.136	0.204	0.314
<i>SYN1</i>	0	0	0.107	0	0	0.142	0.123	0.103	0	0.208	0	0	0.104	0	0	0
<i>C11ORF66</i>	0	0	0	0	0.141	0.155	0	0.141	0.168	0	0	0	0	0.181	0	0
<i>ZNF674</i>	0	0	0.107	0	0	0.171	0.175	0.104	0	0	0	0	0.229	0	0	0
<i>RBM20</i>	0	0	0	0.189	0	0.129	0.155	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0.14
<i>UBE3A</i>	0	0	0.116	0	0	0.107	0.153	0.112	0	0	0	0	0.151	0	0	0.146
<i>MS4A4E</i>	0	0.113	0.121	0	0.207	0	0	0.181	0.163	0	0	0	0	0	0	0
<i>PICALM</i>	0	0	0.122	0	0.193	0	0	0.103	0.122	0	0	0	0.124	0.12	0	0
<i>IGF1</i>	0	0.42	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0.237
<i>ATP1A3</i>	0	0	0	0	0	0.198	0.114	0.108	0	0.146	0	0	0	0	0	0.218
<i>DAGLA</i>	0	0	0.122	0	0	0.143	0.157	0	0	0	0	0.203	0	0.157	0	0
<i>TRIM47</i>	0	0.108	0.102	0	0.166	0	0	0.112	0.177	0	0	0	0.117	0	0	0
<i>NKAIN1</i>	0	0	0	0	0	0.218	0.19	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0.239
<i>DIP2C</i>	0.138	0	0.37	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0.122	0	0	0
<i>MRX53</i>	0	0	0.134	0	0	0.221	0.156	0.138	0	0	0	0	0.132	0	0	0
<i>MRX25</i>	0	0	0.183	0	0	0.171	0.25	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0
<i>NTF3</i>	0	0.155	0	0.105	0	0	0	0	0	0.206	0.141	0.174	0	0	0	0
<i>EXOC3L2</i>	0	0	0.14	0	0.145	0	0	0.152	0.218	0	0	0	0	0.125	0	0
<i>DYT17</i>	0	0	0	0.164	0	0.137	0.142	0	0	0.108	0	0.104	0	0	0	0.124
<i>CDNF</i>	0	0.103	0	0	0.17	0	0	0	0.105	0.16	0.132	0	0	0.109	0	0
<i>KIAA2022</i>	0	0	0.103	0	0	0.172	0.135	0.14	0	0	0	0	0.229	0	0	0
<i>ALG5</i>	0	0	0	0	0	0.214	0.15	0	0	0	0	0	0.231	0	0	0.184
<i>SH3GL1</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0	0.298	0	0	0	0.113	0
<i>FRA10A</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0	0	0.424	0
<i>DYT2</i>	0	0	0	0.155	0	0.175	0.165	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0.16
<i>KCNQ5</i>	0	0	0	0	0	0.234	0.192	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0.242
<i>AQP4</i>	0.131	0.161	0	0	0	0.177	0.108	0	0	0.198	0	0	0	0	0	0
<i>CAPN1</i>	0	0.11	0	0	0.153	0	0	0	0	0.129	0.17	0	0	0.108	0.105	0
<i>PSMD8</i>	0	0	0	0	0.191	0	0	0.133	0.142	0	0.103	0	0	0.101	0.105	0
<i>LRRC15</i>	0.115	0	0	0	0.181	0	0	0.123	0.254	0	0	0	0	0.101	0	0
<i>ATP5J2</i>	0	0	0	0	0.219	0	0.124	0.107	0.118	0	0	0	0	0.205	0	0
<i>ATP1B2</i>	0	0	0	0	0	0.212	0.24	0.1	0	0.221	0	0	0	0	0	0
<i>CACNA2D4</i>	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0.292	0	0	0	0	0	0.348
<i>CACNA2D2</i>	0	0	0	0	0	0.154	0.125	0.164	0	0	0	0	0	0	0	0.329
<i>ATP6VOC</i>	0	0	0	0	0.234	0.326	0	0.102	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>APTX</i>	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0.176	0.107	0.145	0.159	0	0
<i>SPPM</i>	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0.106	0	0.118	0	0	0.101	0.287
<i>FAM193A</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0.117	0	0	0.105	0.275	0
<i>CCBL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.455	0	0	0.125	0.19	0
<i>DFNA57</i>	0	0	0.117	0.214	0	0	0	0	0	0.208	0	0.101	0.13	0	0	0

<i>EKV3</i>	0	0	0.148	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0.219	0.29	0	0	0
<i>NPAS4</i>	0	0	0.172	0	0	0.136	0.118	0.133	0	0.105	0	0	0.106	0	0	0
<i>GLS2</i>	0	0	0	0	0.244	0	0.127	0.125	0	0	0.139	0	0	0.134	0	0
<i>SSR4</i>	0	0.123	0	0	0.163	0	0	0	0.122	0.254	0	0	0	0.107	0	0
<i>HECW2</i>	0	0.149	0	0	0.4	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>AUTS8</i>	0.102	0	0.123	0	0	0.14	0.138	0.109	0	0	0	0	0.157	0	0	0
<i>NDUFS1</i>	0	0	0	0	0.213	0	0.146	0	0	0	0	0.11	0	0.164	0.135	0
<i>KCNA1</i>	0	0	0	0.106	0	0.163	0.142	0.105	0	0	0	0.119	0	0	0	0.132
<i>PCDH11X</i>	0	0	0.121	0	0.193	0	0	0.102	0.219	0	0	0	0.132	0	0	0
<i>MRX42</i>	0	0	0.101	0	0	0.137	0.211	0	0	0	0	0	0.318	0	0	0
<i>NXF4</i>	0	0	0.144	0	0	0.221	0.184	0.102	0	0	0	0	0.116	0	0	0
<i>NAE1</i>	0	0	0	0	0.246	0	0	0.208	0.14	0	0	0	0	0.172	0	0
<i>FAM58A</i>	0	0	0.133	0	0	0.158	0.279	0	0	0	0	0	0.196	0	0	0
<i>MRX80</i>	0	0	0.235	0	0	0.176	0.223	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0
<i>KCNV2</i>	0	0	0	0	0	0.15	0.105	0.19	0	0.176	0	0	0	0	0	0.144
<i>LETM1</i>	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.191	0	0	0.172	0.288	0
<i>NKAIN4</i>	0.134	0	0	0	0	0.192	0.133	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0.196
<i>TMEM74</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.228	0	0.128	0	0	0.133	0.275	0
<i>MDRV</i>	0	0	0	0.236	0	0	0	0	0	0.202	0	0.326	0	0	0	0
<i>EPC2</i>	0.113	0	0.125	0	0.178	0	0	0.111	0.237	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC41A1</i>	0	0	0	0	0.152	0	0	0.105	0.142	0	0	0	0	0.145	0.218	0
<i>DAO</i>	0	0.111	0.147	0	0	0	0	0	0.121	0.208	0	0	0.175	0	0	0
<i>NGF</i>	0	0.137	0	0	0.138	0	0	0	0.22	0.161	0	0.106	0	0	0	0
<i>ATP10A</i>	0	0	0.138	0	0	0.119	0.152	0.126	0	0	0	0	0.226	0	0	0
<i>DRD4</i>	0	0	0.147	0	0.163	0	0	0	0	0.188	0	0	0.132	0	0	0.13
<i>DLG3</i>	0	0	0	0.429	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0.231
<i>HERC1</i>	0	0.118	0	0.484	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0	0
<i>CCM2</i>	0	0	0	0	0	0.196	0.101	0.105	0	0	0	0.158	0	0	0	0.198
<i>LVG2</i>	0.183	0	0.156	0	0.176	0	0	0	0.143	0	0	0	0.1	0	0	0
<i>TK2</i>	0	0	0	0.158	0	0	0.133	0	0	0	0	0.136	0	0.33	0	0
<i>CCNP</i>	0	0	0	0.349	0	0	0	0	0	0	0	0.408	0	0	0	0
<i>NRN1L</i>	0	0	0.131	0	0	0.19	0.152	0.107	0	0.176	0	0	0	0	0	0
<i>HCN3</i>	0	0	0	0	0	0.213	0	0.111	0	0	0.137	0	0	0	0	0.294
<i>MRX26</i>	0	0	0.137	0.116	0	0.211	0.139	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0
<i>GLULP1</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0	0	0	0.421	0
<i>HS1BP3</i>	0	0	0	0	0.211	0	0	0.101	0.194	0	0	0	0	0.116	0	0.132
<i>CELF4</i>	0	0	0	0	0	0.217	0	0.109	0.215	0	0	0	0	0	0	0.213
<i>CASP6</i>	0	0.125	0	0	0.139	0	0	0	0.163	0	0.204	0	0	0.122	0	0
<i>SLC17A6</i>	0	0.109	0.105	0	0	0.132	0	0.115	0	0.153	0	0.139	0	0	0	0
<i>SYNGAP1</i>	0	0	0.15	0	0	0.154	0.107	0.118	0	0.105	0	0	0.119	0	0	0
<i>WDR62</i>	0	0	0.106	0	0	0.194	0.133	0.103	0	0	0	0	0.216	0	0	0

<i>SUPT3H</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.241	0	0	0.171	0.117	0.222	
<i>USP48</i>	0	0	0	0	0.21	0	0	0	0.103	0	0.134	0	0	0.168	0	0.136
<i>LOC619539</i>	0	0	0	0.306	0	0	0	0	0	0	0.193	0	0	0	0.252	
<i>APOE</i>	0.113	0	0	0	0.184	0	0	0.102	0.196	0	0	0	0	0	0.156	0
<i>SSD</i>	0	0	0.146	0	0	0.145	0.15	0	0	0.174	0	0	0.136	0	0	0
<i>DFN4</i>	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0.342	0.116	0	0	0
<i>RNF170</i>	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0	0.262	0.104	0	0.115	0	0	
<i>NRXN1</i>	0	0	0.144	0	0	0.162	0	0.101	0	0	0	0	0.343	0	0	0
<i>KCNMB3</i>	0	0	0	0	0	0.285	0.122	0.134	0	0	0	0	0	0	0.208	
<i>ATP1A2</i>	0	0	0	0	0	0.241	0.155	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0.247
<i>FEB6</i>	0	0	0	0	0	0.289	0.167	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0.172
<i>CIC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0.183	0	0	0.143	0.281	0
<i>MFN1</i>	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0.112	0	0.271	
<i>CREB1</i>	0	0	0	0	0	0.216	0.153	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0.219
<i>CST2</i>	0	0	0	0	0.166	0	0.228	0.12	0.233	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTHFR</i>	0	0	0	0	0.215	0	0.127	0.133	0.272	0	0	0	0	0	0	0
<i>NTNG1</i>	0	0	0.103	0	0	0.16	0.175	0.14	0	0	0	0	0.168	0	0	0
<i>BSN</i>	0	0	0.129	0	0	0.144	0.145	0	0	0.211	0	0	0	0	0.117	0
<i>PON3</i>	0	0.19	0	0	0.443	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAP1LC3C</i>	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.138	0	0.248	0	0	0.134	0.111	0
<i>TBC1D22A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0.354	0.265
<i>CACNB4</i>	0	0	0	0	0	0.29	0.101	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>MMVP2</i>	0	0	0	0.3	0.192	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0.121
<i>OPA1</i>	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0	0.122	0	0.215	0	0.137	0	0
<i>PSMC6</i>	0	0	0	0	0.142	0	0	0.12	0.241	0	0.119	0	0	0.121	0	0
<i>HAR1B</i>	0	0	0	0	0	0.212	0.293	0.121	0.117	0	0	0	0	0	0	0
<i>ERVK-2</i>	0	0.103	0	0	0.158	0	0.164	0.1	0.218	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPPL2B</i>	0.128	0	0	0	0.185	0	0	0.111	0.177	0	0	0	0	0.141	0	0
<i>ZNF630</i>	0	0	0.162	0	0	0.22	0.102	0.113	0	0	0	0	0.145	0	0	0
<i>APBA1</i>	0.184	0	0	0	0.184	0	0	0.112	0.142	0	0	0	0	0.119	0	0
<i>COHEN2</i>	0	0	0.162	0	0	0.174	0.2	0	0	0	0	0	0.205	0	0	0
<i>GABRB2</i>	0	0	0	0	0	0.15	0.127	0.108	0	0.193	0	0	0	0	0	0.161
<i>BAHCC1</i>	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248	0.321
<i>MRX14</i>	0	0	0.125	0	0	0.162	0.104	0.115	0	0	0	0	0.109	0	0	0.123
<i>MGR5</i>	0	0	0	0	0	0.199	0.11	0.126	0	0.18	0	0	0	0	0	0.123
<i>VARS2</i>	0	0	0	0.167	0	0	0.132	0	0	0	0	0.104	0	0.335	0	0
<i>IFT74</i>	0.217	0.125	0	0	0.23	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0	0	0
<i>MBD5</i>	0	0	0.105	0	0	0.247	0.138	0.117	0	0	0	0	0.13	0	0	0
<i>KTCN4</i>	0.152	0.106	0	0	0.268	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCDC22</i>	0	0.482	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0
<i>CMAL</i>	0	0.101	0	0	0	0.156	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0.305

<i>NDUFB11</i>	0	0	0	0.185	0	0	0.121	0	0	0.196	0	0.104	0	0.129	0	0
<i>SLC9A6</i>	0	0	0	0	0	0.123	0.204	0.13	0.164	0	0	0	0	0.113	0	0
<i>FGS2</i>	0	0	0.155	0	0	0.172	0.16	0	0	0	0	0	0.247	0	0	0
<i>DFNB44</i>	0	0	0.111	0.215	0	0	0	0	0	0.15	0	0.113	0.144	0	0	0
<i>KLK8</i>	0	0	0.115	0	0	0.19	0	0.118	0	0.194	0	0	0.116	0	0	0
<i>NAT8B</i>	0	0	0	0	0.228	0	0	0.277	0.111	0	0	0	0	0.116	0	0
<i>TRIM11</i>	0	0	0	0	0.197	0	0	0.144	0.208	0	0	0	0	0.183	0	0
<i>CALB2</i>	0	0.112	0	0	0	0.209	0.101	0	0	0.193	0.117	0	0	0	0	0
<i>QPRT</i>	0	0	0	0	0	0.245	0.142	0.122	0	0	0.223	0	0	0	0	0
<i>MRX75</i>	0	0	0.134	0	0	0.159	0.152	0	0	0	0	0	0.286	0	0	0
<i>RGNEF</i>	0	0.125	0	0.437	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSEENEN</i>	0.105	0	0	0	0.185	0	0	0.155	0.18	0	0	0	0	0.106	0	0
<i>GPR98</i>	0	0	0.17	0	0	0.19	0	0	0	0.116	0	0.118	0.137	0	0	0
<i>LMO3</i>	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0.211	0	0	0.107	0	0	0.259
<i>ATG14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0.194	0	0	0.118	0.279	0
<i>SPG20</i>	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0.177	0	0	0.16	0	0.124	0	0
<i>ITM2C</i>	0.106	0	0	0	0.181	0	0	0.115	0.215	0	0	0	0	0.113	0	0
<i>MRX52</i>	0	0	0.295	0	0	0.136	0.164	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0
<i>WCHR</i>	0	0	0.136	0	0	0.114	0.115	0	0	0	0.127	0	0.123	0	0.113	0
<i>PHF6</i>	0	0	0.148	0	0	0.202	0.128	0.104	0	0	0	0	0.146	0	0	0
<i>DLSTP1</i>	0	0	0	0	0.216	0	0.126	0.12	0.266	0	0	0	0	0	0	0
<i>MS4A6A</i>	0	0.135	0.13	0	0.168	0	0	0.122	0.173	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBB</i>	0	0	0	0	0.222	0	0	0.126	0.167	0	0.101	0	0	0.111	0	0
<i>NECAB1</i>	0.14	0	0.108	0	0	0.142	0	0.107	0	0.229	0	0	0	0	0	0
<i>OPHN1</i>	0	0	0.137	0	0	0.117	0.229	0.104	0	0	0	0	0.138	0	0	0
<i>WAC</i>	0.161	0	0	0	0.174	0	0	0.12	0.269	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXO7</i>	0	0	0	0	0.231	0	0	0.166	0.132	0	0	0	0	0.194	0	0
<i>GSTO1</i>	0	0.109	0	0	0.156	0	0	0.136	0.186	0	0.136	0	0	0	0	0
<i>CACNA1I</i>	0	0	0	0	0	0.301	0.114	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>SEPT7P2</i>	0	0	0	0	0.166	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0.154	0.22	0
<i>PSMB5</i>	0	0.106	0	0	0.203	0	0	0	0.166	0	0.124	0	0	0.123	0	0
<i>SLC6A8</i>	0	0	0.16	0	0	0.145	0.159	0.104	0	0	0	0	0.154	0	0	0
<i>PPT2</i>	0	0	0	0	0.222	0.103	0	0.115	0	0	0	0	0.138	0.143	0	0
<i>DFN8</i>	0	0	0.114	0.211	0	0	0	0	0	0.132	0	0.125	0.139	0	0	0
<i>FOPNL</i>	0	0	0.114	0	0	0.118	0.145	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0.231
<i>ARSA</i>	0	0	0.107	0	0.235	0	0	0	0	0.167	0	0	0.106	0.106	0	0
<i>KIF5A</i>	0	0.177	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0.22	0.105	0	0.104	0	0
<i>DFNA47</i>	0	0	0.181	0.116	0	0	0	0	0	0.177	0	0.134	0.113	0	0	0
<i>BBS4</i>	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0.156	0.297	0	0	0
<i>FA2H</i>	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0	0.106	0	0.227	0	0.117	0	0
<i>KCNJ10</i>	0	0.129	0	0	0	0.209	0.103	0.108	0	0.169	0	0	0	0	0	0

<i>CRP</i>	0	0	0	0	0.216	0	0	0.13	0.161	0	0	0	0	0	0	0.21	
<i>RAB40AL</i>	0	0	0.109	0.215	0	0	0.123	0	0	0	0.136	0	0.134	0	0	0	0
<i>MRXSA</i>	0	0	0.145	0	0	0.141	0.102	0.119	0	0	0	0	0.21	0	0	0	0
<i>GPHN</i>	0	0	0.12	0	0	0.21	0.131	0.123	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLCN1</i>	0	0	0	0.232	0	0.162	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0.154
<i>T</i>	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.561	0	0
<i>NDP</i>	0	0	0	0	0	0.257	0	0	0	0.193	0	0.13	0.135	0	0	0	0
<i>AUTS6</i>	0.132	0	0.181	0	0	0.136	0.157	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>ATXN7L1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0.136	0.202	0.234	0
<i>DYT15</i>	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0	0.145	0	0.131	0.129	0	0	0	0.152
<i>KCNN1</i>	0	0	0	0	0	0.235	0.177	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168
<i>AARS</i>	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0	0	0	0.176	0	0.308	0	0	0
<i>FGS3</i>	0	0	0.194	0	0	0.171	0.178	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0
<i>TAAR9</i>	0	0	0.151	0	0.279	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.152
<i>GABARPL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0.169	0	0	0.153	0.278	0	0
<i>MRX15</i>	0	0	0.105	0	0	0.166	0.207	0	0	0	0	0	0.234	0	0	0	0
<i>ATG7</i>	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0.131	0	0.221	0	0	0.104	0.115	0	0
<i>NLGN1</i>	0	0	0.147	0	0	0.173	0.128	0	0	0	0	0	0.263	0	0	0	0
<i>CHERP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0.131	0.205	0.247	0
<i>RASD2</i>	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0.113	0.288	0
<i>SST</i>	0	0	0	0	0.142	0.147	0	0.115	0	0.165	0.14	0	0	0	0	0	0
<i>IGHV4-28</i>	0	0.123	0	0	0.156	0	0	0.138	0.184	0	0.108	0	0	0	0	0	0
<i>DPYSL5</i>	0.13	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0.176	0	0.14	0	0	0
<i>CHL1</i>	0	0	0.135	0	0	0.152	0.109	0	0	0.2	0	0	0.112	0	0	0	0
<i>GABRG1</i>	0	0	0.118	0	0	0.147	0.152	0.12	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBL3</i>	0	0	0	0.224	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0.112	0.24
<i>DRD5</i>	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0.119	0.132	0	0.111	0	0	0.205	0
<i>GLULP2</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0.407	0
<i>RTN4IP1</i>	0	0.101	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0.366	0	0	0
<i>NIPBL</i>	0	0	0.155	0	0	0.186	0.133	0.101	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0
<i>NCLN</i>	0.174	0	0	0	0.274	0	0	0	0.259	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHRNA5</i>	0	0	0.137	0	0	0.159	0	0.101	0	0.182	0	0	0.128	0	0	0	0
<i>AAT2</i>	0	0.101	0	0.112	0	0.214	0	0	0	0.144	0	0.134	0	0	0	0	0
<i>SNAP91</i>	0	0	0.136	0	0.193	0.134	0	0.123	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0
<i>ABCA1</i>	0.1	0	0	0	0.308	0	0	0	0.297	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA1147</i>	0	0.11	0	0	0	0.209	0.139	0.123	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0
<i>SLC32A1</i>	0	0	0.118	0	0	0.191	0.117	0.107	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPA1B</i>	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216	0	0	0.156	0	0.196	0
<i>DCLK2</i>	0	0	0.101	0	0	0.212	0.158	0.105	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0
<i>LINGO3</i>	0	0.45	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0	0
<i>PRS</i>	0	0	0.154	0	0	0.168	0.122	0	0	0	0	0	0.259	0	0	0	0

<i>ACAD8</i>	0	0	0	0	0.217	0	0.1	0.119	0.267	0	0	0	0	0	0	0
<i>WBSCR28</i>	0	0	0.154	0	0	0.154	0.119	0.145	0	0	0	0	0.13	0	0	0
<i>UNC79</i>	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0.147	0	0.269
<i>CMD1F</i>	0	0	0	0.339	0	0	0	0	0	0	0	0.215	0	0	0	0.145
<i>PANK4</i>	0	0	0	0	0.14	0	0	0.139	0.142	0	0.123	0	0	0.155	0	0
<i>APBB2</i>	0.116	0	0	0	0.185	0	0	0.145	0.116	0	0	0	0	0.137	0	0
<i>FEOM3</i>	0	0	0	0.267	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0.103	0	0	0.161
<i>PIEZ01</i>	0.126	0	0	0	0.153	0	0	0.161	0.121	0	0	0	0	0.135	0	0
<i>GABRR2</i>	0	0	0	0	0	0.248	0.195	0.109	0	0.144	0	0	0	0	0	0
<i>METTL19</i>	0	0	0.144	0	0	0.149	0.103	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0.186
<i>SHANK3</i>	0	0	0.119	0	0	0.173	0.115	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0.123
<i>CHRNA3</i>	0	0	0.101	0	0	0.17	0	0.124	0	0.198	0	0	0.102	0	0	0
<i>GLULP3</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0.416	0
<i>MAP1S</i>	0	0	0	0.238	0	0	0	0	0.116	0	0.233	0	0	0.107	0	0
<i>EMP2</i>	0	0	0	0.291	0	0	0	0	0	0	0	0.403	0	0	0	0
<i>TRNL1</i>	0	0	0	0.278	0	0	0.152	0	0	0	0	0.158	0.105	0	0	0
<i>ZNF673</i>	0	0	0.125	0	0	0.184	0.102	0.112	0	0	0	0	0.17	0	0	0
<i>MOPCB1</i>	0	0	0.206	0.114	0	0.242	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0
<i>CNTFR</i>	0	0.116	0	0.458	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0
<i>TM2D1</i>	0.145	0	0	0	0.186	0	0	0.102	0.158	0	0	0	0	0.102	0	0
<i>MRXS11</i>	0	0	0.15	0	0	0.171	0.272	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0
<i>GPRIN1</i>	0.112	0	0.366	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0.104
<i>MGR7</i>	0.204	0	0	0	0	0.126	0.103	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0.15
<i>APP</i>	0.107	0	0	0	0.187	0	0	0.104	0.185	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>C22ORF25</i>	0	0	0.184	0	0	0.141	0.236	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0
<i>RNF103</i>	0	0	0.182	0	0.236	0	0	0.119	0.155	0	0	0	0	0	0	0
<i>MMVP1</i>	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0.17	0.117	0	0.138	0.159	0	0	0
<i>GUSBP5</i>	0	0	0.119	0	0	0.137	0.17	0.101	0	0	0	0	0.164	0	0	0
<i>NLGN2</i>	0	0	0.126	0	0	0.166	0.102	0.118	0	0	0	0	0.179	0	0	0
<i>HRH3</i>	0	0	0.118	0	0	0.19	0.121	0	0	0	0.144	0	0.118	0	0	0
<i>LOC440786</i>	0	0	0	0	0.193	0	0	0.165	0.146	0	0	0	0	0	0.186	0
<i>AUNX1</i>	0	0	0.165	0.116	0	0	0	0	0	0.128	0	0.153	0.127	0	0	0
<i>GLC3B</i>	0	0	0	0.494	0	0	0	0	0	0	0	0.195	0	0	0	0
<i>DCR</i>	0	0	0	0	0	0.216	0.26	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0.106
<i>AP3M2</i>	0	0	0.145	0	0	0.168	0.262	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ND6</i>	0	0	0	0.321	0	0	0.135	0	0	0	0	0.106	0	0.126	0	0
<i>FAM113B</i>	0	0	0.121	0	0.193	0	0	0.116	0.126	0	0	0	0.132	0	0	0
<i>SDF2L1</i>	0.131	0	0	0	0.326	0	0	0.105	0.126	0	0	0	0	0	0	0
<i>DFNB74</i>	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0.311	0.113	0	0	0
<i>S100A16</i>	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0.396	0
<i>ATP6</i>	0	0	0	0.185	0	0	0.122	0	0	0	0	0.116	0.121	0	0.143	0

<i>B1CD2</i>	0.144	0.133	0	0.114	0	0	0	0	0.119	0	0.177	0	0	0	0	0	0
<i>OTX1</i>	0	0	0	0	0	0.241	0	0	0	0.153	0.191	0	0	0	0	0.102	0
<i>THOP1</i>	0	0	0	0	0.203	0	0	0.199	0.154	0	0	0	0	0.13	0	0	0
<i>IFNK</i>	0.17	0.116	0	0	0.237	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CPLX3</i>	0	0	0.125	0	0	0.187	0	0	0	0.109	0	0	0.152	0	0.113	0	0
<i>RASGRF1</i>	0	0.122	0.119	0	0.208	0	0	0	0	0	0.111	0	0.126	0	0	0	0
<i>B3GALT1L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.524	0	0	0	0.161
<i>KCNA6</i>	0	0	0	0	0	0.265	0.132	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0.188
<i>NR2E1</i>	0	0	0.148	0	0	0.145	0	0	0	0.247	0	0	0.145	0	0	0	0
<i>C10ORF11</i>	0	0	0.168	0	0	0.166	0.107	0.128	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0
<i>CMD1H</i>	0	0	0	0.223	0	0.164	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0.142
<i>PRSS12</i>	0	0	0.148	0	0	0.166	0	0.124	0	0	0	0	0.245	0	0	0	0
<i>DRD1</i>	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0.146	0.127	0	0.124	0	0	0	0.178
<i>MRPL54</i>	0	0	0	0.245	0	0	0.173	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.154
<i>SCN3B</i>	0	0	0	0	0	0.22	0.155	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19
<i>KIF21A</i>	0	0	0	0.296	0	0	0	0	0	0	0	0.213	0.17	0	0	0	0
<i>FECD3</i>	0	0	0	0.189	0	0	0	0	0.107	0.194	0	0	0.189	0	0	0	0
<i>CNA1</i>	0	0	0	0.286	0	0	0	0	0	0	0	0.393	0	0	0	0	0
<i>TRNV</i>	0	0	0	0.189	0	0	0.15	0	0	0	0	0.1	0.129	0.111	0	0	0
<i>CACNA1E</i>	0	0	0	0	0	0.259	0.169	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139
<i>PDXK</i>	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0.129	0.282	0
<i>BBS1</i>	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0.132	0.278	0	0	0	0
<i>BCHE</i>	0	0	0.108	0	0.138	0	0	0.143	0.156	0	0	0	0.132	0	0	0	0
<i>HIP1</i>	0	0	0.141	0.102	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0	0.125	0.106	0	0
<i>SCN10A</i>	0	0	0	0.157	0	0.105	0.155	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0.154
<i>DLD</i>	0	0	0	0	0.165	0	0.152	0	0	0	0	0.208	0	0	0.151	0	0
<i>HTR1B</i>	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.124	0.154	0	0	0	0	0	0.291
<i>FRA10B</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0.434	0
<i>CCT4</i>	0	0	0	0.503	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0
<i>BRI3</i>	0	0	0	0	0.231	0	0	0.152	0.146	0	0	0	0.146	0	0	0	0
<i>IL1RAPL1</i>	0	0	0.111	0	0	0.134	0.138	0.14	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0
<i>DOK7</i>	0	0	0	0.42	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0.124
<i>GOUT1</i>	0	0	0	0.308	0	0	0	0	0.12	0	0	0.104	0	0	0	0	0.142
<i>MCTP1</i>	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.55	0
<i>DERL1</i>	0	0.172	0	0	0.203	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0.165	0	0	0
<i>DFNA49</i>	0	0	0	0.358	0	0	0	0	0	0.154	0	0.162	0	0	0	0	0
<i>MMEL1</i>	0	0	0	0	0.314	0	0	0.242	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DMPK</i>	0	0	0.118	0.113	0	0	0	0	0	0	0.214	0	0.126	0	0	0.103	0
<i>MRPL43</i>	0	0	0	0.222	0	0	0.152	0	0	0	0	0.118	0	0.181	0	0	0
<i>ZBTB20</i>	0	0	0.138	0	0	0.199	0	0.101	0	0.129	0	0	0.106	0	0	0	0
<i>MSI1</i>	0	0	0	0	0.243	0	0	0.113	0.139	0.178	0	0	0	0	0	0	0

<i>ATG12P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0.133	0	0	0.139	0.278	0
<i>FRG2B</i>	0	0	0	0.236	0	0	0	0	0	0.334	0	0	0	0.102	0
<i>CXORF40B</i>	0	0	0.132	0	0	0.197	0.115	0.102	0	0	0	0	0.126	0	0
<i>SHC3</i>	0	0.139	0	0	0.177	0	0	0	0.158	0	0.198	0	0	0	0
<i>TMC1</i>	0	0	0.121	0	0	0.165	0	0	0	0.109	0	0.124	0.152	0	0
<i>VWS2</i>	0.141	0	0.383	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0
<i>ZDHHC13</i>	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0.119	0	0	0.15	0.224	0
<i>TRIM31</i>	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0.403	0
<i>GPR56</i>	0	0	0.113	0	0	0.178	0.129	0.118	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>CBS</i>	0.101	0	0.126	0	0.133	0	0	0	0	0.101	0	0	0.107	0	0.102
<i>STMN2</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.206	0.236	0	0	0	0.121	0
<i>CACNA1G</i>	0	0	0	0	0	0.259	0.131	0.103	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>AMCN</i>	0	0	0	0.25	0	0	0	0	0	0	0.419	0	0	0	0
<i>KARS</i>	0	0.104	0	0.437	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0
<i>GBE1</i>	0	0	0	0.189	0	0	0.12	0	0	0	0.108	0.151	0.1	0	0
<i>SPTLC1</i>	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0.292	0	0.194	0	0
<i>MARVELD2</i>	0	0	0	0.222	0	0	0	0	0	0.177	0.167	0	0	0.101	0
<i>MECP2</i>	0	0	0.106	0	0	0.188	0.121	0.111	0	0	0	0	0.141	0	0
<i>C20ORF7</i>	0	0	0	0.117	0	0	0.12	0	0	0	0	0.221	0.109	0.1	0
<i>PTCHD1</i>	0	0	0.16	0	0	0.145	0.102	0.143	0	0	0	0	0.117	0	0
<i>OSTM1</i>	0	0	0	0	0	0.235	0	0.131	0.183	0	0	0	0	0.117	0
<i>AGTPBP1</i>	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.142	0	0	0	0.22	0
<i>KCNC2</i>	0	0	0	0	0	0.276	0.146	0.133	0	0	0	0	0	0	0.11
<i>TUBA1B</i>	0	0	0	0	0.197	0	0	0.146	0.148	0	0	0	0	0.174	0
<i>MRX23</i>	0	0	0.194	0	0	0.157	0.102	0.101	0	0	0	0	0.111	0	0
<i>PSMD4</i>	0	0.106	0	0	0.133	0	0	0	0.175	0	0.116	0	0	0.134	0
<i>C22DDELS</i>	0	0	0.172	0	0	0.137	0.233	0	0	0	0	0	0.122	0	0
<i>PPIF</i>	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197	0	0	0.101	0.202	0
<i>LOC728373</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0.496	0
<i>ARVD6</i>	0	0	0	0	0.306	0	0	0	0.108	0	0.249	0	0	0	0
<i>PHKA1P1</i>	0.167	0	0	0.174	0	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0.221
<i>MKKS</i>	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0.22	0	0	0.145
<i>MCDR1</i>	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0.219	0.185	0	0	0	0.114
<i>SLC30A4</i>	0	0	0.151	0	0.277	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0.129	0
<i>ND4</i>	0	0	0	0.239	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0	0.152	0
<i>LOC285299</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0	0.103
<i>GPM6B</i>	0	0	0	0.164	0	0.219	0.151	0	0	0	0	0.127	0	0	0
<i>ERVK-22</i>	0	0.104	0	0	0.138	0	0.109	0.121	0.189	0	0	0	0	0	0
<i>STBMS1</i>	0	0	0	0.223	0	0	0	0	0	0.152	0	0.16	0.125	0	0
<i>YARS</i>	0	0	0	0.34	0	0	0	0	0	0	0.202	0.118	0	0	0
<i>FRG2</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0.113	0

<i>C1QB</i>	0	0	0	0	0.164	0	0	0.198	0.191	0	0	0	0	0.106	0	0
<i>NOMO1</i>	0	0	0	0	0.31	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0.237
<i>PPHLN1</i>	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0.12	0.221	0
<i>FRA10AC1</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0.429	0
<i>HM13</i>	0.21	0	0	0	0.334	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0
<i>ORMDL1</i>	0.104	0	0	0	0.162	0	0	0.104	0.152	0	0	0	0	0.134	0	0
<i>PNMA5</i>	0	0	0	0	0	0.255	0.143	0.111	0	0	0	0	0	0.147	0	0
<i>MCDR4</i>	0	0	0	0.267	0	0	0	0	0	0.1	0	0.106	0.183	0	0	0
<i>DLEU2</i>	0	0.101	0	0	0.254	0	0	0.104	0.197	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCL3L1</i>	0	0	0	0	0.206	0	0	0.238	0.212	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCO2</i>	0	0.128	0	0.115	0	0	0.147	0	0	0	0	0.14	0	0.125	0	0
<i>POMT2</i>	0	0	0	0.283	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0.152	0	0	0
<i>SELM</i>	0	0	0	0	0.211	0	0	0.147	0.177	0	0	0	0	0.12	0	0
<i>SLC6A4</i>	0.121	0	0	0	0.183	0	0	0	0.208	0	0	0	0	0	0	0.142
<i>DFNA30</i>	0	0	0.123	0.116	0	0	0	0	0	0.192	0	0.107	0.116	0	0	0
<i>MRX39</i>	0.124	0	0.127	0	0	0.136	0.138	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0
<i>NKAIN2</i>	0	0	0	0	0	0.218	0.154	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0.182
<i>ELP3</i>	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0.116	0.125	0.164	0	0	0.144	0	0
<i>DFNA42</i>	0	0	0.113	0.207	0	0	0	0	0	0.118	0	0.11	0.105	0	0	0
<i>MIR433</i>	0	0	0	0	0.227	0	0	0.141	0.185	0	0	0	0	0.1	0	0
<i>NOVA2</i>	0	0	0.12	0	0	0.174	0.102	0.15	0	0	0	0	0.107	0	0	0
<i>LOC619480</i>	0	0	0	0.245	0	0	0	0	0	0.17	0.125	0	0	0	0.112	0
<i>PHACTR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0.135	0	0	0.114	0.288	0
<i>GLS</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0.212	0	0	0.208	0.115	0
<i>STXBP1</i>	0	0	0	0	0	0.237	0.134	0.13	0	0	0	0	0	0.15	0	0
<i>FXN</i>	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0.173	0.135	0	0.105	0.12	0
<i>DUX4</i>	0	0	0	0.4	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.112	0
<i>NDUFV1</i>	0	0	0	0	0	0.256	0.123	0.123	0	0	0	0	0	0.148	0	0
<i>ST6GALNAC5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0.125	0.204	0.181
<i>OA24</i>	0	0	0	0.261	0	0	0	0	0	0.17	0	0.104	0	0	0.114	0
<i>ATAD1</i>	0	0	0.1	0	0	0.174	0.26	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0
<i>SCN4B</i>	0	0	0	0	0	0.219	0.158	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>ATG4A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0.386	0	0	0.121	0	0
<i>SCYL1</i>	0	0.114	0	0.1	0	0	0	0	0.137	0.189	0	0	0	0.108	0	0
<i>MRX20</i>	0	0	0.108	0.102	0	0.195	0	0	0	0	0	0	0.243	0	0	0
<i>NF2</i>	0	0.455	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC1002722228</i>	0	0	0.141	0	0	0.122	0.165	0.116	0	0	0	0	0.103	0	0	0
<i>MAGEA9B</i>	0	0	0.121	0	0	0.17	0.146	0.102	0	0	0	0	0.108	0	0	0
<i>MMDK</i>	0	0	0	0.503	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0
<i>SLC4A11</i>	0	0	0	0.248	0	0	0	0	0	0.172	0	0.123	0.103	0	0	0
<i>AFG3L1P</i>	0	0	0	0.248	0	0	0.179	0	0	0	0	0.11	0	0.108	0	0

<i>SVIP</i>	0	0.115	0	0	0.176	0	0	0	0.124	0	0.123	0	0	0.107	0	0
<i>IARS2</i>	0	0	0	0.271	0	0	0.11	0	0	0	0	0.138	0	0.124	0	0
<i>FGS5</i>	0	0	0.154	0	0	0.166	0.157	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0
<i>MRX73</i>	0	0	0.176	0	0	0.164	0.186	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0
<i>NYS3</i>	0	0	0	0.189	0	0.105	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0.222
<i>PDCD10</i>	0	0	0	0	0	0.218	0.105	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0.182
<i>DFNB65</i>	0	0	0.115	0.116	0	0	0	0	0	0.16	0	0.138	0.113	0	0	0
<i>NLGN3</i>	0	0	0.148	0	0	0.144	0.102	0.118	0	0	0	0	0.13	0	0	0
<i>LEFTY1</i>	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0.305
<i>TMEM70</i>	0	0	0	0.111	0	0	0.114	0	0	0	0	0.123	0.167	0	0	0.123
<i>OPEM</i>	0	0	0	0.35	0	0	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0.119
<i>LOC653541</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0.102
<i>RARS2</i>	0	0	0	0	0	0.242	0.137	0	0	0	0	0.133	0	0.126	0	0
<i>LSG1</i>	0	0	0.125	0	0	0	0	0.155	0	0.109	0.125	0	0	0.124	0	0
<i>ALDH7A1</i>	0	0	0	0	0	0.125	0.107	0.126	0	0	0.142	0	0.138	0	0	0
<i>NDUFA1</i>	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0.136	0	0.355	0	0
<i>MRXSAB</i>	0	0	0.149	0	0	0.174	0.12	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0
<i>SCN1B</i>	0	0	0	0	0	0.221	0.175	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0.138
<i>CXORF36</i>	0	0	0.105	0	0	0.179	0.13	0.106	0	0	0	0	0.114	0	0	0
<i>SUN3</i>	0	0.189	0	0	0.148	0	0	0	0.112	0.185	0	0	0	0	0	0
<i>BIN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.282	0	0	0	0.351	0
<i>SLC8A2</i>	0	0	0	0	0	0.242	0.105	0.131	0	0	0	0	0	0.155	0	0
<i>TMEM59</i>	0	0	0	0	0.197	0	0	0.125	0.205	0	0	0	0	0.105	0	0
<i>MOCS1</i>	0	0	0	0	0	0.254	0.132	0	0	0	0	0.102	0.144	0	0	0
<i>AMCX5</i>	0	0	0	0.239	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0.224	0	0	0
<i>KIF1A</i>	0	0.39	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0
<i>KAT5</i>	0.159	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0.107	0	0
<i>MRX5</i>	0	0	0.165	0	0	0.167	0.188	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0
<i>EIF2B5</i>	0.122	0.109	0	0.104	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0
<i>EGR3</i>	0	0	0	0.392	0	0.117	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0
<i>MPPED1</i>	0	0	0.112	0	0	0.143	0.273	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LCA9</i>	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0.17	0	0.1	0	0	0	0.187
<i>TRESMCR</i>	0	0	0	0.181	0	0	0.138	0	0	0	0	0.202	0.108	0	0	0
<i>CNP</i>	0	0.13	0	0.104	0	0	0	0	0	0.15	0	0.245	0	0	0	0
<i>DUX4L14</i>	0	0	0	0.349	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0.112	0
<i>ERVW-6</i>	0	0	0	0	0.149	0	0	0.352	0.126	0	0	0	0	0	0	0
<i>DUX4L2</i>	0	0	0	0.261	0	0	0	0	0	0	0.252	0	0	0	0	0.113
<i>OPA4</i>	0	0	0	0.321	0	0	0	0	0	0.133	0	0.172	0	0	0	0
<i>SCN11A</i>	0	0	0	0	0	0.151	0.141	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0.201
<i>SLC30A1</i>	0	0	0.107	0	0	0	0	0.276	0	0	0	0	0.12	0.121	0	0
<i>MRX40</i>	0	0	0.127	0	0	0.163	0.211	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0

<i>CAPN5</i>	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0.135	0.201	0
<i>RABGAP1L</i>	0	0	0	0	0.152	0	0	0.147	0.17	0	0	0	0	0.154	0	0
<i>GULP1</i>	0.148	0	0	0	0.182	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0.134	0	0
<i>SLC8A3</i>	0	0	0	0	0	0.239	0.115	0.125	0	0	0	0	0	0.144	0	0
<i>ATF4P4</i>	0	0	0	0.184	0	0.12	0	0.116	0	0	0	0.203	0	0	0	0
<i>GABRG3</i>	0	0	0.146	0	0	0.161	0.204	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC440792</i>	0	0	0.102	0	0	0.167	0.105	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0.145
<i>MRX4</i>	0	0	0.113	0	0	0.147	0.211	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0
<i>EEGV1</i>	0	0	0	0	0	0.153	0.18	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0.173
<i>DNAH12</i>	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0.399	0
<i>NPC2</i>	0	0	0	0	0.235	0	0	0	0.242	0	0	0	0	0.144	0	0
<i>MRX37</i>	0	0	0.114	0	0	0.168	0.211	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0
<i>ETM2</i>	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0.118	0	0.24	0.106	0	0	0	0
<i>SBDSP1</i>	0	0	0	0.412	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208
<i>HOXB2</i>	0	0.11	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0.297	0	0	0	0.112	0
<i>SEPT3</i>	0	0	0	0	0.16	0	0	0.147	0.111	0	0	0	0	0.202	0	0
<i>EMP1</i>	0	0	0	0.217	0	0	0	0	0	0	0.403	0	0	0	0	0
<i>EXT3</i>	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0.39	0	0	0	0	0
<i>GSTO2</i>	0	0.119	0	0	0.253	0	0	0	0.103	0	0.145	0	0	0	0	0
<i>LDHB</i>	0	0	0	0	0.215	0	0.149	0.12	0.136	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC280665</i>	0	0	0.106	0	0	0.167	0.234	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SMCR7</i>	0.159	0	0.112	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0.103	0	0.113	0
<i>HTR1A</i>	0	0	0.151	0	0.29	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0
<i>MNG3</i>	0	0	0	0.303	0	0	0	0	0	0	0.204	0.11	0	0	0	0
<i>MRX77</i>	0	0	0.114	0	0	0.138	0.242	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0
<i>WTS</i>	0	0	0.144	0	0	0.168	0.17	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0
<i>TFCP2</i>	0.139	0	0	0	0.174	0	0	0.109	0.195	0	0	0	0	0	0	0
<i>NCS1</i>	0	0	0.124	0	0	0.173	0	0	0	0.2	0	0	0.119	0	0	0
<i>MRX3</i>	0	0	0.131	0	0	0.171	0.102	0.101	0	0	0	0	0.111	0	0	0
<i>ARVD7</i>	0	0	0	0.269	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>PSMC4</i>	0	0	0	0	0.163	0	0	0.147	0.111	0	0	0	0	0.194	0	0
<i>NYS4</i>	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0.115	0	0.121	0.124	0	0	0.148
<i>HPRT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0.458	0
<i>RRS1</i>	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0.114	0.226	0
<i>ITPRIP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.225	0	0	0.19	0.198	0
<i>ACHE</i>	0	0	0.108	0	0.127	0	0	0.136	0.135	0	0	0	0.107	0	0	0
<i>MTMR2</i>	0	0.141	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0.295	0	0	0	0
<i>ZDHHC23</i>	0	0	0	0.304	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0.184
<i>AMIGO3</i>	0	0.188	0	0	0.121	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0.149	0	0
<i>VAC14</i>	0	0.208	0	0.114	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0.15	0	0
<i>KCTD8</i>	0	0	0	0	0	0.152	0.232	0.11	0	0	0	0.117	0	0	0	0

<i>NRG1</i>	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0.137	0.163	0	0	0.163	0	0	0
<i>SYT11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0.215	0.266
<i>DFNA24</i>	0.125	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0.122	0.119	0	0	0
<i>DFNB71</i>	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0.176	0.128	0	0	0
<i>PREP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.441	0	0.169	0	0	0	0	0	0
<i>PHKG1</i>	0.29	0	0	0	0.194	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYP4</i>	0	0.126	0	0	0.163	0	0	0.147	0.171	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCZD8</i>	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0.108	0	0	0.262
<i>SH3GL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185	0	0	0.216	0.206	0	0
<i>LGMBF</i>	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0	0.112	0.122	0	0	0	0.104	0
<i>PTPLA</i>	0	0	0.113	0	0.139	0	0	0.101	0.126	0	0	0	0.128	0	0	0
<i>NETO1</i>	0	0	0.108	0	0	0.111	0.152	0.126	0	0	0.11	0	0	0	0	0
<i>PKHD1L1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.392	0.214	0
<i>PDB4</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0.116	0.245	0	0.11	0	0	0	0
<i>MRXS7</i>	0	0	0.118	0	0	0.162	0.127	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0
<i>DYX3</i>	0	0	0.194	0.103	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0
<i>ZDHHC15</i>	0	0	0.15	0	0	0.144	0.124	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0
<i>OPALIN</i>	0	0.194	0	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0.245	0	0	0	0
<i>LVNC2</i>	0	0	0	0.244	0	0.121	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0.125
<i>HEXB</i>	0	0	0	0	0.285	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0.149	0	0
<i>MRX2</i>	0	0	0.13	0	0	0.146	0.135	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0
<i>OPA2</i>	0	0	0	0.249	0	0	0	0	0	0.103	0	0.25	0	0	0	0
<i>MSTO2P</i>	0	0	0	0.417	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0
<i>AMBRA1</i>	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0.12	0	0.204	0	0	0.124	0	0
<i>AMIGO1</i>	0	0.151	0	0	0.151	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0.154	0	0
<i>TCN1</i>	0.133	0	0	0	0.174	0	0	0.123	0.171	0	0	0	0	0	0	0
<i>RILP</i>	0	0	0	0.231	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0.101	0.105	0
<i>C12ORF65</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0.175	0	0.319	0	0
<i>C3ORF39</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267	0.332
<i>CACNG5</i>	0	0.122	0	0	0	0.119	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202
<i>MTR</i>	0.112	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0.328	0	0	0	0	0
<i>FAM184B</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0.216
<i>LOC100131434</i>	0	0	0.106	0	0	0.143	0.109	0.111	0	0	0	0	0.129	0	0	0
<i>BCS1L</i>	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0.199	0.1	0.124	0	0
<i>ABHD14A</i>	0	0	0	0	0	0.239	0	0.102	0	0.135	0	0	0	0.12	0	0
<i>GARS</i>	0	0.209	0	0.104	0	0	0	0	0	0.127	0	0.156	0	0	0	0
<i>SPG23</i>	0	0.153	0	0.112	0	0	0.209	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0
<i>VCX3B</i>	0	0	0.107	0	0	0.146	0	0.14	0	0	0	0	0.202	0	0	0
<i>MRX27</i>	0	0	0.174	0	0	0.142	0.135	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0
<i>MRX35</i>	0	0	0.106	0	0	0.169	0.119	0	0	0	0	0	0.201	0	0	0
<i>TECPRI</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0.275	0	0	0.209	0	0

<i>C12ORF4</i>	0	0	0	0.304	0	0	0	0	0	0	0	0.29	0	0	0	0
<i>PSPN</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0.122	0.149	0	0	0.201	0	0	0
<i>MRX49</i>	0	0	0.115	0	0	0.147	0.216	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0
<i>MRX78</i>	0	0	0.106	0	0	0.147	0.236	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0
<i>ICAM5</i>	0	0.168	0	0	0	0.211	0.104	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ACBD5</i>	0	0	0	0.253	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.208
<i>HPX-2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0.437	0
<i>C4ORF48</i>	0	0	0.103	0	0	0.118	0.125	0.127	0	0	0	0	0.118	0	0	0
<i>PHKG1P3</i>	0.16	0	0	0.167	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119
<i>CDK5R2</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0.215	0	0	0.102	0	0
<i>BAG2</i>	0.125	0	0	0	0.174	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0.176	0	0
<i>PPP1R3F</i>	0	0	0.124	0	0	0.163	0.115	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0
<i>CNTNAP3</i>	0	0	0	0.276	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0.134	0	0
<i>MHB</i>	0	0	0	0.28	0	0	0	0	0	0	0	0.308	0	0	0	0
<i>HSPA12A</i>	0.17	0	0.12	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0
<i>CACNA1F</i>	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0	0.257
<i>FAM127A</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0.102	0
<i>DFNB89</i>	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0.169	0	0.121	0.145	0	0	0
<i>RDH14</i>	0	0.102	0	0	0.114	0	0	0	0.158	0.212	0	0	0	0	0	0
<i>TIA1</i>	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0.209	0	0	0	0.102	0
<i>SLC17A8</i>	0	0.143	0	0	0	0.212	0	0	0	0.118	0	0.112	0	0	0	0
<i>SCNM1</i>	0	0	0	0	0	0.155	0.17	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.121
<i>VPS13B</i>	0	0	0.147	0	0	0.134	0.129	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0
<i>VCF</i>	0	0	0.145	0	0	0.174	0.124	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0
<i>IQCJ-SCHIP1</i>	0	0	0	0.248	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0.211
<i>MRX8</i>	0	0	0.12	0	0	0.134	0.222	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0
<i>FAM127B</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0.103	0
<i>APOC1</i>	0.123	0	0	0	0.308	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLDC</i>	0	0	0.106	0	0	0.116	0.115	0.105	0	0	0	0	0.139	0	0	0
<i>HSPA4</i>	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0.113	0	0.196
<i>PSMD7</i>	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0.131	0	0.155	0	0	0.126	0	0
<i>HOMER2</i>	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0.169	0.114	0	0.141	0	0	0
<i>CHRM2</i>	0	0	0.131	0	0.307	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0
<i>EBM</i>	0	0	0	0.287	0	0	0	0	0	0.165	0	0.127	0	0	0	0
<i>SCLT1</i>	0	0	0	0	0	0.151	0.111	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>PDE10A</i>	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0.134	0.122	0	0.101	0	0.105	0
<i>MRX82</i>	0	0	0.113	0	0	0.136	0.225	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0
<i>PTOS2</i>	0	0	0	0.262	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0
<i>CXORF1</i>	0.122	0	0.181	0	0	0.141	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTCH1</i>	0.138	0	0	0	0.162	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0.114	0	0
<i>SMN2</i>	0	0.145	0	0	0.26	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0

<i>SIAH1</i>	0	0	0	0	0.206	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0.218	0
<i>CACNG8</i>	0	0.106	0	0	0	0.209	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158
<i>NKAIN3</i>	0	0	0	0	0	0.155	0.147	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0.153
<i>SLC6A5</i>	0	0.124	0	0	0	0.212	0.129	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRICKLE2</i>	0	0.138	0	0	0	0.151	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0.167
<i>MRX81</i>	0	0	0.113	0	0	0.171	0.168	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0
<i>SBF2</i>	0	0.134	0	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0.274	0	0	0	0
<i>CACNG7</i>	0	0.11	0	0	0	0.209	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144
<i>MOXD1</i>	0	0	0	0	0.248	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0.148	0	0
<i>GORAB</i>	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0.11	0.198	0
<i>NPR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.572
<i>ANOS5</i>	0	0	0	0.33	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0.128
<i>LGSN</i>	0	0	0	0.407	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0
<i>EFHA1</i>	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0.301
<i>FPH1</i>	0	0	0	0	0	0.214	0	0.104	0	0	0	0.129	0	0	0	0.123
<i>CALM1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0.395	0
<i>FER1L4</i>	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0	0	0.38	0	0	0	0	0
<i>EFHB</i>	0.148	0	0	0	0	0.191	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231
<i>WBS2</i>	0	0	0.15	0	0	0.147	0.126	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0
<i>TRNAL2</i>	0	0	0	0.155	0	0	0.114	0	0	0	0.167	0.133	0	0	0	0
<i>ARHGEF9</i>	0	0	0.116	0	0	0.16	0.178	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHKG1P1</i>	0.144	0	0	0.161	0	0	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107
<i>TCO</i>	0	0	0	0.307	0	0	0	0	0.131	0	0	0.131	0	0	0	0
<i>TAAR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0.118	0	0.264
<i>TMED10</i>	0.165	0	0	0	0.174	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0.106	0	0
<i>DMRTB1</i>	0.104	0	0	0	0.309	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRX64</i>	0	0	0.119	0	0	0.143	0.102	0.1	0	0	0	0	0.103	0	0	0
<i>ATF4P3</i>	0	0	0	0.182	0	0.115	0	0.124	0	0	0	0.146	0	0	0	0
<i>HSD11B1L</i>	0	0	0	0	0.204	0	0	0.13	0.233	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFNA21</i>	0	0.176	0	0	0.2	0	0	0	0.191	0	0	0	0	0	0	0
<i>PICK1</i>	0	0.119	0	0	0	0.156	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182
<i>ADAMTS17</i>	0	0.137	0	0	0.261	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0
<i>PHKG1P2</i>	0.151	0	0	0.173	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124
<i>C15ORF2</i>	0	0	0.105	0	0	0.108	0.12	0.107	0	0	0	0	0.126	0	0	0
<i>HSF1</i>	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0.114	0	0.196
<i>IMMT</i>	0	0	0.15	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0.151	0.13	0	0
<i>TARBP2P</i>	0	0	0	0	0.228	0	0	0.167	0.169	0	0	0	0	0	0	0
<i>RFH1</i>	0	0	0	0.235	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0.212
<i>SRP68P1</i>	0	0	0	0.117	0	0	0.195	0	0	0	0	0.104	0.147	0	0	0
<i>MED12L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0.151	0.277	0	0	0
<i>SLC16A2</i>	0	0	0.108	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0.205

<i>PRX</i>	0	0.136	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0.205
<i>DLG4</i>	0	0	0	0.205	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0.225
<i>FSD1L</i>	0	0	0	0	0.127	0	0	0.287	0.148	0	0	0	0	0	0	0
<i>DENND4B</i>	0	0	0	0.278	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0.113	0
<i>ZFP90</i>	0	0.134	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0.155	0.16	0	0	0	0
<i>YARS2</i>	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0.288	0	0	0	0.121
<i>DFNB27</i>	0	0	0.132	0.105	0	0	0	0	0	0.105	0	0.106	0.113	0	0	0
<i>BBS10</i>	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0.12	0.184	0	0	0
<i>MIR124-1</i>	0	0	0	0	0.244	0	0	0	0.317	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGAN</i>	0	0.111	0	0	0.205	0	0	0	0.126	0	0	0.118	0	0	0	0
<i>EDNRA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.559
<i>MFF</i>	0	0	0	0.409	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0
<i>FAM127C</i>	0	0	0	0.267	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0.113	0
<i>DNM1L</i>	0.155	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0.146	0	0
<i>FAM124B</i>	0	0.216	0.2	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0
<i>HSPA1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0.131	0	0.242
<i>YME1L1</i>	0	0	0	0.206	0	0	0.111	0	0	0	0	0.113	0	0.127	0	0
<i>LITAF</i>	0	0	0	0.366	0	0	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0	0
<i>USH1A</i>	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0.132	0.138	0	0	0
<i>DFNA58</i>	0	0	0	0.219	0	0	0	0	0	0.217	0	0.12	0	0	0	0
<i>SNX15</i>	0	0.159	0	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0.239	0	0	0	0
<i>NNO1</i>	0	0	0	0.288	0	0	0	0	0	0.109	0	0.159	0	0	0	0
<i>ND3</i>	0	0	0	0	0.129	0	0.149	0	0	0	0	0.121	0	0.156	0	0
<i>PRPF40A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.374	0	0	0	0.18	0
<i>CX3CR1</i>	0	0.229	0	0	0.201	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>UNC13C</i>	0	0	0.145	0	0	0.17	0.112	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0
<i>BBS2</i>	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0.146	0	0	0.145
<i>EJM3</i>	0	0	0	0	0	0.109	0.101	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0.226
<i>MIR29B1</i>	0	0	0	0	0.225	0	0	0.109	0.111	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>ATP6VOA1</i>	0	0	0	0	0.336	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0.113	0	0
<i>TUBA1A</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0.156	0.146	0	0	0	0.121	0	0
<i>FTSJ1</i>	0	0	0.12	0	0	0.138	0.132	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0
<i>CCL4</i>	0	0	0	0	0.157	0	0	0.245	0.15	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2D6</i>	0	0	0	0	0.198	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0.239
<i>MRX24</i>	0	0	0.105	0	0	0.137	0.137	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0
<i>HTR2A</i>	0	0	0	0	0.414	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136
<i>SYT4</i>	0	0	0.149	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0.113	0
<i>OTSC4</i>	0	0	0.154	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0.193	0	0	0
<i>SIPA1L1</i>	0	0	0.13	0	0.307	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0
<i>CMT2G</i>	0	0.115	0	0.112	0	0	0	0	0	0.169	0	0.154	0	0	0	0
<i>SERPINA3</i>	0.126	0	0	0	0.13	0	0	0.1	0.194	0	0	0	0	0	0	0

<i>NMNAT1</i>	0	0.103	0	0.114	0	0	0	0	0.185	0	0	0	0	0.147	0	0
<i>NINJ2</i>	0	0.106	0	0	0.206	0	0	0.128	0.109	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNV1</i>	0	0	0	0	0	0.151	0.113	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>INPP4A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0.437	0	
<i>VMA21</i>	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0.105	0.111	0	0.109	0.117	0	0	0
<i>TRNI</i>	0	0	0	0.219	0	0	0.153	0	0	0	0	0.176	0	0	0	0
<i>ZFYVE27</i>	0	0.155	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0.231	0	0	0	0
<i>NDE1</i>	0	0.135	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0.113	0
<i>FRA12A</i>	0.22	0	0.2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0
<i>HTS</i>	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0	0.376	0	0	0	0
<i>ATG16L1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2	0	0	0	0.347	0
<i>CYFIP1</i>	0.172	0	0.11	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0
<i>ZCCHC12</i>	0	0	0.144	0	0	0.159	0	0.118	0	0	0	0	0.125	0	0	0
<i>PMP22</i>	0	0.131	0	0.159	0	0	0	0	0	0	0	0.256	0	0	0	0
<i>TANC2</i>	0	0	0.15	0	0	0.147	0.102	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0
<i>SETBP1</i>	0	0	0.124	0	0	0.165	0.109	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0
<i>SLC5A7</i>	0	0	0.111	0	0.316	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0
<i>TBL2</i>	0.101	0	0	0	0	0	0.152	0.136	0	0	0	0	0	0	0.155	0
<i>ARHGAP42</i>	0	0	0	0.355	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0
<i>DFNA33</i>	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0.136	0.116	0	0	0
<i>GLC1I</i>	0	0	0	0.293	0	0	0.13	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0
<i>GJA1P1</i>	0	0	0	0.236	0	0	0	0	0	0	0	0.308	0	0	0	0
<i>SLC12A6</i>	0	0	0	0.29	0	0.106	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0
<i>SEPT2</i>	0	0.12	0	0	0.169	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0.106	0
<i>NAT8</i>	0	0	0	0	0.116	0	0	0.144	0.121	0	0	0	0	0.162	0	0
<i>DWS</i>	0	0	0.116	0	0	0.168	0.132	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0
<i>ARFIP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0.182	0.203	0
<i>DFNB45</i>	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0.12	0.115	0	0	0
<i>SPG34</i>	0	0.133	0	0.104	0	0	0.121	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0
<i>FGD4</i>	0	0	0	0.358	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0
<i>NOTCH3</i>	0	0.129	0	0	0.168	0	0	0.102	0.143	0	0	0	0	0	0	0
<i>TSHZ1</i>	0	0.111	0	0	0.168	0	0	0.126	0.136	0	0	0	0	0	0	0
<i>ITM2A</i>	0	0	0	0	0.266	0	0	0.146	0.129	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPNS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0.147	0.215	0
<i>GPR85</i>	0	0	0.132	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0	0.153	0	0	0
<i>PPP2R4</i>	0.193	0	0	0	0.171	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0	0	0
<i>SV2A</i>	0	0	0	0.41	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GUCY1B3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.538
<i>CGGBP1</i>	0.127	0	0.308	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0
<i>ANG</i>	0	0.194	0	0	0.15	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0
<i>LEFTY2</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0.272	

<i>C18ORF8</i>	0.109	0	0	0	0.279	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0
<i>MAP3K10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0.145	0.194	0
<i>GAK</i>	0	0	0	0	0.287	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0.111	0
<i>MPV17</i>	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0.12	0.123	0.164	0	0
<i>NLGN4Y</i>	0	0	0.144	0	0	0.139	0.151	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0
<i>MCPH1</i>	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.398	0	0	0
<i>ZNF169</i>	0	0	0	0.394	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0
<i>CALY</i>	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0.124	0.137	0	0.13	0	0	0
<i>DFNB62</i>	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0.118	0.126	0	0	0
<i>SLC25A12</i>	0	0	0.151	0	0	0.143	0.122	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0
<i>MRS2</i>	0	0	0	0.253	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0
<i>BZRAP1</i>	0	0	0.129	0	0	0.146	0.113	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PNMA6A</i>	0	0	0	0	0	0.223	0.132	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TUBB4Q</i>	0	0	0	0.278	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0.103	0
<i>OTSC8</i>	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0.252	0.127	0	0	0	0
<i>GUSBP3</i>	0	0.107	0	0.111	0	0	0	0	0.167	0.148	0	0	0	0	0	0
<i>FRG2C</i>	0	0	0	0.349	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0
<i>TAR</i>	0	0	0	0	0.168	0	0	0.253	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLCN2</i>	0	0	0	0	0	0.221	0.207	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHGDH</i>	0	0	0	0	0	0.222	0.185	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PITRM1</i>	0	0	0	0	0.12	0	0	0.167	0.111	0	0	0	0	0.133	0	0
<i>DISC2</i>	0.134	0	0.11	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0.107	0	0	0
<i>DSAP2</i>	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0	0.3	0	0	0	0
<i>PRRG4</i>	0	0	0	0	0.116	0	0	0.147	0.111	0	0	0	0	0.155	0	0
<i>VDAC1</i>	0.171	0.225	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0
<i>MCDR3</i>	0	0	0	0.272	0	0	0	0	0	0.152	0	0.105	0	0	0	0
<i>LOC202181</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216	0	0	0	0.119	0.194	0
<i>OR10A5</i>	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0.282	0	0	0	0	0
<i>SYNC</i>	0	0.12	0	0.115	0	0	0	0	0	0.294	0	0	0	0	0	0
<i>HSPBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222	0	0	0.112	0.194	0
<i>DUX4L5</i>	0	0	0	0.239	0	0	0	0	0	0	0.176	0	0	0	0.113	0
<i>DFNB68</i>	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0.19	0.105	0	0	0
<i>STAC2</i>	0	0.145	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0.277	0	0	0	0	0
<i>MYP18</i>	0	0	0	0.308	0	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0	0
<i>POU3F2</i>	0	0	0	0.287	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0.112	0
<i>FGD1</i>	0	0	0	0.258	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0
<i>EMP3</i>	0	0	0	0.376	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0
<i>HPT</i>	0	0	0	0	0	0.234	0.151	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIG2</i>	0	0	0	0	0	0.153	0.139	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0.131
<i>USP24</i>	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.102	0	0.165	0	0	0.129	0	0
<i>WFS1</i>	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0.108	0.159	0	0	0

<i>POU3F4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185	0	0.137	0.204	0	0	0	
<i>PPT2-EGFL8</i>	0	0	0	0	0.202	0	0	0.177	0	0	0	0	0.146	0	0	
<i>SYM2</i>	0	0	0	0.237	0	0	0	0	0	0	0.181	0.107	0	0	0	
<i>DFNB59</i>	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0.144	0	0	0	
<i>C14ORF49</i>	0	0	0	0.226	0	0	0	0	0	0	0.299	0	0	0	0	
<i>CMTDI2</i>	0	0.103	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0.261	0	0	0	0	
<i>FGD3</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0	
<i>TREM2</i>	0	0	0	0	0.138	0	0	0.144	0.242	0	0	0	0	0	0	
<i>TNFSF4</i>	0.524	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>TPH1</i>	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181	0	0	0	0.217	
<i>GPD1L</i>	0	0	0	0	0	0.181	0.188	0	0	0	0	0	0	0	0.154	
<i>GHRLOS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0.268	
<i>DST</i>	0	0.103	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0.204	0	0.103	0	0	
<i>FGD3</i>	0	0	0	0.368	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	
<i>MHS6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.52	
<i>PRKCG</i>	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0.117	0.126	0	0	0.123	0	0
<i>SYNGR1</i>	0	0	0.108	0	0	0.163	0	0.101	0	0	0	0	0.148	0	0	0
<i>PCLO</i>	0	0	0.11	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0.241	0	0	0	
<i>CACNB2</i>	0	0	0	0	0	0.186	0.231	0	0	0	0	0	0	0	0.102	
<i>GIPC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.519	
<i>DUX4L7</i>	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0.112	
<i>CAPN11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0.395	0	
<i>TDP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0.39	0	0	
<i>SH3PXD2A</i>	0	0	0	0	0.156	0	0	0.147	0.111	0	0	0	0.105	0	0	
<i>OTOF</i>	0	0	0.154	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0.119	0.101	0	0	
<i>KY</i>	0	0.134	0	0.104	0	0	0	0	0	0.152	0	0.128	0	0	0	
<i>NFASC</i>	0	0.153	0	0.101	0	0.164	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	
<i>NDIC</i>	0	0	0	0.336	0	0	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	
<i>SLC6A11</i>	0	0	0	0	0	0.114	0.132	0.1	0	0.172	0	0	0	0	0	
<i>PPARGC1A</i>	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0.215	
<i>HGSNAT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.317	0.2	0	
<i>NAIP</i>	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0.131	0.175	0	0	0	0.108	0	
<i>TYROBP</i>	0	0	0	0	0.321	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	
<i>FSHMD1A</i>	0	0	0	0.359	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	
<i>HSPBAP1</i>	0	0	0	0	0	0.232	0.153	0.131	0	0	0	0	0	0	0	
<i>QDPR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0	0	0.286	
<i>CCDC28B</i>	0	0	0.148	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0.123	0.113	0	0	
<i>HSPB1</i>	0	0.114	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0.15	0.147	0	0	0	
<i>DKB1</i>	0	0	0	0.279	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0	0	0	
<i>GCSH</i>	0	0	0	0	0	0.231	0.171	0.113	0	0	0	0	0	0	0	
<i>NOL10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185	0	0	0.136	0.193	

<i>BOS2</i>	0	0	0.149	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0.119	0.104	0	0	0
<i>MRX84</i>	0	0	0.11	0	0	0.161	0.142	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0
<i>CIT</i>	0	0	0.131	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0.214	0	0	0
<i>CHRNB3</i>	0	0	0.101	0	0	0.176	0	0.119	0	0.118	0	0	0	0	0	0
<i>GABRP</i>	0	0	0	0	0	0.228	0.162	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AKAP8L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0.358	0
<i>TSPAN12</i>	0	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.265
<i>THAP11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.34	0	0	0	0.172	0
<i>CAPN14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0.392	0
<i>ECEL1</i>	0	0.146	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0.124	0	0
<i>TMEM11</i>	0	0	0	0.403	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>NIPA2</i>	0	0	0.124	0	0	0.141	0.11	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0
<i>MED25</i>	0	0	0	0.4	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0
<i>SPPL2A</i>	0.131	0	0	0	0.135	0	0	0	0.245	0	0	0	0	0	0	0
<i>IQCJ</i>	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0.193	
<i>DNAH6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0.399
<i>ATP8</i>	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0.129	0	0	0.103	0.105	0
<i>LOC647275</i>	0	0	0	0.156	0	0	0.109	0	0	0	0	0.137	0.108	0	0	0
<i>FOXG1</i>	0	0.131	0	0	0	0.208	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0
<i>STRCP1</i>	0	0	0	0.379	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0
<i>GPX7</i>	0	0	0	0	0.157	0	0	0.154	0.198	0	0	0	0	0	0	0
<i>VPS26A</i>	0	0	0	0	0.185	0	0	0.105	0.112	0	0	0	0	0.106	0	0
<i>DFNB33</i>	0	0	0.108	0.103	0	0	0	0	0	0	0.123	0.174	0	0	0	0
<i>CACD</i>	0	0	0	0.264	0	0	0	0	0	0.133	0	0.111	0	0	0	0
<i>JAKMIP1</i>	0	0.182	0	0	0	0.209	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HTR7P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0.327
<i>NDUFB4</i>	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0.119	0	0	0.149	0.115	0
<i>ATG10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0.105	0.204	0
<i>COMM7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.507	0
<i>PPIL2</i>	0	0	0	0	0.198	0	0	0.203	0.106	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPB2</i>	0	0.15	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0.103	0
<i>SHFM1D</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0.126	0	0	0
<i>MAG</i>	0	0.114	0	0.115	0	0	0	0	0	0.173	0	0.104	0	0	0	0
<i>IL1A</i>	0	0	0	0	0.157	0	0	0.19	0.159	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAJA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204	0	0	0.111	0.19	0
<i>AIFM1</i>	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0.157	0	0	0.109	0	0
<i>PRHOXNB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.277	0.227
<i>PCP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0.153	0	0	0.129	0.115	0
<i>CDB2</i>	0	0	0	0.228	0	0	0	0	0	0.165	0	0.111	0	0	0	0
<i>HDGFRP3</i>	0	0	0	0	0.148	0	0	0.188	0.168	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRP1</i>	0.125	0	0	0	0	0.183	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0

<i>UBQLN4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0.12	0.216	0
<i>DMBX1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.503	0
<i>EN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.503	0
<i>ERVV-1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.503	0
<i>DFNY1</i>	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0.119	0	0.104	0.13	0	0	0
<i>GINGF2</i>	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0	0.163	0.11	0	0	0	0
<i>KCNJ6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0.122	0	0.247
<i>PTS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.28	0	0	0.221
<i>CCBL2</i>	0	0	0.124	0	0	0	0	0.142	0	0	0.122	0	0	0.113	0
<i>CIB4</i>	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0
<i>CC2D1A</i>	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0.179	0	0	0
<i>LRRN4</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0.225	0	0	0	0	0.167	0	0
<i>IS2</i>	0	0	0	0.277	0	0.105	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0
<i>ATL3</i>	0	0.168	0	0.216	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0
<i>CMD1C</i>	0	0	0	0.212	0	0	0	0	0	0	0.289	0	0	0	0
<i>UBIAD1</i>	0	0	0	0.306	0	0	0	0	0	0	0.195	0	0	0	0
<i>CHED1</i>	0	0	0	0.202	0	0	0	0	0.185	0	0.113	0	0	0	0
<i>ATL2</i>	0	0.109	0	0.104	0	0	0	0	0.154	0	0	0.133	0	0	0
<i>CASP12</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0.115	0	0	0.107	0
<i>SLC6A12</i>	0	0	0	0	0	0.204	0.176	0.119	0	0	0	0	0	0	0
<i>GAP43</i>	0	0.118	0	0	0	0.2	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0
<i>PDE4B</i>	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0.257
<i>ARID1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0.352	0
<i>TRNS1</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0.117	0	0	0
<i>ALG3</i>	0	0	0	0	0	0.182	0.174	0	0	0	0	0.141	0	0	0
<i>UGT8</i>	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0.2	0	0
<i>DBNDD2</i>	0	0	0	0	0.206	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0.11	0
<i>DYX1C1</i>	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0.384	0	0	0
<i>DLGAP2</i>	0	0	0	0.187	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>HIST1H2AP55</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.494
<i>ADFN</i>	0	0	0.144	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0.125	0	0
<i>BDET</i>	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0.321	0	0	0	0
<i>OTOL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.298	0	0	0	0.195
<i>RILPL1</i>	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0.109	0.117	0
<i>FASA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0.176	0.192	0
<i>TCERG1</i>	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.126	0	0.117	0	0	0	0.112
<i>TRNL2</i>	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0.12	0	0	0.106	0	0.101	0
<i>FRA11A</i>	0.146	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0
<i>PANX2</i>	0	0	0	0.351	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HTR3B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0.302
<i>TPH2</i>	0.109	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0.135

<i>SYVN1</i>	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.139	0	0.117	0	0	0.106	0	0
<i>TAF15</i>	0	0.172	0	0	0.201	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0
<i>GABRQ</i>	0	0	0	0	0	0.228	0.133	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BDMF</i>	0	0	0	0.106	0	0.134	0	0	0.12	0	0	0.131	0	0	0	0
<i>CDH12P2</i>	0	0.116	0	0	0.134	0	0	0	0.241	0	0	0	0	0	0	0
<i>GHRL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0.272
<i>RTN1</i>	0	0.16	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0
<i>RAB39</i>	0	0	0	0	0	0.224	0.149	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYL6B</i>	0.49	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FXYD1</i>	0	0	0	0	0	0.181	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18
<i>NUDT4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.383	0	0	0	0.106	0	0
<i>TGM3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.371	0	0	0	0.118	0	0
<i>FOXRED2</i>	0	0	0	0	0.381	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>DNAH10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216	0	0	0	0	0	0.272
<i>GJB2</i>	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0.171	0	0	0
<i>PON1</i>	0	0.112	0	0	0.202	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR217</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.487
<i>BSX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0.362	0	0
<i>AATF</i>	0	0	0	0	0.102	0	0	0.138	0.118	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>DFNB5</i>	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0.112	0.104	0	0	0
<i>POMT1</i>	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0.142	0	0	0
<i>KCTD16</i>	0	0	0	0	0	0.226	0.158	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MESDC2</i>	0.487	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DVL1</i>	0.172	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2
<i>TGM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0.118	0.207	0
<i>CRMP1</i>	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0.136	0	0
<i>ADARB1</i>	0	0.118	0	0	0	0	0	0.119	0.127	0	0.122	0	0	0	0	0
<i>ZMYM5</i>	0.218	0	0	0	0.153	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0
<i>OCLN</i>	0	0.302	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UACA</i>	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0.219	0
<i>TRAK1</i>	0	0.16	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0
<i>MHW2</i>	0.132	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0.104	0
<i>A2M</i>	0.144	0	0	0	0.13	0	0	0.106	0.104	0	0	0	0	0	0	0
<i>VCX2</i>	0	0	0.13	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0.182	0	0	0
<i>HSPA9</i>	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0.156
<i>HERPUD1</i>	0	0	0	0	0.197	0	0	0	0.168	0	0	0	0	0.118	0	0
<i>DFNA21</i>	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0.106	0.107	0	0	0
<i>CHRM4</i>	0	0	0.13	0	0.234	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0
<i>DFFA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0.125	0.19	0
<i>HIP1R</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0.139	0.192	0
<i>DFNA52</i>	0	0	0	0.262	0	0	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0

DHS	0	0	0	0.316	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0
PEX5L	0	0	0	0	0	0.222	0.147	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0
SPG25	0	0.105	0	0.114	0	0	0	0	0	0.157	0	0.105	0	0	0	0
ZNF180	0	0.126	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0
LOC619540	0	0	0	0.347	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0
CDKL2	0	0	0	0	0	0.216	0.16	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0
KRT27	0.48	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
SCAMP5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0.172	0.193	0
DFNM2	0	0	0	0.26	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0.112	0	0	0
DFNB13	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239	0.115	0	0	0
TW	0	0	0	0.225	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0
ACE	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0.207
MCCC1	0	0	0	0	0	0.182	0.142	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0
ATFB1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.308	0.169
BAG3	0	0.114	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0.121	0	0
C1ORF130	0	0	0	0.258	0	0	0	0	0	0	0	0.218	0	0	0	0
B4GALNT1	0	0	0	0.226	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0.138	0	0
MRPS18CP2	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0.181	0	0	0
ATG12	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0.134	0	0	0.119	0.111	0
CAPN9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0.364	0
RPL14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.369	0	0	0	0.106	0
PSMF1	0	0	0	0	0.163	0	0	0.142	0.17	0	0	0	0	0	0	0
BHLHE22	0.126	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0.187
DUX4L9	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0.102	0
NGFRAP1	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0.112	0	0
ATG9B	0	0	0	0	0	0	0	0	0.228	0	0.135	0	0	0.111	0	0
SCN7A	0	0	0	0.218	0	0.137	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0
ZNF175	0	0	0	0	0.174	0	0	0.163	0.137	0	0	0	0	0	0	0
KCNH5	0	0	0	0	0	0.177	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0.185
KCNA4	0	0	0	0.165	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129
D4S234E	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0	0	0	0.122	0
GPR126	0	0	0	0.316	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0
MAP1LC3B	0	0	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0.139	0	0	0.13	0	0
GJA3	0	0	0	0.28	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0
MCPH4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0.126	0	0	0.171
IAPP	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0.189	0
C7ORF11	0	0	0	0	0	0.157	0.145	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0
KCNQ4	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0.19
SYT1	0	0	0.126	0	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185	0
VENTXP7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.285	0	0	0	0	0.186
CBLN3	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0.169	0	0	0	0.115	0	0

<i>BASP1P1</i>	0	0	0.11	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0.144	0	0	0
<i>PLLP</i>	0	0	0	0.29	0	0	0	0	0	0	0	0.181	0	0	0	0
<i>PDB1</i>	0	0.139	0	0	0.169	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD22</i>	0	0	0	0.257	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.213
<i>RAB40C</i>	0	0	0	0.288	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182	0
<i>AHI1</i>	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0.149	0	0	0
<i>KLC3</i>	0	0	0	0.254	0	0	0	0	0	0	0	0.216	0	0	0	0
<i>IMPA1</i>	0.167	0	0	0	0.181	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PFM3</i>	0	0	0	0.219	0	0	0	0	0	0.117	0	0.133	0	0	0	0
<i>DNAJB1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0	0	0.116	0.117	0
<i>ATG9A</i>	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0.113	0	0.132	0	0	0.101	0	0
<i>C15ORF24</i>	0	0	0	0.321	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP1B3</i>	0	0	0	0	0	0.129	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>COPD19</i>	0	0	0	0.324	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144
<i>REST</i>	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0.102	0
<i>HERC2P6</i>	0	0	0	0	0	0.188	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155
<i>EML1</i>	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0.103	0.113	0	0	0
<i>AFA</i>	0	0	0.15	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0.1	0.115	0	0	0
<i>SMARCAL1</i>	0	0	0.131	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0
<i>GNG12</i>	0.112	0.131	0	0	0	0	0	0.122	0.103	0	0	0	0	0	0	0
<i>IL1B</i>	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0.19
<i>ACCN4</i>	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0.182
<i>DGCR6</i>	0	0	0	0	0	0.221	0.132	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK9</i>	0	0	0	0	0	0.232	0.132	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP1A4</i>	0	0	0	0	0	0.186	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167
<i>CSNK1D</i>	0.167	0	0	0	0.159	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0
<i>GRID2IP</i>	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0.137
<i>DYX7</i>	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0.218
<i>COPD23</i>	0	0	0	0.282	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>GABRE</i>	0	0	0	0	0	0.229	0.132	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NOS3</i>	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0.168
<i>SNORD115@</i>	0	0	0	0	0	0.178	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16
<i>ANXA2P2</i>	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.321	0
<i>POMGNT1</i>	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0.105	0	0	0
<i>IFT57</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0.101	0.197	0
<i>TUBA3C</i>	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0.189	0
<i>PIGCP1</i>	0	0	0	0	0	0.133	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221
<i>UBE2G1</i>	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0.145	0	0
<i>GHS</i>	0	0	0.109	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0
<i>GABRR1</i>	0	0	0	0	0	0.227	0.132	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GRIP2</i>	0	0.131	0	0	0	0.207	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>RNR1</i>	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0.209	0.126	0	0	0
<i>ATRX</i>	0	0	0.123	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0
<i>HPLH1</i>	0	0	0	0.213	0	0	0	0	0.147	0	0	0.102	0	0	0	0
<i>KCTD12</i>	0	0	0	0	0	0.227	0.132	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNN2</i>	0	0	0	0	0	0.179	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>UROC1</i>	0	0	0	0	0	0.184	0.158	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0
<i>KIF1B</i>	0	0.121	0	0.101	0	0	0	0	0.11	0	0	0.128	0	0	0	0
<i>TMEM167A</i>	0	0	0	0.282	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0
<i>GABRR3</i>	0	0	0	0	0	0.23	0.126	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCND1</i>	0	0	0	0	0	0.177	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0.169
<i>DUX4L4</i>	0	0	0	0.236	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0.103	0
<i>CASP3</i>	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0.122	0	0.153	0	0	0	0	0
<i>EPB41L5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.458
<i>CYHR1</i>	0.189	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269
<i>CACNA1B</i>	0	0	0	0	0	0.186	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128
<i>ENUR2</i>	0	0	0	0.317	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0
<i>GAL3ST1</i>	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0	0	0	0.299	0	0	0	0
<i>DNAJB8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0.105	0.19	0
<i>CPNE9</i>	0.188	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269
<i>FMR1-AS1</i>	0.161	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0
<i>MOB2</i>	0	0	0	0	0.186	0	0	0.145	0.126	0	0	0	0	0	0	0
<i>TAMM41</i>	0	0	0.108	0	0.236	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0
<i>AGER</i>	0	0	0	0	0.218	0	0	0	0.239	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC6A13</i>	0	0	0	0	0	0.183	0.156	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTM1</i>	0	0	0	0.342	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0
<i>MAOA</i>	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0	0	0.141
<i>HOXA2</i>	0	0	0	0.35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106
<i>DFNB38</i>	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0.113	0.106	0	0	0
<i>MNX1</i>	0	0.103	0	0.176	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0
<i>CANDF1</i>	0	0	0	0.304	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0
<i>NDRG4</i>	0	0	0	0.285	0	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0
<i>PBCRA1</i>	0	0	0	0.224	0	0	0	0	0	0.121	0.11	0	0	0	0	0
<i>DLX5</i>	0	0	0	0	0	0.297	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0
<i>SERPINA1</i>	0	0	0	0	0.286	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0
<i>PNMA3</i>	0	0	0	0	0	0.221	0.132	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPPC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.454
<i>TBR1</i>	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0.113	0
<i>SRSF9</i>	0	0.136	0	0	0.176	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPHP3-ACAD11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0.152	0	0	0	0.183
<i>STAC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0.198	0	0.123	0	0
<i>RTN4RL2</i>	0	0.111	0	0.159	0	0	0	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0

<i>GPX6</i>	0	0	0	0	0.139	0	0	0.188	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRPAP1</i>	0.115	0	0	0	0.187	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>WDPCP</i>	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0.198
<i>VSX1</i>	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0.137	0	0	0	0	0
<i>OTSC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.21	0.126	0	0.116	0	0
<i>ZNF598</i>	0	0.148	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0
<i>TRPV4</i>	0	0	0	0.311	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0
<i>PLEKHB2</i>	0	0.345	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF5C</i>	0	0.109	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.102	0	0
<i>EGR2</i>	0	0	0	0.328	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0
<i>FIS1</i>	0	0	0	0.297	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0
<i>RP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0.288	0	0	0	0	0
<i>SLC44A3</i>	0	0.171	0	0	0.169	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLULP4</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222	0	0	0	0	0.1	0
<i>MMP3</i>	0	0	0	0	0.286	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ18</i>	0	0	0	0.119	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177
<i>CTNNA3</i>	0	0	0	0	0.112	0	0	0.198	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LCA5L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0.105	0	0	0	0	0.222
<i>CHGA</i>	0	0.105	0	0	0.175	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DUX4L3</i>	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0.102	0
<i>PLEKHM1</i>	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0.154	0	0
<i>PON2</i>	0	0.101	0	0	0.177	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DLG2</i>	0	0	0	0.245	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2
<i>GAMT</i>	0	0	0.123	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0
<i>KCNJ4</i>	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0.268	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A19</i>	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0.221	0	0.113	0	0	0
<i>SOX10</i>	0	0	0	0.323	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0
<i>CNGA1</i>	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.198	0.116	0	0	0	0	0	0
<i>JPH4</i>	0	0	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0.156	0
<i>FTL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182	0.138	0	0.123	0	0	0
<i>NAV2</i>	0	0	0	0.312	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0
<i>GALR1</i>	0	0	0.145	0	0	0.167	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0
<i>SH3BGL2</i>	0	0	0	0	0	0.226	0.114	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC246784</i>	0	0	0	0	0	0.187	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0
<i>RNF166</i>	0.126	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0
<i>KCNA2</i>	0	0	0	0.111	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2
<i>FEN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.338	0	0	0	0.104	0	0
<i>ADSL</i>	0	0	0	0	0	0.181	0.131	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0
<i>DBNDD1</i>	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304	0	0	0	0
<i>PCDH15</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0	0.253	0	0	0	0	0
<i>MTMR1</i>	0	0	0	0.239	0	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0	0	0	0

<i>NOX1</i>	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0.147	0	0
<i>CDH23</i>	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0.169	0	0	0	0	0
<i>SPD3</i>	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0
<i>WBSCR17</i>	0	0	0	0	0	0.183	0.1	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPARGC1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0.3
<i>SYT14</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.3	0
<i>MAFD1</i>	0.104	0	0.123	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0
<i>MTX1P1</i>	0	0	0	0	0.286	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADK</i>	0	0	0	0	0	0.153	0.124	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0
<i>IGHV4-39</i>	0	0.163	0	0	0	0	0	0.277	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAPNS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0.125	0.19	0
<i>NOMO2</i>	0	0	0	0	0.167	0	0	0.129	0.143	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRSAM1</i>	0.275	0	0	0.164	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MSN</i>	0	0.246	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DFNB17</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0.144	0	0	0	0
<i>TMEM200B</i>	0.144	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0
<i>MAPK8IP2</i>	0.144	0	0	0	0.181	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0
<i>CACNA1C</i>	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.275
<i>FEZ1</i>	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0.158	0	0	0
<i>C10ORF67</i>	0	0.121	0	0	0	0.2	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0
<i>PIGFP1</i>	0	0	0	0	0	0.178	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108
<i>KCNC4</i>	0	0	0	0	0	0.158	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0.149
<i>HMI</i>	0	0	0.124	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0
<i>COD2</i>	0	0	0	0.271	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0	0
<i>PNKD</i>	0	0	0	0	0	0.178	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134
<i>ADCY8</i>	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0.122	0	0	0
<i>DFNB46</i>	0	0	0	0.246	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0
<i>KERSMCR</i>	0	0	0	0.26	0	0	0	0	0	0	0	0.176	0	0	0	0
<i>AUTS2</i>	0	0	0.131	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0
<i>NQO1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.435
<i>DNAJC5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.217	0	0	0.101	0.117	0
<i>CD200R1</i>	0	0.111	0	0	0.148	0	0	0	0.176	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOC1P1</i>	0.123	0	0	0	0.181	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0
<i>GGA1</i>	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0.296	0	0	0	0	0	0	0
<i>COA5</i>	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0.174	0	0.156	0	0
<i>FAM134C</i>	0	0	0	0.219	0	0	0	0	0	0	0	0.215	0	0	0	0
<i>SLC4A10</i>	0	0	0	0	0	0.128	0.188	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNIH2</i>	0	0	0	0	0	0.186	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146
<i>OPN5</i>	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0.147	0	0	0
<i>RGS4</i>	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0.198	0	0	0
<i>DUX4L6</i>	0	0	0	0.208	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0.102	0

<i>CD46P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218	0.214
<i>MHW1</i>	0.111	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0.103	0	
<i>APOPT1</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.305	0
<i>GPR137B</i>	0	0.148	0	0.166	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	
<i>TYS</i>	0	0	0	0	0	0.182	0.102	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0
<i>5-HT3C2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.245	0.186
<i>OFD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0.126	0	0	0	0.198
<i>ASMD</i>	0	0	0	0.198	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0.112	0
<i>POU3F1</i>	0	0	0	0.215	0	0	0	0	0	0	0.216	0	0	0	0	0
<i>E2F7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.431	0	0	0	0	0
<i>FLJ45872</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0.189	0
<i>SCZD12</i>	0	0	0.133	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0	0	0	0
<i>KIFC2</i>	0	0.119	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0
<i>CKBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.43	0	0	0	0	0
<i>SH3TC2</i>	0	0.119	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0.205	0	0	0	0	0
<i>TMEM67</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0.126	0	0	0	0.145
<i>KIF4B</i>	0	0.26	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHCHD2P9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.429	0
<i>ALS2CL</i>	0	0.138	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0
<i>LAMP2</i>	0	0	0	0.275	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0
<i>CRX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0.149	0	0	0	0.114	0
<i>DNM1</i>	0	0	0.11	0.103	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0.113	0
<i>NBR1</i>	0	0	0	0	0.197	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>GER</i>	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0.136	0.111	0	0	0	0
<i>ZNF664</i>	0	0	0	0.315	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0
<i>METTL21B</i>	0	0.185	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0.134	0	0	0	0	0
<i>FRA16B</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2	0	0	0	0.101	0
<i>GFPT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.427
<i>SLC26A4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.252	0.175	0	0	0	0
<i>LOC619409</i>	0	0	0	0.315	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0
<i>HTR3D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.277	0.149
<i>ADHD4</i>	0	0	0.149	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0
<i>NELL2</i>	0	0	0.123	0	0	0.171	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYEF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.32	0	0	0	0.106	0
<i>HEXIM1</i>	0	0	0	0	0.306	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNU1</i>	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.277
<i>DBX2</i>	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278	0
<i>HEPH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0.26	0	0
<i>RIMS1</i>	0	0	0.123	0	0	0.159	0	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0
<i>MAGEL2</i>	0.163	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0
<i>TMEM37</i>	0	0	0	0	0	0.177	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118

<i>COX11</i>	0	0.295	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0
<i>SDTY1</i>	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0
<i>TRIM37</i>	0	0	0	0.299	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0
<i>FAM114A1</i>	0	0	0	0	0.158	0.151	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLPB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.323	0	0	0	0.101	0
<i>USP40</i>	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0.145	0	0
<i>TIMM13</i>	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0.112	0	0.181	0	0
<i>GJB6</i>	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0.109	0	0	0
<i>GJC2</i>	0	0.132	0	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0
<i>ANK3</i>	0	0	0	0.235	0	0.189	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUMF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.195	0	0.107	0.121	0	0
<i>KIF21B</i>	0	0.106	0	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0
<i>CCDC64</i>	0	0.108	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0
<i>SMN1</i>	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0.16	0.157	0	0	0	0	0	0
<i>NINJ1</i>	0	0.105	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0
<i>PCBP2P1</i>	0.422	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADHD1</i>	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0.169
<i>KCNK16</i>	0	0	0	0	0	0.236	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185
<i>KCNE4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.421
<i>SNAP29</i>	0	0	0	0.237	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0
<i>HSN1B</i>	0	0.105	0	0.101	0	0	0	0	0	0.112	0	0.103	0	0	0	0
<i>CCDC34</i>	0	0	0	0	0	0.295	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0
<i>THAP3</i>	0	0	0	0.271	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149
<i>DZANK1</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0
<i>KALRN</i>	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0.145	0	0	0
<i>KTCN3</i>	0.17	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0
<i>FHQTL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.42
<i>DFFB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0.194	0.117	0
<i>CPNE8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.42	0
<i>CLIC5</i>	0	0	0	0	0	0.257	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162
<i>MYO6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231	0	0.188	0	0	0	0
<i>DFNB32</i>	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0
<i>GLDN</i>	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0
<i>INTU</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.419
<i>MMADHC</i>	0.419	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AGBL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0.109	0	0.192
<i>SLC30A5</i>	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0.151	0	0
<i>KLC4</i>	0	0.111	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0
<i>ZNF750</i>	0	0	0	0.235	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0	0	0	0
<i>SREK1</i>	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0.244	0	0	0	0	0	0	0
<i>DBH-AS1</i>	0	0.146	0	0	0	0.155	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>DSCAML1</i>	0.108	0	0	0	0	0.192	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C8B</i>	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.28
<i>OMS</i>	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0.156	0	0	0	0
<i>MCEE</i>	0.116	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0
<i>FLG2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.305	0	0	0	0.112	0	0
<i>NAP1L3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.417	0	0
<i>STX1A</i>	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0.127	0	0	0.103	0	0	0
<i>UVRAG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.298	0	0	0.119	0	0	0	0
<i>SLC12A5</i>	0	0	0	0	0	0.155	0.156	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARHGAP27</i>	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0.187	0
<i>PSAP</i>	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0.124	0	0	0
<i>NGFR</i>	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0	0.234	0	0	0	0	0	0	0
<i>DUXB</i>	0	0	0	0.189	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.113	0	0
<i>SNX33</i>	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0.15	0	0	0
<i>ODF3L2</i>	0	0	0.111	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0
<i>LRRC8E</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237	0	0	0	0	0.178	0	0
<i>LARGE</i>	0	0	0	0.206	0	0	0	0	0	0.104	0	0.105	0	0	0	0	0
<i>NMSR</i>	0	0.106	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0
<i>FRTS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.415	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A22</i>	0	0	0	0	0	0.155	0.158	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAPN6</i>	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0.1	0	0
<i>NSUN5</i>	0	0	0.123	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0
<i>IGSF9B</i>	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.277	0	0	0	0
<i>KCNK3</i>	0	0.105	0	0	0	0.208	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNH6</i>	0	0	0	0.279	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SIRT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0.144	0	0.124	0
<i>SERPINA2</i>	0	0	0	0	0.286	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NNO3</i>	0	0	0	0.164	0	0	0	0	0	0	0	0.249	0	0	0	0	0
<i>DRGX</i>	0	0.125	0	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0
<i>HCRT</i>	0	0.111	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF385D</i>	0	0	0	0	0	0.184	0.119	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DBA2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0.253
<i>DLGAP1</i>	0	0	0	0.243	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169	0
<i>NUCKS1</i>	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0.164	0	0
<i>ASTN2</i>	0	0	0.123	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0
<i>OR3A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.412	0	0
<i>RPL24</i>	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0.123	0	0	0	0
<i>NAV3</i>	0	0	0	0.286	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0
<i>TMCC1</i>	0	0	0	0.287	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0
<i>NOS2</i>	0	0	0	0	0.286	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CASD1</i>	0	0	0	0.266	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0

<i>CASP4</i>	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0.101	0	0
<i>DRD5P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0.303
<i>NDRG2</i>	0.113	0	0	0.175	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXO2</i>	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0.15	0	0
<i>DYNC1I1</i>	0	0.13	0	0.101	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0
<i>HSPB6</i>	0	0.137	0	0.101	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0
<i>CST6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.41	0	0
<i>TMEM151B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.41	0	0
<i>DUH</i>	0.111	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0
<i>MATN4</i>	0	0	0	0.41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SIRT2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.308	0	0	0.101	0	0	0
<i>ABHD12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279	0.13	0	0	0	0	0
<i>SPINT3</i>	0	0	0	0	0.26	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0
<i>DDN</i>	0	0.136	0.12	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MGP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.409	0	0
<i>CNTD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0.164	0	0	0.115	0	0
<i>CAMK4</i>	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.276	0	0	0
<i>HNRPDP</i>	0.279	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0
<i>PRODH</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0.121
<i>GNS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.288	0.12	0	0
<i>HTR3C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224	0	0.183
<i>PIGAP1</i>	0	0	0	0	0	0.158	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>C18ORF25</i>	0.11	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0
<i>TMEM200C</i>	0.144	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0
<i>ALG8</i>	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0.113
<i>HOTTIP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.407	0
<i>PAPLN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.407	0
<i>RAB7A</i>	0	0.12	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>NOTCH4</i>	0	0	0	0	0.286	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0
<i>BEGAIN</i>	0	0	0	0.407	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EVC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0.274	0	0	0
<i>ADCY1</i>	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0.126	0	0	0
<i>DLG2-AS1</i>	0	0	0.132	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0.142	0	0	0
<i>LNCR1</i>	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0.106	0	0	0.16	0	0	0	0
<i>EIF2AK2</i>	0.153	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>SLC2A1</i>	0	0	0	0	0	0.178	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121
<i>C10orf63</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0.233
<i>BRSK2</i>	0	0	0	0	0	0.133	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0.159
<i>NIPSNAP1</i>	0	0	0	0	0.119	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0.144	0	0
<i>BBS7</i>	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0.163	0	0	0	0
<i>DYX6</i>	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0.162	0	0	0

<i>TRPV3</i>	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0.212	0	0	0	0
<i>LOC647859</i>	0	0.125	0	0.101	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLA2G6</i>	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>POU4F2</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0.107	0	0	0	0	0
<i>DAP3P1</i>	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0
<i>TRICY1</i>	0	0	0	0.234	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0
<i>GLIPR1L1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.403
<i>PCM1</i>	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0.114	0
<i>MLIP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.403	0
<i>KIF3C</i>	0	0.113	0	0.166	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0
<i>COL28A1</i>	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0
<i>EXTL1</i>	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0	0	0	0.206	0	0	0	0
<i>FAM160B2</i>	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0.242	0	0	0	0
<i>SNX7</i>	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0
<i>PAPA4</i>	0.242	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CTSZ</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.291	0	0	0	0.112	0
<i>VLDLR</i>	0.103	0	0	0	0.171	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHACTR2</i>	0	0.125	0	0	0.169	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RERE</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239	0	0	0	0.162	0
<i>CCPSO</i>	0	0	0	0.272	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0
<i>SEPN1</i>	0	0	0	0.26	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0
<i>PMS2CL</i>	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.257	0	0	0	0
<i>USP9X</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202	0	0.199	0	0	0	0	0
<i>TRND</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0.175	0	0.11	0	0
<i>C4ORF6</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0.104	0
<i>LHX1</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256	0
<i>BST1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.4	0
<i>IGHV4-4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.4	0
<i>ERI3</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0.141	0	0	0.152	0	0
<i>KIAA0415</i>	0	0	0	0.278	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0
<i>SCG2</i>	0	0.119	0	0	0.176	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0
<i>GEMIN2</i>	0	0.284	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0
<i>LPHN3</i>	0	0	0.11	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0
<i>CLCN7</i>	0	0	0	0	0	0.187	0	0.104	0	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>ZIC4</i>	0	0	0	0	0	0.183	0.111	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GABARAPL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0	0.144	0	0
<i>SOX21</i>	0.398	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>VDAC3</i>	0.274	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123
<i>PSMD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.265	0	0	0.132	0	0
<i>LRRIQ3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224	0.172	0
<i>IL8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.396

<i>MIR328</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.396
<i>SLC18A3</i>	0	0	0.13	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0
<i>CCT5</i>	0	0	0	0.244	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0
<i>DYNC1I2</i>	0	0.104	0	0.101	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0	0	0	0
<i>DFNB66</i>	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0.11	0.153	0	0	0	0
<i>DHCR7</i>	0.107	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0
<i>VCX3A</i>	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0
<i>PMP2</i>	0	0	0	0.241	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0
<i>LTBP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.394	0
<i>DPYSL4</i>	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0.136	0	0
<i>CHRM1</i>	0	0	0.13	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0
<i>SLC7A10</i>	0	0	0	0	0	0.13	0.106	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TAAR6</i>	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0.17	
<i>PIGA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.393
<i>HYDIN2</i>	0	0	0	0.209	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0
<i>C7ORF16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0.216	0	0
<i>DYM</i>	0	0	0.123	0	0	0.164	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0
<i>C40RF10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0.104	0.117	0
<i>LCE2B</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.245	0
<i>DAOA-AS1</i>	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0.132	0	0	0
<i>GSC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.214	0	0	0	0	0.178	0	0	0
<i>GLC1B</i>	0	0	0	0.226	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0
<i>MALL</i>	0	0	0	0.261	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0
<i>ZFHX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.392	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLEB4</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267	0
<i>FEV</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0
<i>TRNAL1</i>	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0.147	0	0.123	0	0
<i>YWHAE</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0.138	0	0
<i>DFNB83</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0.141	0	0	0
<i>CMD1Q</i>	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0
<i>PATE2</i>	0	0	0	0	0	0.272	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117
<i>PPP4R4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.209	0	0	0	0.18	0
<i>PRPS1</i>	0	0	0	0.279	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0
<i>TMEM35</i>	0	0	0	0.204	0	0	0	0	0	0	0.185	0	0	0	0	0
<i>SLC16A7</i>	0	0	0	0	0	0.179	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103
<i>WDFY4</i>	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.238	0
<i>CCNT2</i>	0	0	0	0	0.207	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0
<i>BTBD10</i>	0.147	0.112	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNTN1</i>	0	0	0	0.246	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZDHHC21</i>	0	0	0	0	0	0.133	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142
<i>SMCR7L</i>	0	0	0	0.242	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0

<i>FAM120C</i>	0	0	0.13	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0
<i>GJE1</i>	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0	0
<i>OGDH</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0.143	0	0	0.127	0	0
<i>AVSD1</i>	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0.115	0	0	0	0
<i>DYX9</i>	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0.121	0	0	0
<i>FARP1</i>	0	0.101	0	0	0.15	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0
<i>MSX2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0	0	0	0.177	0	0
<i>CNTNAP1</i>	0	0.119	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0
<i>GJB4</i>	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0
<i>RPS19P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0.222
<i>HLA-B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.384
<i>ZNF503</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.228	0	0	0	0	0.156	0
<i>RNR2</i>	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0.16	0	0.112	0	0
<i>PHF8</i>	0	0	0.129	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0
<i>FAM134A</i>	0	0	0	0.262	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0
<i>GLC1J</i>	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0	0	0
<i>APEX1</i>	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0	0.2	0	0	0	0	0	0
<i>SRSF11</i>	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0.22	0	0	0	0	0	0	0
<i>SIK2</i>	0.384	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP2R2B</i>	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0.122	0	0
<i>NAB1</i>	0	0	0	0.272	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0
<i>ATF3</i>	0	0.136	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>PHLPP1</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0.1	0
<i>MPHOSPH9</i>	0	0.121	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0
<i>DOC2GP</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0
<i>RNR1</i>	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0.126	0	0	0	0
<i>D2HGDH</i>	0	0	0	0	0	0.13	0.103	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0
<i>FLRT3</i>	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0.258	0	0	0	0	0
<i>HSF4</i>	0	0	0	0.219	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0
<i>BCAN</i>	0	0.219	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0
<i>CRB2</i>	0.125	0	0	0	0.136	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAB5A</i>	0	0.276	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD20</i>	0	0	0	0.271	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109
<i>PIGP</i>	0.251	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>SYNJ1</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0.101	0
<i>CAPN2</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0.1	0
<i>TSPO</i>	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0.106	0	0	0	0.137	0	0
<i>ALG9</i>	0	0	0.109	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0
<i>NAALAD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.195	0	0	0.185	0	0	0	0	0
<i>LOC646652</i>	0	0.125	0	0.101	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC642502</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.379	0	0

<i>SKI</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.379	0
<i>GJA9</i>	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0
<i>IGHV3-23</i>	0	0	0	0.379	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HTR2C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.378
<i>RRDX</i>	0	0	0.132	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>TBCC</i>	0	0.206	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0
<i>EMR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.377
<i>EMR3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.377
<i>CTNS</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0.119	0	0	0	0
<i>CAST</i>	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0.125	0	0	0
<i>PRSS46</i>	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0.126	0	0	0	0
<i>NOMO3</i>	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0.143
<i>CACNG1</i>	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122
<i>DVL3</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267
<i>SLC25A4</i>	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0.146	0.116	0	0
<i>NKPD1</i>	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0.173	0	0	0	0.102	0
<i>FBXO46</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.376	0
<i>TTLL6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.263	0	0	0.113	0	0	0
<i>ADHD3</i>	0	0	0.153	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0
<i>CHN1</i>	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0.224	0	0	0	0	0
<i>GJA8</i>	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0
<i>TAF11</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0.272	0	0	0	0	0	0
<i>FRA6E</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0.198
<i>LYRM4</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0.152	0.116	0	0
<i>DCTN3</i>	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0.1	0
<i>RCM2</i>	0	0	0	0.243	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>RAB24</i>	0	0	0	0.21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0
<i>TRAJ10</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223	0
<i>MYAS1</i>	0	0.205	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPH2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0.126	0	0	0	0.145
<i>TRBV5-6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.373	0
<i>WBSCR22</i>	0	0	0.131	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0
<i>CDHR4</i>	0	0	0	0	0	0.13	0	0.111	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>EWSR1</i>	0	0.203	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTMR4</i>	0	0	0	0.373	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGHV1-2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.372
<i>TBCA</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248	0
<i>PPBPL1</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.261	0
<i>TRBV15</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.372	0
<i>NTRK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0.105	0	0.123	0	0	0
<i>NDUFS7</i>	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0.109	0	0.113	0	0	0

<i>CALB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0.125	0	0	0.139	0	0
<i>MYMY2</i>	0	0.106	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0.159	0	0	0	0
<i>COTL1P1</i>	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0.225	0	0	0	0
<i>MTMR10</i>	0	0	0	0.372	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAJB6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256	0	0	0	0.115	0
<i>TMEM165</i>	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223	0
<i>TTC8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0.119	0.134	0	0	0
<i>DCDC2</i>	0	0	0.124	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0
<i>ZNF41</i>	0	0	0.109	0	0	0.159	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0
<i>CLRN1-AS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.191	0	0.179	0	0	0	0
<i>RPL9P2</i>	0	0	0	0.242	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0
<i>RIMS3</i>	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0.233
<i>C11ORF1</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0.114	0
<i>TGM7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202	0	0	0	0.167	0
<i>IDUA</i>	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0.105	0	0
<i>ACAD11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.261	0	0.108	0	0
<i>NSUN5P1</i>	0	0	0.131	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0.105	0	0
<i>HMU</i>	0	0	0	0.223	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0
<i>TATDN1</i>	0	0	0	0	0.121	0	0	0.139	0.109	0	0	0	0	0	0
<i>C2ORF67</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>C5ORF54</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>CABIN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>CALM2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>CALML4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>CCDC140</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>FLG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>FNDC4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.368
<i>TIMM9</i>	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0.121	0	0.11	0
<i>BBS12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0.172	0	0
<i>PMM2</i>	0	0	0.132	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0.104	0	0
<i>MUT</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0	0	0
<i>OMG</i>	0	0.142	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0
<i>GLC1K</i>	0	0	0	0.199	0	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0
<i>WNK1</i>	0	0	0	0.259	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>LOC728400</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.216	0
<i>GAD2</i>	0	0	0	0	0	0.129	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0.106
<i>DGCR14</i>	0	0	0.122	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0.134	0	0
<i>AVIL</i>	0	0.105	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0
<i>DFNA59</i>	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0
<i>DCTN2</i>	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0
<i>NEIL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.367	0	0	0	0	0

<i>IQCB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0.248
<i>HRNR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.366	0
<i>MT1A</i>	0	0.235	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>FKTN</i>	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0.118	0	0	0.105	0	0	0
<i>GJB3</i>	0	0	0	0.176	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0
<i>CANDN1</i>	0.129	0.123	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TIMM8B</i>	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0.125	0	0.12	0
<i>NES</i>	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0.253	0	0	0	0	0	0
<i>EFHD2</i>	0.101	0	0	0	0.149	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0
<i>NPPB</i>	0	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134
<i>HOXB9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249	0	0	0	0.115	0
<i>NMNAT3</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0.106	0	0
<i>SZT2</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0.119	0	0
<i>IKBKAP</i>	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0
<i>NTM</i>	0	0	0.118	0	0	0.144	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRICKLE1</i>	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0.1	0
<i>CNNM4</i>	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0.127	0	0	0	0
<i>SLTRK6</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0
<i>GLM1</i>	0	0.17	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C15ORF63</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0.116	0.106	0
<i>SYT10</i>	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0
<i>CP20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.362	0
<i>RNANC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0.226	0	0	0	0
<i>RELB</i>	0	0	0	0	0.216	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0
<i>HTR3E</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0.232
<i>LOC100132247</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.257	0	0	0	0.104	0
<i>SPRR4</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231	0
<i>SPRR2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.361	0
<i>CHD7</i>	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0.106	0	0	0
<i>PHOBS</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0.104	0	0
<i>MPZ</i>	0	0.106	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0
<i>YPEL1</i>	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0
<i>CCDC64B</i>	0	0.101	0	0.101	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0
<i>KLHL9</i>	0	0	0	0.361	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TGM1</i>	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0.113	0
<i>C9ORF128</i>	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0.24	0	0	0
<i>KIAA1279</i>	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0
<i>LINGO4</i>	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0	0
<i>HYALP</i>	0.221	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MACF1</i>	0.36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>INADL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.359

<i>MSTO1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.359	0
<i>GTF2IRD2</i>	0	0	0.145	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0
<i>CCA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181	0	0.178	0	0	0	0	0
<i>AGMAT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.358	0
<i>FNTAP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.358	0
<i>DFNB85</i>	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0.116	0	0	0	0
<i>FBXL20</i>	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219	0	0	0	0
<i>FOLH1</i>	0.187	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HNRNPA0</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256	0	0	0	0.101	0	0
<i>ADHD2</i>	0	0	0.152	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0
<i>NDRG3</i>	0	0.121	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0
<i>POM121L1P</i>	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0.113
<i>CAPN13</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.241	0	0	0	0	0.115	0
<i>LINC00271</i>	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219	0	0	0	0
<i>CLRN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0.188	0	0	0	0	0
<i>ESPNP</i>	0	0	0	0.198	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0
<i>RTN4RL1</i>	0	0	0	0.242	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0
<i>RAB5B</i>	0	0	0	0.356	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAM10</i>	0.153	0.203	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DPY19L2P4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.251	0	0	0	0.104	0
<i>MMRN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.355	0
<i>HSF2</i>	0	0.202	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0
<i>SNX17</i>	0.16	0	0	0	0.195	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A38</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.123	0.123	0	0	0
<i>NSUN5P2</i>	0	0	0.132	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0
<i>GLC1L</i>	0	0	0	0.25	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0
<i>APOF</i>	0.175	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD18</i>	0	0	0	0.238	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115
<i>FXC1</i>	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0.127	0	0.117	0	0
<i>AGBL4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0.221	0	0
<i>VMP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.246	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>GJC3</i>	0	0	0	0.209	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0
<i>MTRR</i>	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.209	0	0	0	0	0
<i>CEP112</i>	0	0	0	0	0	0.188	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CDRT1</i>	0	0	0	0.214	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0
<i>KLK7</i>	0	0	0	0	0.185	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYT10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.351
<i>CSN1S2BP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.351	0
<i>PPIC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.351	0
<i>ELMOD1</i>	0	0	0	0.351	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0.185

<i>COPD17</i>	0	0	0	0.223	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127
<i>NQO2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.35
<i>SLC45A1</i>	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0.102	0
<i>TBX23P</i>	0	0	0	0.243	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0
<i>COX6B1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.35	0
<i>MUC20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.35	0
<i>S100A11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.35	0
<i>RSS</i>	0	0	0	0	0	0.13	0.113	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0
<i>GJD3</i>	0	0	0	0.35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CACNB3</i>	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158
<i>SOD3</i>	0.101	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12
<i>C10ORF116</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.349	0
<i>ELOVL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.349	0
<i>MSL3P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.349	0
<i>CISD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0.126	0.102	0	0	0
<i>NDRG1</i>	0	0	0	0.231	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0
<i>MYMY3</i>	0	0.181	0	0.168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DPEP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.348
<i>JPH2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.348
<i>WDR44</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.348	0
<i>MYO1D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0.228	0	0	0	0
<i>EBF2</i>	0	0.105	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0
<i>MIR133A2</i>	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0.164	0	0	0	0	0	0	0
<i>GBD2</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRB4</i>	0	0	0	0.348	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SYT16</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0
<i>ANKRD33</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0.185	0
<i>RPTN</i>	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222	0
<i>IBD18</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.347	0
<i>CELF2</i>	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0.113	0	0
<i>SCKL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0.221	0	0	0
<i>UBC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0	0.158	0	0	0	0	0
<i>APAF1</i>	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0
<i>OPRL1</i>	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0
<i>VN1R5</i>	0.347	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAH2</i>	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0.104	0
<i>SRGAP3</i>	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202	0	0	0
<i>LMX1A</i>	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0
<i>KBTBD13</i>	0	0	0	0.221	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124
<i>KCNQ1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.345
<i>SLTRK5</i>	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206	0	0

<i>FKRP</i>	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0.103	0	0	0.105	0	0	0
<i>ANKFY1</i>	0	0	0	0.208	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0
<i>CCL3</i>	0	0	0	0	0.204	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0
<i>PLK2</i>	0	0	0	0	0.218	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0
<i>TSNAX-DISC1</i>	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0.114	0
<i>TRBC2</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.244	0
<i>MYP6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0.221	0	0	0
<i>DFNB48</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224	0	0.12	0	0	0	0
<i>LOC645355</i>	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0.209	0	0	0	0	0
<i>NFKB2</i>	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0
<i>PPIAL4B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.343	0
<i>BPNT1</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227	0	0	0	0	0
<i>EGR4</i>	0	0	0	0.343	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LIMS1</i>	0.343	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AKT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0.176
<i>NOL7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0.165	0
<i>HOXA1</i>	0	0	0	0.237	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0
<i>PDZD7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0	0.151	0	0	0	0
<i>ANOP1</i>	0	0	0	0.212	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGKV1OR2-0</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.342	0
<i>CTSB</i>	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0
<i>OR4E2</i>	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0.215	0	0	0	0
<i>ZNF827</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.341	0
<i>KLHL7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0.101	0	0.123	0	0
<i>RAB35</i>	0	0	0	0.341	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCN5A</i>	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0.188
<i>MARCKSP1</i>	0	0	0	0	0	0.212	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0
<i>HLA-A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.34
<i>ARG2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.34	0
<i>PCDHGA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.34
<i>RARRES3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.34
<i>ENDOG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0	0.137	0	0
<i>MOBP</i>	0	0.229	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CADM4</i>	0	0	0	0.34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FDF1</i>	0	0	0	0.34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C4ORF34</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0.153
<i>SAMD3</i>	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0.104	0
<i>ACTR10</i>	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0.1	0
<i>DFNA53</i>	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0
<i>GJB5</i>	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0
<i>KCNJ9</i>	0	0	0	0	0	0.214	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0

<i>HTATSF1</i>	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.21	0	0	0	0	0	0	0
<i>PAR-SN</i>	0	0	0	0	0	0.189	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNPY1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.339	0
<i>PCP4L1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.339	0
<i>TRBV4-3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.339	0
<i>TAF4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.339	0	0	0	0	0
<i>CCR10</i>	0	0	0	0.339	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTMR14</i>	0	0	0	0.339	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GJA5</i>	0	0	0	0.21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	
<i>PLCB4</i>	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0
<i>CCNT1</i>	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0.235	0	0	0	0	0	0	0
<i>STAP1</i>	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0
<i>DDX20</i>	0	0.221	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM176A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0.215	0
<i>HSPA7</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0.11	0	0	0
<i>RNF165</i>	0.106	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0
<i>SHANK1</i>	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197	0	0	0	0
<i>SLSN3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0	0.152	0	0	0	0
<i>NPHP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0.2
<i>R3HCC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0	0.117	0
<i>TLE4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.337	0
<i>TRR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.337	0
<i>MATN3</i>	0	0	0	0.337	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYT1</i>	0	0	0	0.337	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGHD@</i>	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0
<i>STK32B</i>	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0
<i>WS2B</i>	0	0	0	0.188	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0
<i>ZNF286A</i>	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0	0	0	0
<i>PRKRIP1</i>	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0
<i>SLC44A4</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0.212	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IP6K2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.336	0
<i>MYOT</i>	0	0	0	0.198	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNH3</i>	0	0	0	0	0	0.183	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPB3</i>	0	0.101	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0
<i>ERMN</i>	0	0.165	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC440683</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0.194
<i>REM1</i>	0	0	0	0	0	0.214	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121
<i>YWHAZ</i>	0	0.185	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LSL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.334	
<i>MARK2</i>	0.105	0.113	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0
<i>HTR4</i>	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0.109

<i>SH3GL1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0.168	0
<i>GTF2IRD2B</i>	0	0	0.107	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0
<i>TMEM200A</i>	0.115	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0
<i>TMEM100</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.207
<i>OTP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0.18	0
<i>NDUFS8</i>	0	0	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0
<i>KCNAB2</i>	0	0	0	0	0	0.186	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SYT3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.332	0
<i>NXNL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0.229	0	0
<i>ST8SIA2</i>	0	0	0.129	0	0	0.203	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SYNDIG1</i>	0	0	0.129	0	0	0.203	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CR1</i>	0	0	0	0	0.332	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LPIN3</i>	0	0	0	0.332	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MBNL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0.178	0
<i>DFNA27</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0.211	0	0	0	0
<i>SRSF7</i>	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBXN1</i>	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCT7P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.331	
<i>HK2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.331
<i>CTAA2</i>	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0
<i>MFSD4</i>	0	0	0	0.228	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0
<i>TJP2</i>	0	0.169	0	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPS19P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0.144
<i>GUCY1A2</i>	0.183	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148
<i>MYO15A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0.211	0	0	0	0
<i>HTR3A</i>	0	0	0	0	0	0.228	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102
<i>CNFN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.33	0
<i>FXR2</i>	0.115	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0
<i>ABC B7</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0.213	0	0	0	0
<i>NTN3</i>	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.217	0	0	0	0
<i>ABHD6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.33	0	0	0	0	0
<i>CALM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.33	0	0	0	0	0
<i>HADHAP1</i>	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP9B</i>	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>SFMBT1</i>	0	0	0	0	0.188	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD21</i>	0	0	0	0.213	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116
<i>HERC2P1</i>	0	0	0	0	0	0.189	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AAT1</i>	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184
<i>PACSIN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0.179	0
<i>WHSC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0.164	0
<i>FAM86B2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.328	0

<i>SPRR1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.328	0
<i>SLTRK2</i>	0	0	0.125	0	0	0.203	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF9</i>	0	0	0	0.328	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NAA10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.177	0
<i>SV2C</i>	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0
<i>SMPD1</i>	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0
<i>LHX3</i>	0.181	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BRSK1</i>	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164
<i>TXNL4A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.327	0
<i>DYX4</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0.116	0	0
<i>TRY6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.327	0	0	0	0
<i>KCNJ14</i>	0	0	0	0	0	0.221	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0
<i>NRG2</i>	0	0	0	0.327	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FTH1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0.185	0	0
<i>ANKAR</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222	0
<i>SDC4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.326	0
<i>SLC1A4</i>	0	0	0	0	0	0.218	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0
<i>CDH4</i>	0	0	0	0	0.326	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPB1P1</i>	0	0	0	0.326	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KWE</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0.208	0	0	0
<i>CACNB1</i>	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162
<i>CBX8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221	0	0	0	0.104	0
<i>RASGRP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0.169	0
<i>WHSC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0.156	0
<i>CNO</i>	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0
<i>IDI2</i>	0.108	0.101	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0
<i>KCNC1</i>	0	0	0	0	0	0.17	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0
<i>SRSF2</i>	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0
<i>VDAC1P3</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198
<i>GCH1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.324
<i>ARHGEF6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.212	0	0	0	0.112
<i>OATP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.324	0
<i>PAAF1</i>	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0.188	0	0	0	0	0	0
<i>BRD1</i>	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0.195	0	0	0	0	0	0
<i>PAR5</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLCL1</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>USP53</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0.18
<i>PSD2</i>	0	0	0	0	0	0.176	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRBJ2-2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0.164	0
<i>LOC493754</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.323	0
<i>OR5V1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.323	0

<i>RAB3GAP1</i>	0	0	0.108	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0
<i>ELP4</i>	0	0	0	0	0	0.189	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM174B</i>	0	0	0	0	0.323	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABTB1</i>	0	0	0	0.323	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSTM1</i>	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>MAP3K5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0.178	0
<i>VDAC2P2</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.215
<i>DFNA16</i>	0	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0
<i>KIF26A</i>	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0
<i>PCAP</i>	0	0	0	0.2	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0
<i>DYSF</i>	0	0.216	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRP2</i>	0.322	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FLVCR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.321
<i>TPR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.215	0	0	0	0.106	0
<i>ANXA5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.321	0
<i>CTSL1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.321	0
<i>SYPL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.321	0
<i>LOC100288079</i>	0	0	0	0.321	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAMTS20</i>	0	0	0	0	0	0.179	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFA6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0.211	0
<i>TRNAQ1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0.161	0
<i>CSNK1G1</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0
<i>ECE1</i>	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143
<i>TBC1D1</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>RSPH9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0.129
<i>SPRR1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.319	0
<i>MIR29A</i>	0	0	0	0	0.188	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDE8B</i>	0	0	0	0	0.208	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNPO2</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0
<i>YWHAG</i>	0	0.125	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF5B</i>	0	0	0	0.319	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ALG10</i>	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>FLCN</i>	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0
<i>NUS1</i>	0.145	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MHS4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.318
<i>CHRM5</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.199	0	0	0
<i>MEGF9</i>	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0
<i>MTX3</i>	0.318	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPRR2B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0.173	0
<i>UBXN7</i>	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0.176	0	0	0	0	0	0	0
<i>FETUB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.317	0

<i>GIN1</i>	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0
<i>SIRPB1</i>	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0
<i>GEMIN4</i>	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM88</i>	0.317	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HPCAL4</i>	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174
<i>ZNF395</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.165	0
<i>C9ORF7</i>	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0
<i>FAM158A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.316	0
<i>HIST1H2BL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.316	0
<i>TAPBPL</i>	0	0	0	0	0.189	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0
<i>PNOC</i>	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0	0
<i>LRRC37A</i>	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0
<i>TSHZ3</i>	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0
<i>NIM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.315
<i>NAA15</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0.179	0
<i>CYP27C1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.315	0
<i>MADD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.315	0
<i>RIPPLY1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.315	0
<i>NAB2</i>	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0
<i>FRG1</i>	0	0	0	0.315	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAP3K12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0.117
<i>SLC17A9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.314
<i>SLC25A21</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.314
<i>TTLL4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0	0	0.106	0	0
<i>IGLV2-23</i>	0	0	0	0.314	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGLV1-42</i>	0	0	0	0.314	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DLG1</i>	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163
<i>TUBB8</i>	0	0	0	0.207	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106
<i>ARPP19</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0.136	0
<i>CASP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0	0	0.13	0	0
<i>LPAL1</i>	0.117	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM109A</i>	0.141	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPR158</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0.101
<i>PSME3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0.18	0
<i>TUBBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0.172	0
<i>IGLV@</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.312	0
<i>PPIP5K1P1</i>	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0
<i>KIAA0889</i>	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZFP30</i>	0.312	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCA31</i>	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163
<i>LOC728405</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.16	0

<i>SH3GL1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204	0	0	0	0.107	0
<i>LRRC19</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.311	0
<i>MRPL10</i>	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0
<i>MNG2</i>	0	0	0.107	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0
<i>UQCRRFS1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0.185	0
<i>ZNF219</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.31	0
<i>RAB1A</i>	0	0	0	0.31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CALML5</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206	0
<i>VIT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.309	0
<i>AMPH</i>	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0
<i>KCNIP1</i>	0	0	0	0	0	0.144	0	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SMU1</i>	0	0	0	0	0	0.147	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HERC2P4</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPP25</i>	0	0	0	0	0	0.161	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PIKFYVE</i>	0	0	0	0.309	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGKV2OR22-3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.308	0
<i>EIF2AK3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0.185	0	0
<i>ACTG1P9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.307	0
<i>PPL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.307	0
<i>DHFRL1</i>	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0
<i>HDAC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.307	0	0	0	0	0
<i>ADORA1</i>	0	0	0	0	0	0.179	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP11C</i>	0	0	0	0	0	0.179	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ELMOD2</i>	0	0	0	0.307	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM3C</i>	0.181	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRP12</i>	0.307	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COX6B1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.306	0
<i>LRRC70</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.306	0
<i>CREB3L1</i>	0	0.176	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0
<i>OTOG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0.181	0	0	0
<i>NRXN3</i>	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0
<i>ODPF</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.306	0	0	0
<i>MIR297</i>	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0
<i>HADHB</i>	0	0	0	0	0.149	0	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TTC39B</i>	0.306	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NAA16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0	0.107	0
<i>RPH3A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0	0.107	0
<i>CELIAC5</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181	0
<i>SIAH2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.305	0
<i>STX19</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.305	0
<i>GINGF4</i>	0	0	0	0.185	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0

<i>INPP1</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0
<i>FAF1</i>	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0
<i>LARP7</i>	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANCR</i>	0	0	0	0	0	0.179	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF304</i>	0.133	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGHJ@</i>	0	0	0	0.305	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LMNB1</i>	0	0	0	0.305	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHF10P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.166	0
<i>CILD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0.153
<i>FIGN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304
<i>GNPDA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304
<i>DPY19L2P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0.114	0
<i>CPHL1P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304	0
<i>DPY19L2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304	0
<i>EIF5A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304	0
<i>OR9A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304	0
<i>PAFAH1B1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304	0
<i>PMPCB</i>	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0
<i>NLRP4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.304	0	0	0	0	0
<i>RN7SK</i>	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSMD3</i>	0	0	0	0	0	0.189	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2C19</i>	0	0	0	0	0	0.191	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCA30</i>	0	0	0	0.304	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BANF1</i>	0	0	0	0.304	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SGSM2</i>	0.304	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>USH1E</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0.14	0	0	0	0
<i>DLX1</i>	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0
<i>ATAT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.303	0
<i>HNB1</i>	0	0	0	0.2	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0
<i>HERC2P5</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IQSEC2</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF2B2</i>	0.162	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYOCD</i>	0.124	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPL18AP16</i>	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0
<i>SYT8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.302	0
<i>ULK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>VEGFA</i>	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0
<i>MMP9</i>	0	0.129	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C9ORF30</i>	0	0	0.129	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C14ORF55</i>	0	0.122	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRFN3</i>	0	0	0	0.302	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>EN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0.165	0
<i>NME7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.301
<i>UNC50</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0.16	0
<i>VEPH1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.301	0
<i>GAS7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0.148	0	0
<i>CORD4</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0
<i>PAOD1</i>	0	0	0	0.301	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYX1</i>	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0
<i>BAX</i>	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0
<i>EIF2B4</i>	0.131	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>WDYHV1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.186	0
<i>HOXB1</i>	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0
<i>TSHZ2</i>	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0
<i>HERC2P3</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HERC2P8</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RBM4</i>	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0
<i>PRKAG2</i>	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157
<i>UHRF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0.158	0
<i>LPHN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.299	0
<i>PAK3</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0
<i>MYO7A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0.154	0	0	0	0
<i>GCCD2</i>	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0
<i>IBGC1</i>	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPA1</i>	0	0.147	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLUD1</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RNY4P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0.163
<i>APPBP2</i>	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0
<i>LEFTY3</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154
<i>GUK2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.298
<i>HEG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.298
<i>LRRC63</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.298
<i>EMX2</i>	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0
<i>PAX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.298	0
<i>PDLA</i>	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0
<i>SYNM</i>	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0
<i>LGV1</i>	0	0.143	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC9A1</i>	0	0	0	0	0	0.15	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLDN11</i>	0	0.118	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C11ORF9</i>	0	0	0	0.298	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BB55</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193	0	0.104	0
<i>MED20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.297	0

<i>TRAV12-3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.297	0
<i>NAT1</i>	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0
<i>CXCR4</i>	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0
<i>MDC1B</i>	0	0	0	0.297	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TGM5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0.161	0
<i>ATP7A</i>	0	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>ABCG1</i>	0.125	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IMPA2</i>	0.157	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>F8A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0.114	0
<i>ASS1P8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.296	0
<i>C12ORF44</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0.15	0	0	0
<i>TAC1</i>	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0
<i>IPW</i>	0	0	0	0	0	0.128	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RTN3P1</i>	0	0.132	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RP34</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.295	0	0	0	0	0	0
<i>CHRNA10</i>	0	0	0.123	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HYOU1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0.138	0	0	0
<i>USH1G</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0.13	0	0	0	0
<i>MTMR8</i>	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0
<i>CHRNA9</i>	0	0	0.124	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYRK2</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>VDAC2P1</i>	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149
<i>POC1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0.179	0
<i>SYBU</i>	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>CNTNAP5</i>	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0
<i>SERINC4</i>	0	0	0	0	0	0.181	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZBED3</i>	0.294	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC7A4</i>	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159
<i>CAPN8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193	0	0	0	0.1	0
<i>PPEF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0.122	0	0	0	0	0
<i>KCNA10</i>	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113
<i>ACSL5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.293	0
<i>MPZL3</i>	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0
<i>HCL2</i>	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0
<i>FAM109B</i>	0.187	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NUDT4P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.162	0
<i>LOC728393</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0.117	0
<i>WDFY3-AS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.292	0
<i>WDR7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.292	0
<i>ZNF804B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.292	0
<i>TTC21B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0.118	0	0	0	0

<i>PNPO</i>	0	0	0	0	0	0.189	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>POU3F3</i>	0	0	0	0.292	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSORS9</i>	0	0	0	0.292	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAB22A</i>	0	0	0	0.292	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAB41</i>	0	0	0	0.292	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>REM2</i>	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162
<i>MLKL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.161	0	0
<i>ZNF209P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0.165	0	0	0
<i>TARBP2</i>	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2C9</i>	0	0	0	0	0	0.19	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXL6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.291	0	0	0
<i>GNPTAB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0.144	0	0	0
<i>SLI2</i>	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0
<i>HNRNPA1</i>	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AMFR</i>	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ACRPV</i>	0	0	0	0	0	0.18	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUSD4</i>	0	0	0	0	0	0.181	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HCRTR1</i>	0	0.115	0	0	0.176	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC6A2</i>	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15
<i>DNAH5</i>	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14
<i>RNY4P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0.168	0
<i>PPRC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0.125	0	0	0
<i>OED</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0.122	0	0	0	0
<i>ZDHHC8</i>	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0
<i>GPR156</i>	0	0	0	0	0	0.189	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCA12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.29	0
<i>KIAA1245</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.29	0
<i>MYP11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0.115	0	0	0	0	0
<i>FH</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0
<i>KCNMB1</i>	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135
<i>TUBG1P</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0
<i>ATP2B2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0.123	0	0	0	0	0
<i>GLC1H</i>	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0
<i>EEA1</i>	0.122	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNE1L</i>	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147
<i>MLL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0.176	0
<i>CEP290</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0.183	0	0	0	0	0
<i>ZNRF1</i>	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0
<i>FGF1</i>	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0.14	0
<i>ADORA2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0.139

<i>C6ORF125</i>	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0
<i>SLC30A7</i>	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0
<i>ABCB1</i>	0	0	0	0	0	0.158	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CACNA1D</i>	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142
<i>PIGU</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.288
<i>SPACA4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.288
<i>ANXA2P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.288	0	0
<i>NBPF13P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.288	0
<i>SPRR3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.288	0
<i>TRIM40</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.288	0
<i>RAB3A</i>	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0
<i>LGMD1F</i>	0	0	0	0.288	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYOF</i>	0	0	0	0.288	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM217</i>	0.288	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NKX1-1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0.159	0
<i>GINGF3</i>	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0
<i>APCS</i>	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0
<i>PREPL</i>	0	0	0	0	0	0.169	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM147</i>	0.13	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CRIP1</i>	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11
<i>FUT11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.287
<i>ALRH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.287	0
<i>CAMKV</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.287
<i>LOC652102</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.287	0
<i>SPRR2F</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.287
<i>TARBP1</i>	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0
<i>LEMD2</i>	0	0	0	0.287	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPX4</i>	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118
<i>SLC25A36</i>	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0
<i>SDHA</i>	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0
<i>PCDHA12</i>	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>GNB3</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>HTR2B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.286
<i>EXOC3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.286	0
<i>IP6K1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.286	0
<i>HEXA</i>	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>NBPF3</i>	0.286	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ISCU</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169
<i>VDAC1P4</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163
<i>DMWD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0.101	0
<i>KIAA0226</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0.168	0	0

<i>CTSE</i>	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0
<i>GAA</i>	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0
<i>KIF4CP</i>	0	0.123	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RGS9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0.182
<i>DPM1</i>	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>PRKAB2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.285
<i>ISOC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.285	0	0
<i>CASP8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.285	0	0	0	0	0	0
<i>IGF1R</i>	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136
<i>GDI1</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0
<i>CNR2</i>	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0
<i>THBS1</i>	0.152	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MKS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0.137	0	0	0	0
<i>CREBBP</i>	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0
<i>TBC1D25</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0.175	0	0
<i>ASS1P14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.283	0	0
<i>ERN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0.111	0	0	0
<i>UMODL1</i>	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0
<i>CYP39A1</i>	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0
<i>VMO1</i>	0.283	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ICMT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181	0	0	0	0.101	0	0
<i>ATG4D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181	0	0	0.101	0	0	0
<i>STRC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0.181	0	0	0	0
<i>ESPN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0.12	0	0	0	0	0
<i>NEUROD2</i>	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0
<i>AVP</i>	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSMC3</i>	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0
<i>OR1F1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.282
<i>DNAH3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0.104	0	0
<i>LOC728931</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.282	0	0
<i>ODC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.282	0
<i>PAOX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.282	0
<i>LIAS</i>	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0
<i>YWHAZ</i>	0	0.174	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0
<i>BCLAF1</i>	0	0	0	0.282	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR2113</i>	0.282	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNAB3</i>	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147
<i>PTS-P1</i>	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124
<i>EOMES</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0.114	0	0
<i>NPIPL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0.158	0	0
<i>C1ORF68</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0

<i>C20ORF4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.281	0
<i>FAM101A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.281	0
<i>LOC642355</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.281	0
<i>PLSCR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.281	0
<i>PTPMT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.281	0
<i>VTNR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.281	0
<i>MSSD</i>	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0
<i>KLK10</i>	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0	0
<i>NNMT</i>	0	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSGALNACT1</i>	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EXOC4</i>	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLP1</i>	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SARS2</i>	0	0	0	0.281	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPIAP18</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0.179
<i>SLC5A4</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152
<i>RBM17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0.162	0
<i>GGTLC4P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.28	0
<i>IGKV10R-3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.28	0
<i>EPG5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0.153	0	0	0	0
<i>NEFL1</i>	0	0.117	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNKS1BP1</i>	0.28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IDI1</i>	0.175	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PIGC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279
<i>SLC2A12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279
<i>WDR5B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0.117
<i>CSMD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279	0
<i>FAM200A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279
<i>LEPROTL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279
<i>SPRR2C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279
<i>TRBV10-3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.279
<i>LIPA</i>	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0
<i>DCTN4</i>	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0
<i>NEDD9</i>	0	0	0	0	0.279	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SSNA1</i>	0	0.111	0	0.168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LAMA2</i>	0	0	0	0.279	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MPDZ</i>	0	0	0	0.279	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>METTL9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278
<i>NUBPL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278
<i>BCR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278	0
<i>CCDC142</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278	0
<i>HLA-T</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278	0

<i>TRBV17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278	0
<i>GJB1</i>	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0
<i>NDOR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.278	0	0	0	0	0
<i>LRP1B</i>	0.108	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NAPSA</i>	0	0	0	0	0.278	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF536</i>	0	0.109	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTMR11</i>	0	0	0	0.278	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SH3GL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0.174	0
<i>RER1</i>	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCND3</i>	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>BTBD9</i>	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137
<i>PPP1R3C</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154
<i>VDAC1P2</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151
<i>C1QTNF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.277
<i>DYNC1LI1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0.112	0
<i>LOC100128651</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0.115	0
<i>SETD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.169	0
<i>FAM190A</i>	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0
<i>MTG1</i>	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0
<i>HERC2P2</i>	0	0	0	0	0	0.128	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLO1</i>	0.121	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A5P8</i>	0.277	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC5A11</i>	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103
<i>FICD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0.115	0
<i>SCML2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.168	0
<i>CCDC60</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0
<i>ATP5L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.276	0
<i>NDUFS4</i>	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0
<i>MMACHC</i>	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0
<i>PRCD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0.138	0	0	0	0
<i>SLC27A2</i>	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCC2</i>	0	0	0	0	0	0.132	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SEN6A</i>	0.276	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNG2</i>	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143
<i>RANGRF</i>	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117
<i>LRRC8D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0.161
<i>SPRR2E</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.167	0
<i>MEF2D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.275	0
<i>ACCN2</i>	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>HEXIM2</i>	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0
<i>MS</i>	0	0.113	0	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>NKX2-2</i>	0.12	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC400680</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.274
<i>LRRK8B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.16	0
<i>NFE2L2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0.119	0	0	0
<i>CNR1</i>	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0
<i>KRT71</i>	0	0	0	0	0	0.128	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KLHL21</i>	0.274	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNB1</i>	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>HSPA1L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.273
<i>MBNL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0.166	0
<i>NAA20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.165	0
<i>RAB11B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0.17	0
<i>RCOR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0.111	0
<i>TGM4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0.106	0
<i>SNORD36A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.273	0
<i>PRDX6</i>	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0
<i>DFNM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0.169	0	0	0	0	0
<i>LOXHD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0.153	0	0	0	0	0
<i>PEX7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0.106	0	0	0	0
<i>SLC1</i>	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0
<i>LOC392787</i>	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0
<i>NAV1</i>	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0
<i>PURA</i>	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>KDELR3</i>	0	0	0	0.273	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP1A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.272
<i>AMDP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.272	0
<i>EMX2OS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.272	0
<i>IGKV2OR22-4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.272	0
<i>SUCLG2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.272	0
<i>MACOM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0.126	0	0	0	0
<i>ALKBH5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.272	0	0	0	0	0
<i>ABCG4</i>	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0
<i>GAB2</i>	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0
<i>LMNB2</i>	0	0	0	0.272	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CACNA2D3</i>	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118
<i>KCNJ2</i>	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117
<i>RPS6KA5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.163	0
<i>CTSL1P8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0
<i>OAZ1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0
<i>OR51</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0
<i>SPARCL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0

ZSCAN21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.271	0
DHDDS	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0.114	0	0
OA3	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0
ACSBG1	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0
MDFIC	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0
KIF20A	0	0	0	0.271	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
RAB3C	0	0	0	0.271	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
LATD	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12
TSSK1A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.27
RNY4P1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0.169	0
SLC2A4RG	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0.161	0
PARP12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.27	0
SIX3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.27	0
MCOLN2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0.12	0
CCDC66	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0.165	0	0
USH1C	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0.12	0	0	0	0
PSHK2	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0.133	0	0	0
SEMA6C	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0
MDGA1	0	0	0.125	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0
KLHL24	0	0.121	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0
EPM2AIP1	0.142	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0
BHLHA15	0	0	0	0.27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
IGHV10R15-1	0	0	0	0.27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
TPCN1	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119
BULN	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112
RAB11A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0.106
CER1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0
RRM2P3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0
ZFYVE21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0
ANP32A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0.105	0
PLEKHB1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0.142	0	0	0
ADD1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0
FOXB1	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0
KCNG3	0	0	0	0	0	0.115	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0
GJB7	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
RAB15	0	0	0	0.269	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
DRD2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0.143
LOC401959	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148
BDNF-AS1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0.105	0
HPYR1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0.101	0
MAPK8IPP	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.117	0

<i>PAH</i>	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0
<i>CREB3L2</i>	0	0.168	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FXYD6</i>	0	0	0	0	0	0.159	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CACNG6</i>	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109
<i>LOC317727</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138
<i>AK7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267
<i>FAS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267
<i>MPP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267
<i>PIGF</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267
<i>ITPR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0.115
<i>C6ORF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.267
<i>C20ORF103</i>	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0
<i>ALMS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0.133	0	0	0
<i>EYA4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0.111	0	0	0
<i>ALG6</i>	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0
<i>TRMU</i>	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0
<i>C3</i>	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121
<i>GIPC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.266
<i>SPAG16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.266
<i>MAP3K6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0.117
<i>CELIAC2</i>	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117
<i>NPM3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.266
<i>RFPL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.266
<i>SPARC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.266
<i>TRBV4-2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.266
<i>RRNAD1</i>	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLCL2</i>	0	0	0	0	0	0.128	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RDX</i>	0	0.14	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RCN2</i>	0.138	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FGD2</i>	0	0	0	0.266	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF13B</i>	0	0	0	0.266	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTMR12</i>	0	0	0	0.266	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SOD2</i>	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155
<i>KCNA7</i>	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102
<i>SLC6A17</i>	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117
<i>PACSIN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.265
<i>RPH3AL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.265
<i>SRRD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.265
<i>MRPL20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0.105	0	0
<i>MYP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0.128	0	0	0
<i>ST8SIA4</i>	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0

<i>DFNB31</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0.12	0	0	0	0
<i>USH2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143	0	0.122	0	0	0	0
<i>TRNT</i>	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0.131	0	0	0	0
<i>LPPR3</i>	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0
<i>PRPS1L1</i>	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0.102	0	0	0	0
<i>PSRC1</i>	0.165	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0
<i>DOC2A</i>	0	0	0.129	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARHGEF10</i>	0	0	0	0.265	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GJA10</i>	0	0	0	0.265	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LMNA</i>	0	0	0	0.265	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.264
<i>PIGH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.264
<i>ACYP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.264
<i>POTEJ</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.264
<i>POTEKP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.264
<i>GABARAPL3</i>	0	0	0	0	0	0.149	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNM2</i>	0	0	0	0.264	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DOCK5</i>	0	0	0	0.264	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SERINC5</i>	0	0	0	0.264	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NKX2-4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0.159
<i>BMP6P1</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158
<i>THAP7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.263
<i>COX15</i>	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0.152	0
<i>MTERFD1</i>	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0.152	0
<i>RP32</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0.102	0	0	0
<i>NPY</i>	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0
<i>MIR1469</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.263	0	0	0	0
<i>EPHA4</i>	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0
<i>NIF3L1</i>	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0
<i>MAMLD1</i>	0	0	0	0.263	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NIPSNAP3B</i>	0.263	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C9ORF16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0.1
<i>ARGFX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.262
<i>F8A3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.262
<i>FKBP14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.262
<i>OTC</i>	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0.115	0	0
<i>TRNE</i>	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0.111	0	0	0
<i>SETDB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.262	0	0	0	0
<i>SNX6</i>	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0
<i>C11ORF10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.261
<i>IGHV1-3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.261

<i>PROA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.261	0
<i>FAM126A</i>	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0
<i>MICU1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.261	0	0	0	0	0	0
<i>CHCHD2P10</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0
<i>EMD</i>	0	0	0	0.261	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK2</i>	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117
<i>KCNMA1</i>	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117
<i>ASS1P4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.26	0
<i>HLA-DRB8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.26	0
<i>LOC2748</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.26	0
<i>NSD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.26	0	0	0	0	0
<i>TMEM87A</i>	0	0	0	0	0	0.158	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CETP</i>	0.102	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZCWPW1</i>	0.154	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TSPAN4</i>	0.26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RIMS4</i>	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153
<i>LRRTM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.259	0
<i>RFPL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.259	0
<i>TECTA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0.157	0	0	0	0
<i>C2ORF71</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0.122	0	0	0	0
<i>GRK5</i>	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBE3AP2</i>	0	0	0	0	0	0.145	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FHL1</i>	0	0	0	0.259	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSPG4</i>	0.137	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPC1L1</i>	0.259	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HTR1D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.258
<i>DUX4L15</i>	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111
<i>ARL17B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.258	0
<i>EDDM3CP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.258	0
<i>RCVRN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.258	0	0	0	0	0	0
<i>SYNCRIP</i>	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNT1</i>	0	0	0	0	0	0.147	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNT2</i>	0	0	0	0	0	0.155	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNH7</i>	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146
<i>EXTL2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.257
<i>TNNC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.257
<i>HMGXB3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0.101	0	0
<i>OAZ3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.257	0	0
<i>NAAA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0.103	0	0	0
<i>NDUFA12</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0
<i>TIMM23B</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0

<i>CHDS2</i>	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0
<i>MYO3A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0.135	0	0	0	0	0
<i>HHC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0.107	0	0	0	0	0
<i>MPP6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.257	0	0	0	0	0
<i>KCTD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0.155	0	0	0	0	0	0
<i>PRSS57</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0
<i>FAF2</i>	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZMYM6</i>	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPTN</i>	0	0	0.129	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARVCF</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137
<i>CKBE</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156
<i>GYS1</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118
<i>DNAH7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256
<i>DNAI2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256
<i>DOLK</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256
<i>DPCD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256
<i>KCNE2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256
<i>XPNPEP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.256
<i>NTAN1</i>	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0
<i>WHAMMP2</i>	0	0	0	0	0	0.139	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAMSTR</i>	0.256	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAH11</i>	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108
<i>RCOR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0.118	0
<i>PLCD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.255	0
<i>ATG4C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0.108	0	0	0
<i>GABARAP</i>	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>SMPD4</i>	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0
<i>SHFM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.255	0	0	0
<i>CLRN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0.144	0	0	0	0
<i>NLRC4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.255	0	0	0	0	0	0
<i>NMTC1</i>	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0
<i>NCDN</i>	0	0	0	0	0	0.255	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD2</i>	0	0	0	0.255	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TYRO3P</i>	0.255	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>B9D1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0.12
<i>ATPB8B3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254
<i>C11ORF65</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254
<i>NPR3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254
<i>SH3GL1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0.107
<i>SLC25A18</i>	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0
<i>HOTAIRM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0

<i>TRAPPC9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.254	0	0	0
<i>THBS2</i>	0.254	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>VDAC2</i>	0.254	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLAU</i>	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119
<i>ATOD6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.253	0
<i>CLC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.253	0
<i>SDCCAG3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.253	0
<i>NTRK2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0.108	0	0	0	0	0
<i>KCNK15</i>	0	0	0	0	0	0.144	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC6A7</i>	0	0	0	0	0	0.147	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPB1P2</i>	0	0	0	0.253	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC2A3</i>	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139
<i>GDF1</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108
<i>GUCY1B2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.252
<i>RAB8A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0.107	0
<i>RAX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0.118	0
<i>SPTLC2</i>	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>DFNA54</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0.148	0	0	0
<i>PCDH11Y</i>	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0
<i>BICD1</i>	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0
<i>NDEL1</i>	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0
<i>APOA1</i>	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>DHX30</i>	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>RALGAPA1</i>	0	0	0	0	0	0.147	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNE3</i>	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118
<i>PITX2</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143
<i>ATP2A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.251
<i>PI3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.251	0
<i>HSPA8</i>	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>TKCR</i>	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0
<i>GALT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.251	0	0	0
<i>CLRN3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0.12	0	0	0	0
<i>DFNB20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0.12	0	0	0	0
<i>CLK4</i>	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0
<i>KLK3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.251	0	0	0	0	0	0	0
<i>USP46</i>	0	0	0.129	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNST</i>	0	0	0	0.251	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ILKAP</i>	0.251	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TREML4</i>	0.251	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HK2</i>	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119
<i>VDAC1P5</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143

<i>DTNA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.25
<i>RSPH4A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.25
<i>DNAJCSB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.25	0
<i>HIST1H2AJ</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.25	0
<i>OTX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.25	0
<i>SPRED1</i>	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0
<i>CCV</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0.103	0	0	0	0
<i>HIC2</i>	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF259</i>	0	0.115	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNF8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.25	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK10</i>	0	0	0	0	0	0.144	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SV2B</i>	0	0	0	0	0	0.137	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARHGAP33</i>	0	0	0	0.25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRI1</i>	0.25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NIPAL3</i>	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>DMD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249
<i>DNAAF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249
<i>DNAH9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249
<i>DNALI1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249
<i>ANXA4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249
<i>CDAGS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0.102	0	0	0	0
<i>EYS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0.136	0	0	0	0	0
<i>IFT140</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0.11	0	0	0	0	0
<i>TUFM</i>	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
<i>SIX5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249	0	0	0	0	0	0
<i>LINC00470</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.249	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPX5</i>	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSD</i>	0	0	0	0	0	0.119	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SIK1</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13
<i>CKM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>OR1F2P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>PAICSP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>PCDP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>PDLIM5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>SLC2A11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>SLC2A6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248
<i>COX6A1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248	0
<i>PLA2G2F</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248	0
<i>XBP1</i>	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0
<i>GPR55</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.248	0	0	0	0	0	0
<i>CCR5</i>	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0

<i>CDK9</i>	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBXN6</i>	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD1</i>	0	0	0	0.248	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LCAT</i>	0.248	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF32</i>	0.248	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>STRADA</i>	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108
<i>VDAC1P1</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14
<i>C22ORF23</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.247	0	0
<i>IVL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.247	0	0
<i>LOC100130015</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.247	0	0
<i>MN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.247	0	0
<i>SLC38A7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.247	0	0
<i>PSMD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0.105	0	0	0
<i>IREB2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0.123	0	0	0
<i>LOC728637</i>	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0
<i>TEC</i>	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0
<i>FABP7</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0
<i>IPCEF1</i>	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC35E1</i>	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SONP1</i>	0	0	0	0.247	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIRLET7B</i>	0.247	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCDC39</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.246
<i>MIRLET7BHG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0.116	0	0
<i>CRCS9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.246	0	0
<i>FAM101B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.246	0	0
<i>PSORS1C2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.246	0	0
<i>RNASEH1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.246	0	0
<i>C7ORF10</i>	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0
<i>RP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0.113	0	0	0	0	0
<i>SUPT5H</i>	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EPB41L3</i>	0	0	0	0.246	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRMPD2</i>	0	0	0	0.246	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HMGXB4</i>	0.246	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRRK26</i>	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101
<i>CALM1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0.115
<i>LINC00302</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0
<i>OR10C1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.245	0	0
<i>POC1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.245	0	0
<i>POMZP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.245	0	0
<i>CTSS</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0
<i>GATM</i>	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0

<i>DGCR8</i>	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0
<i>TSNAX</i>	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0
<i>NDUFS2</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0
<i>NOP56</i>	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0
<i>PEBP1</i>	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0
<i>KDSR</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRAPPC10</i>	0	0	0	0	0	0.143	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CXCL14</i>	0	0	0	0.245	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DAG1</i>	0	0	0	0.245	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LIMS2</i>	0.245	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.244
<i>TUBB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0.106	0
<i>ERI2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.244	0
<i>LRS1</i>	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0
<i>ALDH7A1P4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.244	0	0	0	0
<i>PDE6B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0.138	0	0	0	0	0
<i>HNRNPR</i>	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0
<i>GBD3</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNH4</i>	0	0	0	0	0	0.133	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ASPG2</i>	0	0	0	0	0	0.132	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLD1</i>	0	0	0	0	0	0.244	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HCRT2</i>	0	0.112	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GHSR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.243
<i>LGALS3BP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.243	0
<i>NECAB2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.243
<i>OR12D2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.243	0
<i>ZNF248</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.243
<i>ACTR1A</i>	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0
<i>MAPK8IP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.243	0	0	0	0	0
<i>TIAL1</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAB20</i>	0	0	0	0.243	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R3A</i>	0.243	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GUCY1A3</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>LGALS4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.242	0
<i>LHX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.242	0
<i>MIR522</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.242	0
<i>KLHL17</i>	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>TCTN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0.12	0	0	0
<i>KIAA0355</i>	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0
<i>CRELD1</i>	0	0	0	0	0	0.13	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PTGDS</i>	0	0	0	0	0.242	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>SERHL2</i>	0	0	0	0.242	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF709</i>	0	0	0	0.242	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>B3GNT4</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137
<i>ZNF429</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.241
<i>KIAA1430</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.241	0
<i>BAG1</i>	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>HMGBl</i>	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0
<i>CHDS3</i>	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0
<i>ACAN</i>	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSMC1P9</i>	0.241	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FNIP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24
<i>SLC16A8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24
<i>CBX4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0.112	0
<i>CELF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0.104	0
<i>ASS1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0
<i>ASS1P10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0
<i>FADS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0
<i>HIST2H3B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0
<i>SPRR2G</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0
<i>TUFMP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0
<i>RBBP4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0
<i>MCCC2</i>	0	0.107	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LEMD3</i>	0	0	0	0.24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GNMT</i>	0.24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMED7-TICAM2</i>	0.24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA7G</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239
<i>NUAK2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239
<i>SGSM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0.116	0	0
<i>DDX49</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0.104	0
<i>ARID1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239	0
<i>ATP5S</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239	0
<i>C17orf76-AS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239	0
<i>IGKV10R2-118</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.239	0
<i>NDUFV3</i>	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0
<i>BCL2L1</i>	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COQ7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0.129	0
<i>TRIM7</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125
<i>AGAP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0.105	0	0
<i>NRBP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.238	0	0
<i>SAT2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.238	0

<i>TIGD7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.238	0
<i>PPID</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>CORD8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0.122	0	0	0	0
<i>GRXCR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0.12	0	0	0	0
<i>CNTN3</i>	0	0	0	0	0.134	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLC1M</i>	0	0	0	0.238	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MARCKSL1</i>	0	0	0	0.238	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FSCN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0.136	0	0	0	0
<i>PIGQ</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237	
<i>RIMBP3C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237
<i>RSG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237
<i>SAMD8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237
<i>SLC2A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237
<i>STRM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237
<i>ATOD5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237	0
<i>MTDH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237	0
<i>NBPF14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237	0
<i>WDR92</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.237	0
<i>CMC1</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0
<i>MT2A</i>	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>NPS</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0
<i>PROP1</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0
<i>TLX3</i>	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0
<i>NXNL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0.104	0	0	0	0	0
<i>PTRF</i>	0	0	0	0.237	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>USH1H</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0.135	0	0	0	0
<i>ANXA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0
<i>C12ORF51</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0
<i>CADPS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0
<i>COX6B1P4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0
<i>GGTLC3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0
<i>RNU1-11P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0
<i>BLOC1S3</i>	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0
<i>PAND3</i>	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0
<i>SHOX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.236	0	0	0
<i>GDPDS</i>	0	0	0	0.236	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UGP1</i>	0.236	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HTR7</i>	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127
<i>MFSD10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0.117	0
<i>COX6B1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.235	0
<i>CRCS11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.235	0

<i>MBOAT7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.235	0
<i>SNORD36C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.235	0
<i>KIAA1432</i>	0	0	0	0.235	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF28</i>	0.235	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GML</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.234	
<i>MYOZ3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.234	
<i>SNTB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.234	
<i>LOXL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.234	0
<i>SLAIN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.234	0
<i>PRDM10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.234	0	0	0	0	0	0	0
<i>NETO2</i>	0	0	0	0	0	0.234	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGLC@</i>	0	0	0	0.234	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBBP1</i>	0	0	0	0.234	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MOK</i>	0.234	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HK3</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115
<i>PLEKHF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0.111	0
<i>PRD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0.125	0	0	0
<i>NAALADL2</i>	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0
<i>HERC2P9</i>	0	0	0	0	0	0.128	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAAF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.233
<i>SCEL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.233	0
<i>SYT2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.233	0
<i>TRBV14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.233	0
<i>NCAN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.233	0	0	0	0	0	0
<i>HSBP1</i>	0	0	0	0.233	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LPIN1</i>	0	0	0	0.233	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPS26</i>	0	0	0	0.233	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SOBP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0.127	0	0	0	0
<i>TARM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0.103	0	0	0	0
<i>CDH8</i>	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0
<i>ZNF214</i>	0.105	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MOG</i>	0	0.115	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AKT1S1</i>	0.126	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DPEP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232
<i>LOC339535</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0
<i>PAX6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0
<i>SCAMP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0
<i>TAS2R7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0
<i>TRGJ1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0
<i>WNT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0
<i>OR10A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0	0	0	0

<i>NTHL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0
<i>RPGRIP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLEH1</i>	0	0	0	0	0	0.115	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HP</i>	0	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CADM2</i>	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HOXB3</i>	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAFB</i>	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTMR7</i>	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PXMP2</i>	0	0	0	0.232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA0319</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0
<i>GSTT1</i>	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13
<i>ATFB3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231
<i>DPM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231
<i>EDN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231
<i>GPAA1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231
<i>GPC6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231
<i>ISM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231	0
<i>ABT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.231	0	0	0	0	0
<i>AGT</i>	0	0	0	0	0.231	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HPX</i>	0.231	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OAF</i>	0.231	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PEX1</i>	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0
<i>DDX6</i>	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0
<i>GOLM1</i>	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC16A6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.23
<i>FAM65C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.23	0
<i>FGF8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.23	0
<i>HMCN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.23	0
<i>LTBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.23	0
<i>PLD4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.23	0
<i>MCOLN3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0.114	0	0	0	0
<i>DAB1</i>	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0
<i>TAGAP</i>	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0
<i>PGPEP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD4</i>	0	0	0	0.23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFS3</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0
<i>HSPA12B</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>FSTL4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0.109	0	0	0	0
<i>AFF4</i>	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAPK12</i>	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPL3L</i>	0	0.104	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>NUFIP2</i>	0.118	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HVCN1</i>	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113
<i>FCHSD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229
<i>PIGX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229
<i>ARG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0
<i>ATP5C1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0
<i>HIST1H2BG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0
<i>SAT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0
<i>FAM161A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0.114	0	0	0	0	0
<i>ADAT3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0	0
<i>SP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0	0
<i>FGFR1</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0
<i>GJD4</i>	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HEBP1</i>	0.229	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF2B</i>	0.229	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AGBL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0.118	0	0	0
<i>COX5A</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0
<i>GLRX2</i>	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0
<i>DFNB14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0.125	0	0	0	0
<i>ITPR2</i>	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0
<i>UBE3AP1</i>	0	0	0	0	0	0.122	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPEG</i>	0.124	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSTP1</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112
<i>ADC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.228	0	0
<i>IGKV1OR-2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.228
<i>ALDOAP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.228	0	0	0	0	0	0
<i>BRF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.228	0	0	0	0	0	0
<i>KCNIP4</i>	0	0	0	0	0	0.117	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF398</i>	0.228	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>STRADB</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121
<i>ACRV1</i>	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CASK</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227
<i>CASQ1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227
<i>RBP4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227
<i>RYR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227
<i>TMED8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227
<i>TDGF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227	0
<i>CCDC50</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227	0	0	0	0	0
<i>KHDRBS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.227	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAGI2</i>	0	0	0	0.227	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NOS1AP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.226

<i>ATP5A1P5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.226	0
<i>DUX4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.226	0
<i>H2AFV</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.226	0
<i>MYCBP2</i>	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0
<i>GPX1P2</i>	0.226	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A2</i>	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0.106	0
<i>DGCR2</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0
<i>CYP4V2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0.121	0	0	0	0
<i>SPATA7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0.103	0	0	0	0
<i>TRA2B</i>	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0
<i>KCNB2</i>	0	0	0	0	0	0.121	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRRK2O</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.225	0
<i>RP22</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0.11	0	0	0	0
<i>PKM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.225	0	0	0	0	0
<i>SMG8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.225	0	0	0	0	0
<i>SNAPC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.225	0	0	0	0	0
<i>CDC37</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.225	0	0	0	0	0	0	0
<i>MSBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0.106	0
<i>ATP1B4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224
<i>KCNE1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224
<i>SEN6B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224
<i>POU4F1</i>	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0
<i>ARTN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224	0	0	0	0
<i>GSX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224	0	0	0	0	0
<i>LIN7B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.224	0	0	0	0	0
<i>IFNA16</i>	0	0	0	0	0.224	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TSPAN2</i>	0	0	0	0.224	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PARP15</i>	0.224	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>POU4F3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0.104	0	0	0
<i>CATSPER1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223
<i>CATSPER2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223
<i>JSRP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223
<i>RYR3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223
<i>HIST1H2BM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223	0
<i>NR2C2AP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223	0
<i>VAMP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223	0
<i>GLRX</i>	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>NBEAL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.223	0	0	0
<i>OTOS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0.115	0	0	0	0
<i>CHMP3</i>	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0
<i>GBA3</i>	0	0	0	0	0.223	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

PANX3	0	0	0	0.223	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
LRRCC1	0.223	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
TSPAN11	0.223	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
FABP3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222
PIGO	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222
SKOR1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222
TNNI1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222
CAPNS2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0.111	0
SNAP47	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222	0
TTC7A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.222
KAZA	0	0	0	0.222	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
NRCAM	0	0	0	0.222	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
GNB1L	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0
ARVD3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221
GCHFR	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221
NOS2P2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221
PPARG	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221
OR2F1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221
TAF10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221	0	0	0	0	0
OLIG2	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0
GUCY2D	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.221	0	0	0	0	0	0
GPR15	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0
KIF20B	0	0.114	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
DSCR3	0.221	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
XKR4	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0
DFNB40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0.103	0	0	0	0
PIGN	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.22
PRKAB1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.22
CDK5RAP3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0	0	0
DR1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.22	0	0	0	0	0	0
FAM13A	0	0	0	0	0	0.115	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0
URB2	0	0	0	0.22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ITGB1BP2	0.22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
PLAUR	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219
ACTB	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219
AKAP16BP	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219
API5P1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219
FKBP1A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219
HIST1H4B	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.219
PHYH	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0
SRSF10	0	0	0	0	0	0	0	0.219	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>SIRPA</i>	0.219	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNAI1</i>	0.219	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RNF32</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218
<i>SLC5A9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218
<i>SNTA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218
<i>TNNT2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218
<i>A2LD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218	0
<i>C11ORF75</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.218	0
<i>ECB2</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0
<i>ALS2CR12</i>	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A43</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0
<i>SHISA4</i>	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC36A2</i>	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TOR1AIP1</i>	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRIM32</i>	0	0	0	0.218	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP4F22</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0.101	0	0
<i>LOC100132626</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0.101	0
<i>LOC728369</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0.101	0
<i>LOC729317</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112
<i>HTR5BP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.217
<i>OC90</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0.114	0
<i>FAN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.217	0
<i>CDK5RAP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0.104	0	0
<i>UCHL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0.115	0	0
<i>DNAJC19</i>	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0
<i>NT5C3P1</i>	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0
<i>ITSN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.217	0	0	0	0	0
<i>CAMK2A</i>	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0
<i>PAPA3</i>	0.111	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CELF5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216
<i>IFT46</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216
<i>LOC285232</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216
<i>RPS19BP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216
<i>RSPH6A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216
<i>SYT12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.216	0
<i>LCA5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0.108	0	0	0	0
<i>SLC1A7</i>	0	0	0	0	0	0.216	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NOTCH2</i>	0	0	0	0	0.216	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC441666</i>	0	0	0	0.216	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>JUB</i>	0.216	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC728379</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0.101	0

<i>HCN4</i>	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103
<i>CYP3A4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.215
<i>CYYR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0.104	0
<i>LALBA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.215	0
<i>VSIG2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.215	0
<i>NRADDP</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0
<i>TSEN54</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>DHX9P1</i>	0	0	0	0	0.105	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PCNX</i>	0	0	0	0	0.215	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRSS22</i>	0	0	0	0	0.215	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLEKHM2</i>	0	0	0	0.215	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CA5B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.214
<i>PIGW</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.214
<i>ERVV-2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.214	0
<i>SGTB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.214	0
<i>SYT6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.214	0
<i>TCHH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.214	0
<i>SRD5A3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.214	0	0	0	0
<i>KCND2</i>	0	0	0	0	0	0.109	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGHD3-3</i>	0	0	0	0.214	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRFN2</i>	0	0	0	0.214	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAGI1</i>	0	0	0	0.214	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRDM15</i>	0.214	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ULK3</i>	0.214	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNH2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.213
<i>INLNE</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0.104	0
<i>ACTBP9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.213	0
<i>OAZ2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.213	0
<i>MIR1471</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.213	0	0	0	0	0	0
<i>MOGS</i>	0	0	0	0	0.213	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NAT2</i>	0	0	0	0	0.213	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAP4</i>	0.213	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CARD16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0.101	0
<i>GPR179</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0.101	0
<i>LFS3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.212
<i>CTSL1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.212	0
<i>EVPL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.212	0
<i>HDL2</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC5A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.211
<i>TRIP10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0.106	0
<i>EVX1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.211	0

<i>F13A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.211	0
<i>IGKC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.211	0
<i>IQSEC1</i>	0	0	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNH1</i>	0	0	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRIMA1</i>	0	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNTG2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.21
<i>NOP14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0.106	0
<i>NAT9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.21	0
<i>OR1J1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.21	0
<i>MAN2B1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0.106	0	0
<i>LRP2BP</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0
<i>DICER1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.21	0	0	0	0	0
<i>TMEM237</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0
<i>ATP5BP1</i>	0.21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD320</i>	0.21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IBA57</i>	0.21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.209	0
<i>MYCN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.209	0
<i>GTF2A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.209	0	0	0	0	0
<i>RAPSN</i>	0	0	0	0.209	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC100287366</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0.101	0
<i>C17ORF85</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0
<i>DMXL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0
<i>POTEI</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0
<i>TRAV8-6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0
<i>IKBKG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.208	0	0	0	0	0
<i>DHH</i>	0	0	0	0.208	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MNG1</i>	0	0	0	0.208	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NME4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.207	0
<i>MYP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0.102	0	0	0
<i>TUBA4A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.207	0	0	0	0	0
<i>ACAT1</i>	0	0	0	0	0.207	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPTLC3</i>	0	0	0	0.207	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR26A1</i>	0.207	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AGA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0.105	0	0
<i>ALG11</i>	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0.101	0	0	0
<i>C19ORF59</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206
<i>CILD5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206
<i>CR1L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206
<i>AMD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206	0
<i>ACTBP8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206	0	0	0	0	0

ZNF76	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.206	0	0	0	0	0
ABCC9	0	0	0	0	0	0.206	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CAB39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.205
SLC16A4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.205
CHRD	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.205	0
MEGF11	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
BSND	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.205	0	0	0	0	0
GANC	0	0	0	0	0.205	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
MIR5096	0.205	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
HMOX2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204
PRKAA1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204
LOR	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204	0
SEL1L3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204	0
BCL11B	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204	0	0	0	0	0
PGM2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204	0	0	0	0	0
DGKQ	0	0	0	0	0	0	0	0	0.204	0	0	0	0	0	0
HSPB7	0	0	0	0.204	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
FYCO1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0.1
CIRH1A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0	0	0	0
UNGIP2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0	0	0	0
NPIP	0	0	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0	0	0	0	0
NRG3	0	0	0	0	0	0	0	0	0.203	0	0	0	0	0	0
MCAT	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202
MPP3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202
ADRA1B	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202
BTD	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0.101	0	0	0
ITPR3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.202	0	0	0	0	0
CSTP2	0	0	0	0	0	0	0	0.202	0	0	0	0	0	0	0
APOA5	0.202	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
LIPG	0.202	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
TCEB2P2	0.202	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ADRB2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201
PIGL	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201
PIGV	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201
UCP2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201
IGKV3OR2-268	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201	0
TRBV6-3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201	0
POLB	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0
CPXCR1	0	0	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CYTH2	0	0	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0	0	0	0	0
MTMR6	0	0	0	0.201	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>LRP6</i>	0.201	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MSK10</i>	0.201	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FUT10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2
<i>SMPDL3A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2
<i>UCP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2
<i>HIST1H3I</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2	0
<i>KALP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2	0
<i>BRP44L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2	0	0	0	0	0
<i>MCHR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.2	0	0	0	0	0	0
<i>HIST1H2AC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.199	0
<i>BAI3</i>	0.199	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SF</i>	0.199	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NAMPT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198
<i>RETN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198
<i>BAIAP2L2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198	0
<i>CTSL1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198
<i>FGF17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198
<i>TMCS5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.198	0	0	0	0	0
<i>NR3C1</i>	0	0	0	0	0.198	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DMRTC1B</i>	0.198	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIC12</i>	0.198	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NGFG</i>	0.198	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPOCK2</i>	0.198	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARL13B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197
<i>ARVD4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197
<i>PIGY</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197
<i>FKBP10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197
<i>SBSN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197	0
<i>TRBV13</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197
<i>NOL12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0
<i>CEP41</i>	0	0	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLD2</i>	0	0	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GYLT1B</i>	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MPP7</i>	0	0	0	0.197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARHGAP30</i>	0.197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUGT1</i>	0.197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CFC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196
<i>GPX1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196
<i>SLC2A9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196
<i>CWC22</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0
<i>PAX5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0

<i>PFN1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0
<i>PFN1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0
<i>PUS10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0
<i>ANO10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0
<i>NTF4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0
<i>PMCH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0
<i>JAG1</i>	0	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C19ORF46</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLDN19</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CMD1K</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM208B</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RBM11</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RCE1</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>REEP3</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RGAG4</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCHIP1</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SEMA4F</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SEPT9</i>	0	0	0	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRP3</i>	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR1273F</i>	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIRLET7A2</i>	0.196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GALNTL6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.195
<i>TNNC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.195
<i>SUMO1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.195	0	0	0	0	0
<i>SEPT7</i>	0	0	0	0	0.195	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOC4- APOC2</i>	0.195	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GUCY2GP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194
<i>PIGB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194
<i>TNRC6A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0
<i>TRRAP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0
<i>CSPG5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0
<i>RPGR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0
<i>LRRK48</i>	0	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGKV2D-40</i>	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSMA5</i>	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPON1</i>	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SRP9</i>	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TIAF1</i>	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM108</i>	0	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNPY4</i>	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MPV17L</i>	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>TFAP2B</i>	0.194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PKD1L2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193
<i>LRG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193	0
<i>MUC22</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193	0
<i>TTC31</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193	0
<i>LIG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0
<i>PRPH2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDIAS</i>	0	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NIDDM2</i>	0	0	0	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMOD3</i>	0.193	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NOS2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192
<i>TMEM57</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192
<i>F8A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0
<i>RNASEH1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0
<i>LPAR6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0
<i>MAP2K6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0
<i>TTLL11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0
<i>SRCIN1</i>	0	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDIA2</i>	0	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GBP2</i>	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNX18</i>	0	0	0	0.192	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MORF4L1P1</i>	0.192	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NIDDM3</i>	0.192	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BEST3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.191
<i>C1QTNF6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.191
<i>PAFAH1B1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.191	0
<i>RRM2P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.191
<i>TRNS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0	0
<i>CNGA3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.191	0	0	0	0	0	0
<i>BANF2</i>	0	0	0	0.191	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GJA6P</i>	0	0	0	0.191	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CEP72</i>	0.191	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHKG2</i>	0.191	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GNB2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19
<i>KCNA5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19
<i>PCBD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19
<i>PRKAG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19
<i>FKBP9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0
<i>SNAPC3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0
<i>G3BP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0	0	0
<i>RNF41</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0	0	0

<i>UGT1A9</i>	0	0	0	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBC1D5</i>	0	0	0	0.19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PCYOX1</i>	0.19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AASTH38</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>AASTH7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>ACACB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>ACCS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>DENND4C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>PIGM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>PLN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>RYR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>TNNI3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>C2CD4A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189
<i>UNC93A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.189	0	0	0	0	0
<i>HERC2P7</i>	0	0	0	0	0	0.189	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C11ORF24</i>	0.189	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MEGF10</i>	0.189	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TCTE3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.188
<i>LRRTM4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.188
<i>YKT6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.188
<i>IFT43</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.188	0	0	0	0	0
<i>NT5C1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.188	0	0	0	0	0
<i>QKI</i>	0	0	0	0.188	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHAD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187
<i>MIXL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187
<i>OR8J2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187
<i>EFEMP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0
<i>RHO</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0
<i>BDKRB1</i>	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CBLN2</i>	0	0	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AGPAT2</i>	0	0	0	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRP10</i>	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NKX6-3</i>	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SFI1</i>	0.187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARE1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0
<i>HESX1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0
<i>SYT13</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186
<i>CLDN14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0
<i>MIR219-1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0
<i>SIN3A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0

<i>AHDC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC38A1</i>	0	0	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC441869</i>	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A5P3</i>	0	0	0	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSTA7P</i>	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NUS1P3</i>	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SGK3</i>	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>VN1R2</i>	0.186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C6ORF170</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185
<i>GBX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185
<i>SFMBT2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185
<i>NUDT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185	0	0	0	0	0
<i>NEUROD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.185	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGFN1</i>	0	0	0	0.185	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CORIN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184
<i>PRDM16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184
<i>TMEM38A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184
<i>GPR62</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184
<i>LELP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184
<i>PROL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184
<i>SDHAF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0
<i>KAT2B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0
<i>RP6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0
<i>EPB41L2</i>	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SGSM3</i>	0	0	0	0.184	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KLHL23</i>	0.184	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC5A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>TM4SF18</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>HNF4GP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>PSORS8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>SEPT12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>SPRR2D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>SYT9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183
<i>ATOH7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0
<i>LHX8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0
<i>RGS11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0
<i>ERBB2IP</i>	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPB9</i>	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LAMA4</i>	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRFN4</i>	0	0	0	0.183	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPL23AP3</i>	0.183	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>ADRA1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182
<i>ATP8A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182	0
<i>GPR97</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182	0
<i>OPN4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0
<i>PTBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0
<i>DDX24</i>	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGKV1-37</i>	0	0	0	0	0.182	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KLHL22</i>	0.182	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PYGB</i>	0.182	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GEM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>PAICSP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>SLC2A7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>ASS1P7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>KIAA0913</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>PLCH2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>SMOX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>TFP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.181
<i>MEX3A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSD11B1</i>	0	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD3</i>	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ITGB4</i>	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAL</i>	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RNF10</i>	0	0	0	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C2CD2</i>	0.181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC2AXP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18
<i>COLQ</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0
<i>KAT2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0
<i>KCNIP4-IT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0
<i>KLHL20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0
<i>LIMK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0
<i>GNAT2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0
<i>RORB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0
<i>ERBB4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFB7</i>	0	0	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GBAP1</i>	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HMBOX1</i>	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFNA7</i>	0	0	0	0	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SRA1</i>	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TOMM70A</i>	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZXDC</i>	0.18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>TTL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.179
<i>NAA11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.179	0
<i>ATOH1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0
<i>VIP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0
<i>EEF2K</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UNC13A</i>	0	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCR2</i>	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPR1</i>	0	0	0	0	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DIAPH2</i>	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGSF8</i>	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAPK11</i>	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDGFC</i>	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R3B</i>	0.179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MEGF8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178
<i>SFXN4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178
<i>IGKV1OR-4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0
<i>SEMA5B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0
<i>BAI1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0
<i>LSM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0
<i>ATP2C1</i>	0	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBBP3</i>	0	0	0	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LPA</i>	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCARF1</i>	0.178	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AMPD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177
<i>ODCP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177
<i>RRM2P4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177
<i>CDAN3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0
<i>SEMA4A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0
<i>ENDOV</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0
<i>RN5S2@</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0
<i>ZACN</i>	0	0	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GJC1</i>	0	0	0	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C10ORF10</i>	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MORF4L1P3</i>	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF136</i>	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF600</i>	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAV3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>CD40LG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>MLYCD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>SLC2A14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176
<i>GPNMB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176	0

<i>OCLR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.176	0	0	0	0
<i>BUD13</i>	0	0	0	0	0.176	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TSPAN9</i>	0.176	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AZIN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0
<i>TRGJ2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0
<i>PDCD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0
<i>KHDRBS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MUSK</i>	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMPO</i>	0	0	0	0.175	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C13ORF41</i>	0.175	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRKAA2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174
<i>SLC2A8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174
<i>TMEM114</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174
<i>GTPBP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0
<i>MPG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0
<i>NRTN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0
<i>SAP30</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0
<i>TUSC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0
<i>EEF1A1P13</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0	0
<i>RDH8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.174	0	0	0	0	0	0	0
<i>ISYNA1</i>	0.174	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NUDT16L1</i>	0.174	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNASE1L2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0
<i>SNORD3B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0
<i>TMPRSS3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0
<i>COP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0
<i>POLR3C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0
<i>PENK</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPY1R</i>	0	0	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA0146</i>	0	0	0	0.173	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF295</i>	0.173	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC16A3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172
<i>SNTB2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172
<i>SPR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172
<i>SYPL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172
<i>MCTP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0
<i>TBL1X</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0
<i>CNRIP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0
<i>TAF6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0
<i>CARTPT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP6V1D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>MAGEE1</i>	0	0	0	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C1HR</i>	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MORF4L1P2</i>	0.172	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171
<i>CYSLTR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171
<i>RELA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171
<i>SLC5A12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171
<i>HIST2H2BA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0
<i>POTEM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0
<i>MBS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0
<i>FRS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0
<i>GTF2A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0
<i>TAF9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0
<i>ARMS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0
<i>BZW2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYNLL2</i>	0	0	0	0.171	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>A3GALT2P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17
<i>ANON</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17
<i>INVS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17
<i>TNNT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17
<i>SDHC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0
<i>GDA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0
<i>TADA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0
<i>CDHR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0
<i>TULP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0
<i>NUMBL</i>	0	0	0	0	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLEC18A</i>	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA0430</i>	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIS18A</i>	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OR7D2</i>	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A8</i>	0.17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SRI</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169
<i>SYT15</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169	0
<i>TRNAL47P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0
<i>ATP1B1</i>	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BDKRB2</i>	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLCN3</i>	0	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SERPINE2</i>	0	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LPAR1</i>	0	0	0	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPSAP13</i>	0.169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AGMO</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168

<i>MRGPRD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0
<i>PCDH20</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0
<i>AMYP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0	0
<i>SUDS3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0	0
<i>TAF12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0	0
<i>OPN1LW</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0	0	0
<i>SAG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.168	0	0	0	0	0	0
<i>INPP5J</i>	0.168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHKBP2</i>	0.168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RASA4</i>	0.168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GYG2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167
<i>GUCA1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0
<i>OPN1MW</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0
<i>JAKMIP2</i>	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ11</i>	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK6</i>	0	0	0	0	0	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C3ORF17</i>	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC729316</i>	0.167	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PIGZ</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166
<i>SLC2A4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166
<i>OR2C1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0
<i>NDUFS5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0
<i>PDE7B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0
<i>PYCARD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0
<i>CRB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0
<i>RDH12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0
<i>RNASEH2B</i>	0	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPY2R</i>	0	0	0	0	0	0.166	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MMAA</i>	0.166	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TLE3</i>	0.166	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DAND5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165
<i>PRO2268</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165
<i>CDRT15P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165
<i>VN2R1P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0
<i>PDE6C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0	0
<i>NSFL1C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.165	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBBP4</i>	0	0	0	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR204</i>	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SIRPG</i>	0.165	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADRA2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164
<i>B3GALNT2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164

<i>MIR377</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164
<i>ITGBL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0
<i>CLCN6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HNRPD1</i>	0	0	0	0	0.164	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HDLC3</i>	0.164	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RFK</i>	0.164	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PKD1L1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163
<i>FADS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0
<i>HSPB11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0
<i>IGKV1OR1-1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0
<i>IGKV1OR22-1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0
<i>CHDM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0
<i>GMPR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0
<i>RP24</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0
<i>UFD1L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CXCL12</i>	0	0	0	0	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C10RF167</i>	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZC3H12B</i>	0.163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNNI2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162
<i>HMBS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0
<i>OR10A4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0
<i>MSH3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0
<i>PYDC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0
<i>FHASD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0	0
<i>PDE6H</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.162	0	0	0	0	0	0
<i>DIXDC1</i>	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MMAB</i>	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PCDH18</i>	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R3D</i>	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PZP</i>	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF134</i>	0.162	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AQP7P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161
<i>C7ORF13</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161
<i>DIDO1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161
<i>JPH1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161
<i>MYSA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161
<i>PIGS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161
<i>FKBP7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0
<i>DRG2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0
<i>TMC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0
<i>EPN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0

<i>TAF1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0
<i>PALMD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0
<i>HADHA</i>	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MBD1</i>	0	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C17ORF39</i>	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FGF22</i>	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FILIP1</i>	0	0	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF488</i>	0	0	0	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C10RF135</i>	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SHMT2</i>	0.161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ART5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16
<i>KIAA1199</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0
<i>MYO1C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0
<i>OR6A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0
<i>GNAL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0
<i>OPN1SW</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0	0
<i>MRPL18</i>	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTFMT</i>	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ13</i>	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ST7-AS2</i>	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OTUD4</i>	0	0	0	0	0.16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DPM3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159
<i>PRL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159
<i>FSD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159	0
<i>NUDCD3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0
<i>PRPF3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0	0
<i>KCNF1</i>	0	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGKV1D-17</i>	0	0	0	0	0.159	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPE1</i>	0.159	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHF3</i>	0.159	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CATSPER3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158
<i>KPTN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0
<i>CSN1S1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0
<i>C40RF11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0
<i>MFRP-C1QTNF5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0
<i>GPC1</i>	0	0	0	0	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BW34</i>	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA13A</i>	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDGFD</i>	0.158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DDC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157
<i>EVC2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0

<i>KRT24</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0
<i>OTOG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0
<i>MLF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0
<i>NEDD8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0
<i>NLRP10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0
<i>MYO3B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0	0
<i>VPS37D</i>	0	0	0	0	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSNK1A1L</i>	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA7H</i>	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRAP</i>	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNHIT2</i>	0.157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FKBP1B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156
<i>SNX22</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156
<i>FLVCR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0
<i>MHS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0
<i>NPHP4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0
<i>FAUP1</i>	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FKBP5</i>	0	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RBP7</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RHOQ</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RIMKLA</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RUFY1</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUN2</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SYNE1</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM43</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRIM59-IFT80</i>	0	0	0	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EEF1B2P3</i>	0.156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC2A5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155
<i>DPY19L4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0
<i>JPX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0
<i>FGFR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0
<i>PDE6G</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0
<i>PITPNM3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0
<i>PLEKHA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0
<i>PRPF8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0
<i>COX11P1</i>	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUCLG1</i>	0	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNG4</i>	0	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C16ORF70</i>	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCR3</i>	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSN</i>	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>IGKV2-40</i>	0	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RIN2</i>	0	0	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAM19</i>	0	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD9</i>	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>INSRR</i>	0.155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PGP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154
<i>TOR3A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154
<i>TPRK8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154
<i>ATOD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0
<i>GLC3C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0
<i>KNCN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0
<i>TTC26</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0
<i>GFM2</i>	0	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC24A2</i>	0	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF5AP3</i>	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GANAB</i>	0	0	0	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AIMP1</i>	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AIS2</i>	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COMMD1</i>	0	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLIS3</i>	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ITGA11</i>	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OSTN</i>	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A1</i>	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A14</i>	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>VWSM</i>	0.154	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CORD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0
<i>GBX1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153
<i>H3F3AP4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153
<i>SYT5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0
<i>FAM151B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0
<i>TAF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0
<i>UGT1A12P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0
<i>PRPF31</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0
<i>VSX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0
<i>YOD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PEX10</i>	0	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BRCD1</i>	0	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TOR2A</i>	0	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRFN1</i>	0	0	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLNS1A</i>	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DDIT3</i>	0	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>APOH</i>	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC100506428</i>	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP3CB</i>	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A11P1</i>	0.153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PTX3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152
<i>ESYT3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0
<i>TMC7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0
<i>TMEM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0
<i>PCCA</i>	0	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SSTR1</i>	0	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GGA3</i>	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HMGCR</i>	0	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNX16</i>	0	0	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANKRD2</i>	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATOX1</i>	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BIRC3</i>	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DBX1</i>	0	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CTNND2</i>	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DDX50</i>	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HDLCQ1</i>	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRP5</i>	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIC7</i>	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TM9SF4</i>	0.152	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CABLES2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151
<i>PRKAG3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151
<i>RAB25</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151
<i>ALDH7A1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0
<i>MRGPRX4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0
<i>HTRA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0
<i>LRAT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0
<i>MIR103A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRSS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAPZA1P</i>	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IQSEC3</i>	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ16</i>	0	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CMTM2</i>	0	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXO40</i>	0	0	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C1ORF187</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C20ORF54</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C3AR1</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C6ORF10</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>CALCB</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CELSR3</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLDN5</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CUTC</i>	0	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AKR7L</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRAT1</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPRIN3</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTHFD1</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PARVG</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>VN1R3</i>	0.151	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PKD2L2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15
<i>SLC16A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15
<i>GLUD1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0
<i>ODF3B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15
<i>DYNC1LI2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0
<i>OPN3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFAF1</i>	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PCCB</i>	0	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ST7-OT4</i>	0	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MEPCE</i>	0	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TTTY5</i>	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TXLNB</i>	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAM8</i>	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CASP9</i>	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CRLF1</i>	0	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF432</i>	0.15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD52</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149
<i>CYP2D8P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149
<i>TAF5L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149
<i>LHFPL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0
<i>OTOP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0
<i>BTAF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0
<i>CERKL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0
<i>ACADM</i>	0	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ST7-OT3</i>	0	0	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRRN1</i>	0	0	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AIS1</i>	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AOX1</i>	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BTNL2</i>	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C5AR1</i>	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CDH6</i>	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>DDIT4</i>	0	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CACYBP</i>	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CTF2P</i>	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DIAPH1</i>	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OR7D4</i>	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PAR4</i>	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TAPVR1</i>	0.149	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD55</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148
<i>GAGE7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0
<i>TRPV1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0
<i>MAP3K13</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0
<i>TACR3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0
<i>TRNAK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0
<i>CRSA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0
<i>GLB1L3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A13</i>	0	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNIP2</i>	0	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCL3L3</i>	0	0	0	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAD1</i>	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADCYAP1R1</i>	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AIS3</i>	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C6orf27</i>	0	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LIPC</i>	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZCWPW2</i>	0.148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLIC6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147
<i>F13B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147
<i>GGTLCS5P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147
<i>MRPS25</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0
<i>CTAA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0
<i>PTPRQ</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0
<i>MED30</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0
<i>PSMB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0
<i>USP17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0
<i>NYX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0
<i>ABCD1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCD1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AP3D1</i>	0	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCL5</i>	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MMP1</i>	0	0	0	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAM15</i>	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COIL</i>	0	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>DLK2</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ESRRAP2</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NR1D1</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NR1H5P</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NUFIP1</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A6</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM198</i>	0.147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ALDH7A1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0
<i>SEMA4G</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0
<i>BRF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0
<i>ARCC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0
<i>NCAM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0
<i>DGUOK</i>	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFA11</i>	0	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBC1D7</i>	0	0	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>USP6</i>	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF189</i>	0	0	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ALCAM</i>	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANKRD1</i>	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANKRD46</i>	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BIRC2</i>	0	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BW33</i>	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAPS</i>	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ISX</i>	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUFU</i>	0.146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CACNA1S</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>CATSPER4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145
<i>MITF</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0
<i>TRBV5-4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.145	0
<i>MRPL24</i>	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDP1</i>	0	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNTN6</i>	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FGF12</i>	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK7</i>	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC8A1</i>	0	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2G1P</i>	0	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTMR3</i>	0	0	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CIITA</i>	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CX3CL1</i>	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DIRC1</i>	0	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANXA8L2</i>	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>COPD24</i>	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CUBN</i>	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KC6</i>	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SAA4</i>	0.145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGFL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0
<i>NSDHL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0
<i>AP2A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0
<i>SIN3B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF644</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCD1P4</i>	0	0	0	0	0	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAM17</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAM21</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AITD2</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SMNDC1</i>	0	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C14ORF166</i>	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA5G</i>	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MORF4L2P1</i>	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A10</i>	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TSPAN6</i>	0.144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2D7P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143
<i>ASS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143	0
<i>TRPM8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0
<i>EPS15</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPR75</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRNP35</i>	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPB</i>	0	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AKT2</i>	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOC2</i>	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM50B</i>	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PUSL1</i>	0.143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CASQ2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142
<i>CATSPERG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142
<i>SLC2A3P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142
<i>TMEM146</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142
<i>ANO6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0
<i>CEACAM16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0
<i>TMEM127</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0
<i>CASP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0
<i>SH3GLB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0
<i>PPEF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0
<i>SATB2</i>	0	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>HDGFRP2</i>	0	0	0	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SH3D21</i>	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SHROOM3</i>	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLIT1</i>	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLIT3</i>	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPB2</i>	0	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOC3</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DCDC5</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYRK3</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM82B</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC100289473</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLTP</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRKXP1</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>THAP5</i>	0.142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBC1D4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141
<i>LTBP4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0
<i>PUS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0
<i>SEC23B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0
<i>STOML3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0
<i>NFYA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0
<i>ARL6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARR3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0
<i>CABP5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0
<i>COL9A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0
<i>GRAMD1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0
<i>CPT2</i>	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPS28</i>	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDP2</i>	0	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LHX6</i>	0	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ESR1</i>	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDCD7</i>	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SOAT1</i>	0	0	0	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SKOR2</i>	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC38A5</i>	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPC</i>	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPD1</i>	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SOX14</i>	0	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AASTH42</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CCND3</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA18C</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HMGN2P3</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>NUBP2</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OFC4</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRUNE</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAC1P5</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A4</i>	0.141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ENG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14
<i>ACTG1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0
<i>DOCK8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0
<i>TRPA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0
<i>FBXL5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0
<i>TMEM107</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0
<i>RBM14-RBM4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ETFB</i>	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFB2</i>	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UGT1A1</i>	0	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HAX1</i>	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ5</i>	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK1</i>	0	0	0	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABR</i>	0	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPG</i>	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SOX3</i>	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>STMN1</i>	0	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ECE1P2</i>	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRAFD1</i>	0.14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RSPH10B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139
<i>RPL27A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139
<i>SMPD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0
<i>SPHK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0
<i>SPNS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0
<i>GLA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0
<i>CFL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0
<i>NPM1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0
<i>TACR2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0
<i>NPLOC4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSTP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATAD3A</i>	0	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DCDC1</i>	0	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF5AP2</i>	0	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GJA4</i>	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PTCPRN</i>	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RALGAPB</i>	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>RAP1A</i>	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCG3</i>	0	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C1R</i>	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GYG2</i>	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRIB1</i>	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF668</i>	0.139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGKV3OR22-2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0
<i>QRSL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0
<i>SERP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0
<i>SLC11A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0
<i>VPS11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0
<i>WIP12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0
<i>ANO3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0
<i>CHM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0
<i>RRH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0
<i>EZR</i>	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ12</i>	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC6A15</i>	0	0	0	0	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLEKHG5</i>	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R15A</i>	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRG4</i>	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPP38</i>	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCAF4</i>	0	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATPSB</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BPIFA3</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IRS3P</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KRTAP12-2</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRRKIP2</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PARVA</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A5</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A7P1</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SIK3</i>	0.138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2D7BP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137
<i>ASB11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0
<i>RAB3IL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0
<i>TLCD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0
<i>TRAP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0
<i>UGCG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0
<i>USP30</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0
<i>TRNM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0
<i>RNF4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0

<i>PDE6D</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0
<i>SRSF6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF597</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCD1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NUCB1</i>	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXW10</i>	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUN1</i>	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF723</i>	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF726</i>	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF878</i>	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RGMA</i>	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RHEBL1</i>	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ROBO3</i>	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPL13AP17</i>	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA1B</i>	0.137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CASKIN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136
<i>CUL9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136
<i>SLC25A39</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136
<i>HYD2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0
<i>PRSS56</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0
<i>SDHB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0
<i>TRPV2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0
<i>PDXP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0
<i>TAC4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0
<i>COQ9</i>	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFA8</i>	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A20</i>	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A29</i>	0	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DLX6</i>	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ERC2</i>	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FLNA</i>	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ8</i>	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNS2</i>	0	0	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SAR1B</i>	0	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RASL10A</i>	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF280D</i>	0	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>XIAP</i>	0	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ASF1A</i>	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP5EP1</i>	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CTNNBIP1</i>	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LPAL2</i>	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>NIN</i>	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPSAP12</i>	0.136	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CABP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135
<i>CYP1A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135
<i>EYA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0
<i>OMP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0
<i>CARD17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0
<i>CASP10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0
<i>CASP5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0
<i>CASP7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0
<i>RD3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0
<i>TIMM22</i>	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UQCRCFS1</i>	0	0	0	0	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HIGD1C</i>	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HRH1</i>	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSR</i>	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA0319L</i>	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCZD11</i>	0	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TIMP2</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TIMP3</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TJP1</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNFRSF21</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>YWHAQ</i>	0	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPIHBP1</i>	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYLIP</i>	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NUFIP1P</i>	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SHMT1</i>	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>WRB</i>	0.135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>POLD2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134
<i>BARHL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0
<i>HMX3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0
<i>ADD3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0
<i>CNGB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0
<i>TUB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0
<i>SLC37A1</i>	0	0	0	0	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DENND1A</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HIGD1AP1</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA0564</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MACROD2</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NTSR1</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NXF3</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>PCDHA1</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R9A</i>	0	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBX4</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TIMP1</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNFSF12-TNFSF13</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRBV20-1</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRPM2</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UNCX</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UOX</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UQCC</i>	0	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRAT2</i>	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC100287306</i>	0.134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PTCD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0
<i>GFRA2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0
<i>EIF2S1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0
<i>MEOX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0
<i>AQP1</i>	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GFM1</i>	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLUD1P5</i>	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PEX13</i>	0	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK17</i>	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPY5R</i>	0	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C9ORF156</i>	0	0	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR586</i>	0	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EFNB2</i>	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PITX1</i>	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRIM15</i>	0	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFNR</i>	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAPK1IP1L</i>	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP3R1</i>	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCARB1</i>	0.133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP11B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132
<i>ASS1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0
<i>SRM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0
<i>AEN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>AGBL5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>AIFM3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>ATM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>ATRN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>BECN1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0

<i>BNIP3L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>PRDX3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0
<i>IDS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0
<i>DPF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0
<i>MYO1H</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0
<i>MYP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0
<i>OTOA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0
<i>GTF2B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>HIST3H3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>MAP3K9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>OGG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0
<i>ZBED4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0
<i>KHSRP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FASTKD2</i>	0	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SEC11A</i>	0	0	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LINC00272</i>	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SOX11</i>	0	0	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GTF2H2</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HCG4</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HDAC11</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HNRNPH3</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HOXC10</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFI30</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFNAR1</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PCDH8</i>	0	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C12ORF33</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2T3P</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM55B</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXL3</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXW7</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FCHO1</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FOLR4</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GYS2</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSP90AB3P</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFB10</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A7L2</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TAPT1</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRIL</i>	0.132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AASTH17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131
<i>ZNF692</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131
<i>ACP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0

<i>AMIGO2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>ASAH1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>C11ORF31</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>C1Q1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>C9ORF114</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>CD68</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>CERS6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>CTSA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0
<i>CATSPER2P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0
<i>PIRT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0
<i>HDAC7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0
<i>NLRP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0
<i>C1QTNF5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0
<i>HMX1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0
<i>ICAM1</i>	0	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SBF1</i>	0	0	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ELavl1</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXO32</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FLI1</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSTA4</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HEATR7B2</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HFE</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFNAR2</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFNB1</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGFALS</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGFBP2</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IL21</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ISL2</i>	0	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR5095</i>	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R2P3</i>	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPL3P1</i>	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM132A</i>	0.131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NEDE</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0
<i>UROD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0
<i>CLTC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0
<i>EPN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0
<i>PHGR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0
<i>TLL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0
<i>GRK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0
<i>MFRP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0
<i>RP1L1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0

<i>KCNA3</i>	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRRC4B</i>	0	0	0	0	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EFNB3</i>	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EPO</i>	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ETS2</i>	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM167A</i>	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FUT4</i>	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GEMIN6</i>	0	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATIC</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HMGCLL1</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ILK</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ITGB1BP3</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OFC3</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R3G</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAC1P3</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A7A</i>	0.13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PGAP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>SLC16A5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>PPWD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129
<i>CTSF</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>CYBB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>LAPTM5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>LRPPRC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>MGRN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>MTRF1L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>NDUFB8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>NEU4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>OMA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>P1K3C3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>PLA2G3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>PLG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0
<i>DGKB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0
<i>NEIL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0
<i>IMPG2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0
<i>RGS7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0
<i>TUG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRANK1</i>	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TREX1</i>	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCC8</i>	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARL6IP6</i>	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RBFOX1</i>	0	0	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>ELMOD3</i>	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SYNE2</i>	0	0	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GDI2P1</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ISLR2</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA1598</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYO9B</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NCALD</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NKX6-2</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NPHS1</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NRCLP</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ODZ1</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OLIG1</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OLIG3</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OR12D3</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OSTF1</i>	0	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AFM</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARHGAP35</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CALR</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHAF1B</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLASP2</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ENO1P1</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA19A</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HEBP2</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MARCH1</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A7P2</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SQRDL</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF366</i>	0.129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AQP7P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128
<i>CHST9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128
<i>CILD4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128
<i>FKBP11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0
<i>DNAJB9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0
<i>DRAM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0
<i>EARS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0
<i>EDEM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0
<i>EFHD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0
<i>IGF2R</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0
<i>COQ6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0
<i>GIPC3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0
<i>CEBPA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>DCTN6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0

<i>MIR1470</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0
<i>ANKH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>BFAR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>RDH5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>RGR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPE65</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0
<i>LIFR</i>	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LINC00162</i>	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LINC00163</i>	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LINC00165</i>	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LMO4</i>	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MT1P3</i>	0	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CABYR</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CRB3</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSDAP1</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DPYSL3</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FER1L5</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FSCB</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GCLC</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GUCA1C</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MSK9</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100Z</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZXDA</i>	0.128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AHNAK2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127
<i>PPATP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127
<i>DNAJA4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0
<i>DNAJB12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0
<i>FASTKD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0
<i>GNPTG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0
<i>GUSB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0
<i>KIRREL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0
<i>EDF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0
<i>CABP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM66</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0
<i>TSFM</i>	0	0	0	0	0	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIRREL</i>	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LHX5</i>	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC100288318</i>	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MDGA2</i>	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MET</i>	0	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ESRRAP1</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>MIR510</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>NTT</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>S100A12</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>VN1R4</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>ZNF132</i>	0.127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>C1QTNF7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	
<i>C6ORF221</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	
<i>CAT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	
<i>NPPA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	
<i>FASTKD3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0
<i>FASTKD5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>FTMT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>GATC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>GLB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>GM2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>GPR63</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>HSCB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>HSPA6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	
<i>HOGA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	
<i>NIPAL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	
<i>TPRN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	
<i>TACR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	
<i>GRK7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	
<i>HMCN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	
<i>MIAT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	
<i>RS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	
<i>ZMPSTE24</i>	0	0	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>LOH1CR1</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>LOX</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>LSM10</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>LSM11</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>MAP1A</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>MBP</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>MEOX1</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>MSTN</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>MT1E</i>	0	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>DEPTOR</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>FRA2G</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>GSR</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>GTPBP1</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
<i>GYG1</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

<i>PLSCR4</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>POM121C</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPFIBP1</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRR5L</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPAG5</i>	0.126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYCS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0
<i>JKAMP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0
<i>NAT8L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0
<i>NEU1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0
<i>POGK</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0
<i>MSRB3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0
<i>OR51B4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0
<i>P2RX3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0
<i>TECTB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0
<i>TRNR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0
<i>CEND1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0
<i>LDHC</i>	0	0	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF3A</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MT4</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NR1H2</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NSF</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PAX1</i>	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCG8</i>	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CA11</i>	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYRK1B</i>	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSTM5P1</i>	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LIPI</i>	0.125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC2A3P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124
<i>FNTAP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124
<i>GLUD1P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0
<i>PKDCC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124
<i>CERS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>LAMP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>LONP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>MTRF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0
<i>FAM188B2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0
<i>TMC4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0
<i>CTBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0
<i>DAGLB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0
<i>ACAD9</i>	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPL22</i>	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>MRPL38</i>	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFS6</i>	0	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHRNB1</i>	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CUX2</i>	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>L1RE4</i>	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SSTR4</i>	0	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ND2</i>	0	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNTNAP4</i>	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SRBD1</i>	0	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C11ORF96</i>	0	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABLIM1</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD226</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FMO1</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GALR2</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGFBP3</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTF1</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MYT1L</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NOTO</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPD3</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBCD</i>	0	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ALDH1L1</i>	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM60A</i>	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LPL</i>	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPS6KA3</i>	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SENP2</i>	0.124	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP1A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123
<i>ACO1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0
<i>LPPR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0
<i>MAP6D1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0
<i>MTIF3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0
<i>DFNB51</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0
<i>MYH14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0
<i>TMC6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0
<i>TRAPP2C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0
<i>CLTB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0
<i>TAF2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0
<i>TAF7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0
<i>FOSB</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0
<i>PROX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0
<i>AUH</i>	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COX4I2</i>	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>PEX6</i>	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHKA2</i>	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>POLG2</i>	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK18</i>	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BANK1</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C10ORF27</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CRYAB</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBL</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FOLH1B</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GEMIN5</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GEMIN8</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPR161</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GRIPAP1</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MZB1</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NKX6-1</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NODAL</i>	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ALAS1</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BTRC</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF2B3</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LDLRAP1</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MTHFD2</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NCOA2</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF280B</i>	0.123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADRB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122
<i>BRD7P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122
<i>PIGG</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122
<i>ASIP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0
<i>CLPP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0
<i>COX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0
<i>COX6C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0
<i>C6ORF120</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0
<i>PIK3R4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0
<i>BEST1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0
<i>CDK1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CMM4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DEFT1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FMNL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HNRNPA2B1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KHDRBS3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAP2K1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRMT8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>DPYS</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ETHE1</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FARS2</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA1E</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GK</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLYCTK</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MBD6</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MOCS2</i>	0	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHP2</i>	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FXYD7</i>	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM163</i>	0	0	0	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF17</i>	0	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HGF</i>	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IL21R</i>	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IL6R</i>	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ISL1</i>	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNFSF13B</i>	0	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCG5</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DHFR</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DVL2</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM153B</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR320A</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TCN2</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF131</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF26</i>	0.122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CXADR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121
<i>IFT80</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0
<i>OR10J5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0
<i>NPM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0
<i>TAF5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0
<i>NGLY1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATPAF2</i>	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BCKDHA</i>	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPL52</i>	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RNASEH2A</i>	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RRIS</i>	0	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZDHHC3</i>	0	0	0	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DLGAP3</i>	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IFITM8P</i>	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>INTS4</i>	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA0513</i>	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>NF1</i>	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NXF2</i>	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R9B</i>	0	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBX6</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM39A</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMOD4</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNFSF12</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRMT1L</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UBE2H</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>VANGL2</i>	0	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLEC4D</i>	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYRK4</i>	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ECE1P3</i>	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA11B</i>	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPRIN2</i>	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NFATC1</i>	0.121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PALM2-AKAP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12
<i>ANO8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0
<i>KRT9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0
<i>MTO1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0
<i>GRM6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0
<i>PDE6A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0
<i>ABCG2</i>	0	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP1B3P1</i>	0	0	0	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP3CC</i>	0	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>VAPA</i>	0	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AKAP11</i>	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C21ORF33</i>	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LOC100271918</i>	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>QPCTL</i>	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RFC1</i>	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>YBX1P10</i>	0.12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APLN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119
<i>PGS1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119
<i>TNNT3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119
<i>CDSN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0
<i>RILPL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0
<i>SLC25A14</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0
<i>ST8SIA1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0
<i>STX8</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0

<i>TMED4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0
<i>VPS35</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0
<i>LMBRD1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0
<i>FOXI3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0
<i>IFT27</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0
<i>NDUFB9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0
<i>SDHD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0
<i>TMC3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0
<i>BAIAP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0
<i>MIR30A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0
<i>OPN1MW2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0
<i>VCPIP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRNAP1</i>	0	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNH8</i>	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNJ3</i>	0	0	0	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAMKK2</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CDC42SE2</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TDO2</i>	0	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>POP7</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSMB9</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAPGEF6</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>REXO4</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RHEB</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RRAD</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SEMA4D</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPD2</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPE</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNRPF</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBX18</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TBX20</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF433</i>	0	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANGPTL3</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CIB3</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CKAP5</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CTPS</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRAXB</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NR1D2</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PAQR9</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAD54B</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRIM29</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF140</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>ZNF808</i>	0.119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CST9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118
<i>SRL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118
<i>VN1R7P</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0
<i>EIF2C2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0
<i>FAAH2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0
<i>GNG7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0
<i>A1PL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNGB3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0
<i>RP23</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0
<i>SERPINF1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0
<i>SOX9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSF2</i>	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SEMA6A</i>	0	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANKRA2</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOA4</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GPR27</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSS</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAP1GAP</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S7</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPICE1</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SPON2</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SSPO</i>	0.118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C19ORF43</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0
<i>SEMA4B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0
<i>C7orf30</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COX18</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COX6B1</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HADH</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPS16</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NAGS</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDHB</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSPH</i>	0	0	0	0	0	0	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AXIN1</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BOLA2B</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF2AK4</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ITGA10</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NACA</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PCBP2P2</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>XCE</i>	0.117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EFR3A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0

<i>FAM151A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0
<i>LHFPL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0
<i>ABCA4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0
<i>CABP4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0
<i>ARSE</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COX7B</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPL21</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPL55</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PTCD2</i>	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>XS</i>	0	0	0	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APC2</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BW32</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C14ORF129</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CDR1</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CEP192</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHE2</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSNK1A1</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DIAPH3</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA6F</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GRHL3</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>INSM2</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNFSF18</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF460</i>	0.116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAMTSL4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0
<i>CDAN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0
<i>IFT122</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0
<i>LHFP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0
<i>OTOP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0
<i>NEIL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0
<i>PGK1P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0
<i>ELOVL4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0
<i>IMPDH1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA0556</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0
<i>ACADS</i>	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUCLA2</i>	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SUOX</i>	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UQCRC2</i>	0	0	0	0	0	0	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANXA6</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EPF5</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR302C</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MX2</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>PMVK</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPS29</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF205</i>	0.115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RMRP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0
<i>ALDH7A1P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0
<i>HSCRM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0
<i>LRRK4C</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0
<i>STOM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0
<i>FAM53B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0
<i>FGF9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0
<i>GNAT1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0
<i>PITPNM2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0
<i>BCKDHB</i>	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PEX2</i>	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UPB1</i>	0	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NALCN</i>	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TTC37</i>	0	0	0	0	0	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ACAT2</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APPL2</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C16ORF7</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAPZA1</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD47</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF2B1</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF2S2</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GSTP1P1</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PLA1A</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PMS2LP2</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R2</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TTIM1</i>	0.114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADRB3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113
<i>TAF9P3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113
<i>CATCN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0
<i>OR8A1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0
<i>VUR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0
<i>MIR1251</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0
<i>NRL</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0
<i>GOT1</i>	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>METTL17</i>	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MGC1</i>	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UQCRI1</i>	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UNC80</i>	0	0	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>CST8</i>	0	0	0	0	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AIF1L</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOC4</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EPF8</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA16D</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP2R5D</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RADIL</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RANBP9</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RICTOR</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC31A1P1</i>	0.113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD46</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112
<i>SHROOM4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112
<i>ACCN3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0
<i>GFRA3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0
<i>HAUS3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0
<i>MAP3K11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0
<i>UNGP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF513</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.112	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANAPC16</i>	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP5E</i>	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CTH</i>	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ECEL1P1</i>	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MCU</i>	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A2</i>	0.112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C8A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111
<i>CCDC149</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0
<i>SPATA18</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0
<i>PCNL2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0
<i>SLC26A5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0
<i>GUCA1A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>GUCY2F</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>RBP3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>RGS9BP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>ROM1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>WDR17</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR1307</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR2110</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EXOSC1</i>	0	0	0	0	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FXR1</i>	0	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM47A</i>	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GAR1</i>	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>RALGAPA2</i>	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TIAM1</i>	0	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BP33</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BP9</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BPIFB6</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD151</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EML2</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA1M</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HN1</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HPE1</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PFKL</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPAIN</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCAR2</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCGB1D4</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF101</i>	0.111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAJB11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>M6PR</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>PLAT</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>SLC25A27</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>MMEDF</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0
<i>LHFPL3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0
<i>LHFPL5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0
<i>ND4L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0
<i>PIEZ02</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0
<i>TMIE</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0
<i>TAF13</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0
<i>UBE2E1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0
<i>NUP62</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0
<i>POLR2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0
<i>AMMECR1</i>	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UGT2B7</i>	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UQCRB</i>	0	0	0	0	0	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADAMTS14</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD200</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GALR3</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GCLM</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LGALS3</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NGRN</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OR2H1</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PSORS1C1</i>	0	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AURKAPS1</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>MXRA8</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRKD3</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PUS3</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPS9P1</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SORCS2</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>STBD1</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRIM59</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZCCHC8</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNHIT3</i>	0.11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATRNL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>CERS2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>COX17P1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>DNAJA2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>DNAJB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>MANBA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>PNPLA7</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0
<i>ANKMY2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>PPOX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>TRIOBP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0
<i>PDC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0
<i>C17ORF42</i>	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DLAT</i>	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UGT1A4</i>	0	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ABCC1</i>	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK4</i>	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNK5</i>	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNS3</i>	0	0	0	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DSCAM</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LRRC37B</i>	0	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM69A</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GEMIN7</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GRIP1</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HT</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IGFBP4</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>IL26</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIF3B</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LBX1</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NKX1-2</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>P2RX4</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>THM</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TNFSF14</i>	0	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>BPIFB2</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BPIFB5P</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BPIFC</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C17ORF89</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLF</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA16A</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FTH1P15</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GNAI2P1</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MAGED4</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PGM5P1</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PHKBP1</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPIEL</i>	0.109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>B3GALT6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108
<i>SGPL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>VPS16</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>WDR45L</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0
<i>GPR171</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0
<i>HMX2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0
<i>LHFPL4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0
<i>SLC12A2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0
<i>COX16</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COX19</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDHA1</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RNASEH2C</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPP30</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RRM2B</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCO1</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TAZ</i>	0	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLCN4</i>	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DLX2</i>	0	0	0	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPS27P3</i>	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TCERG1L</i>	0	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADCYAP1</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLEC16A</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSF3</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DYNC2LI1</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP4R2</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RPS6</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RUFY3</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SNUPN</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>YWHAH</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>ZBTB43</i>	0	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ADCK1</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOBR</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD93</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLNS1AP1</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP2T2P</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DEF6</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HMGCL</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A9</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TC2N</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF451</i>	0.108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TTC1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0
<i>PSORS3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0
<i>SRSF4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0
<i>FOXRED1</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFA9</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PC</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PET112</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC25A6</i>	0	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FBXO33</i>	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KCNG1</i>	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SSTR2</i>	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SSTR3</i>	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ST7-AS1</i>	0	0	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NARF</i>	0	0	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C9ORF174</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD163</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLCF1</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CMM</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CNN3</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DLL1</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DNAH1</i>	0	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BATF3</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BHMT</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BPIFB4</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C10ORF88</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C18ORF1</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLASP1</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSRNPI</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYB5R1</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DEAF1</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>FBXL14</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FMNL2</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>INMT</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NCOA5</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OB10Q</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PAQR6</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PPP1R3E</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SH3BGR</i>	0.107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ALG10B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106
<i>ILDR1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0
<i>MRGPRE</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0
<i>UROS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0
<i>PDAP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0
<i>CFH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0
<i>CYMD</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0
<i>POMC</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0
<i>AMT</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BCKDK</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C7</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>GLUD2</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OXCT1</i>	0	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>KIAA1468</i>	0	0	0	0	0	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>A2ML1</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ACRPS</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CENPO</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHDS1</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSNK1E</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYB561D2</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FAM82A1</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRDM6</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZBTB12</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZNF181</i>	0.106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANO9</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105
<i>NTRK3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0
<i>RIPK2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0
<i>TRMEP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0
<i>PALM</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0
<i>HCCS</i>	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>OGDHL</i>	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UQCRI0</i>	0	0	0	0	0	0	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ALAD</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>BW16</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>BW17</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C12ORF52</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYP7A1</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DAB2</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DCAF7</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EIF4A1P1</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>FRA1H</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDPK1</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PRDM4</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAC1P2</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100P</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC5A3</i>	0.105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD59</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104
<i>SLC2A10</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104
<i>C17ORF28</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0
<i>HFE2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0
<i>PHOX2B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0
<i>WDR35</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0
<i>ZNF791</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0
<i>NR2E3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0
<i>TRIM4</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPL34</i>	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MRPS22</i>	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PDHX</i>	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UGT1A5</i>	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>UQCRC1</i>	0	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PORCN</i>	0	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>LYZ</i>	0	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM47</i>	0	0	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AIDA</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AXIN2</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CHDS4</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DMRTC1</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NCOA3</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PGM2L1</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMOD2</i>	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TRDN</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103
<i>CPOX</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0
<i>KTCN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0
<i>PFN2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0

<i>PPP3CA</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0
<i>TRNAP2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0
<i>CAPN3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0
<i>CLUL1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0
<i>FGFR3</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0
<i>NDUFV2</i>	0	0	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CD4</i>	0	0	0	0	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANXA9</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOA2</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CSNK1G3</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HLA-DPA2</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>HSPA14</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>MIR1273G</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NFATC3</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PARVB</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RWDD3</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A13</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>S100A3</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SETD4</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SLC19A1</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TFAP2E</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>YBX1P1</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZC3H12A</i>	0.103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AQP7P2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102
<i>STK11</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102
<i>SBDS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0
<i>DFNA5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0
<i>FADS6</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
<i>FECH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
<i>KIF12</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
<i>KRT74</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
<i>LIPH</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
<i>MYO1F</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0
<i>EPRS</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0
<i>RLBP1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0
<i>UNC119</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0
<i>ZCRB1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ACADVL</i>	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATPIF1</i>	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CRLS1</i>	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CYTB</i>	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>DBT</i>	0	0	0	0	0	0	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>A2MP1</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>APOO</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATP5L2</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATPAF1</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>AURKAIP1</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD26</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>DOCK6</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>EOS</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NKD1</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PYGL</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RAC1P4</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RASD1</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>THBS4</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TUBGCP5</i>	0.102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ANKS4B</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0
<i>CTPP</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0
<i>DFNB26</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0
<i>HPC5</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0
<i>KRTAP5-1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0
<i>PHOX2A</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0
<i>HHC3</i>	0	0	0	0	0	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARHGAP31</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ATHS</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C8ORF44-SGK3</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>C8ORF73</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CAPZA2</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>CARNS1</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>COPD25</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NFATC4</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>PIAS1</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RIBC1</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>RORA</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SBNO2</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>TMEM185B</i>	0.101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ACCN1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0
<i>IMPG1</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0
<i>IDSP1</i>	0	0	0	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ZFP57</i>	0	0	0	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARAF3P</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>ARHGDIG</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

<i>FGF11</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>NFU1</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>SCARF2</i>	0.1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0